



Par courrier électronique

Le 7 décembre 2018

Aux Utilisateurs MALDI-TOF

Objet : Identification de *C. auris* - VITEK MS avec nouvelle BD V3.2

Chers utilisateurs MALDI,

Pour ceux qui ont installé ou installeront sous peu la nouvelle version 3.2, je tiens à vous informer que nous avons validé au LSPQ que l'identification de *Candida auris* fonctionne bien.

Sur les 40 souches de *C. auris* testées au LSPQ, toutes ont été identifiées correctement avec la BD clinique V3.2 du VITEK MS
Idem pour les espèces génétiquement proches : *C. haemulonii* et *C. duobushaemulonii* (avec 10 souches testées).

L'algorithme d'identification LSPQ-AMMIQ de *C. auris* sera mis à jour sous peu (<https://www.inspq.qc.ca/lspq/protocoles-de-laboratoire>).

Dans le cadre de la vigie rehaussée pour *C. auris*, on vous demande aussi de nous faire suivre toute souche ou suspecte identifiée comme *C. auris* pour confirmation et le suivi de cas.

Merci de votre collaboration,

Philippe Dufresne, Ph.D., Mcb.A., RMCCM

Microbiologiste et chercheur d'établissement

Responsable du laboratoire de mycologie et de la biosécurité

(514) 457-2070 poste 2226

philippe.dufresne@inspq.qc.ca