



Notes de publication

MBT IVD Library 2023

Couvrant 4 239 espèces/entrées (12 299 MSP)

Table des matières

1	Présentation.....	2
1.1	Quelles sont les nouveautés de la MBT IVD Library 2023 ?.....	2
1.2	Améliorations principales.....	2
1.3	Bibliothèques réservées aux travaux de recherche	3
1.4	MBT IVD Library Extension (N° 1846904).....	4
1.5	État de révision des notes de publication de la MBT IVD Library	5
2	Entrées MSP supprimées.....	6
3	Changement de nom	11
4	Modifications apportées aux indications de référence	23
5	Amélioration des genres/espèces grâce à l'implémentation d'autres entrées de référence.....	34
6	Instructions d'installation.....	37
7	Annexe.....	38
7.1	Indications de référence	38
7.2	Renseignements requis uniquement pour les personnes utilisant des codes d'échantillons spécifiques au laboratoire	179
7.3	Informations complémentaires pour <i>Staphylococcus argenteus</i> / <i>schweitzeri</i>	180
7.4	Informations complémentaires pour <i>Streptomyces</i> sp	180
7.5	Informations complémentaires pour le complexe <i>Enterobacter cloacae</i> (ECC).....	181
7.6	Informations complémentaires pour les nouvelles entrées de bibliothèque pour les levures	181
7.7	Amélioration des entrées de référence pour l'espèce <i>Bacillus cereus</i>	182

1 Présentation

1.1 Quelles sont les nouveautés de la MBT IVD Library 2023 ?

- **607 nouveaux spectres de référence (MSP)** au total.
- La couverture de la diversité de **201** espèces déjà présentes dans la bibliothèque de référence MBT IVD a été améliorée (voir tableau 6).
- **12 299 MSP** au total

1.2 Améliorations principales

- Amélioration de la précision des espèces au sein du groupe *Bacillus cereus*.
- Amélioration des performances d'identification des espèces *Staphylococcus* grâce à la préparation des échantillons eDT.

Améliorations globales :

	Nouveau MSP (à partir de 607)	Espèces couvertes	Souches aérobies	Souches aérobies	Souches aérobies
Gram-	103	61	69	4	30
Gram+	456	120	378	1	77
Levures	48	20	48	-	-

Nombres globaux de la MBT IVD Library 2023 :

	MSP	Genre	Espèces
Gram-	4 742	300	1 671
Gram+	6 281	318	2 348
Levures	1 276	68	220
Σ	12 299	686	4 239

Remarque : la bibliothèque MBT IVD Library ne contient pas de MSP de mycobactéries ou de champignons filamenteux.



La bibliothèque MBT IVD Library est compatible uniquement avec les versions de logiciels IVD MBT suivants :

- MBT Compass IVD (n° 1832771)
- MBT Compass HT IVD (n° 1877017)

Remarque : le support des versions du logiciel IVD MALDI Biotyper 2.2 et IVD MALDI Biotyper 2.3 a été interrompu.

Remarque : pour l'identification des mycobactéries dans le flux de travail MALDI Biotyper IVD, l'installation du module MBT Mycobacteria IVD Module ou MBT HT Mycobacteria IVD Module est nécessaire.

Remarque : pour l'identification des champignons filamenteux dans le flux de travail MALDI Biotyper IVD, l'installation du module MBT HT Filamentous Fungi IVD Module est nécessaire.

Pour le MBT Compass HT IVD, utilisez les logiciels et modules suivants avec la MBT IVD Library Revision 2023 :

- MBT Compass HT IVD 5.2.310 (n° 1877017)
- MBT HT Mycobacteria IVD Module version 7.0 (n° 1877012)
- MBT HT Filamentous Fungi IVD Module version 2023 (n° 1877013)

1.3 Bibliothèques réservées aux travaux de recherche

Des configurations/modules de bibliothèques MBT Library sont disponibles et peuvent être installés en parallèle avec la bibliothèque MBT IVD Library.

Remarque : les bibliothèques RUO peuvent être utilisées uniquement en combinaison avec les versions logicielles MBT RUO. Celles-ci ne sont pas accessibles par le logiciel MBT Compass IVD.

1.4 MBT IVD Library Extension (N° 1846904)

La MBT IVD Library Extension contient des spectres de référence supplémentaires de micro-organismes hautement pathogènes (par exemple *Brucella* sp.), qui ne sont pas inclus dans la MBT IVD Library. Ces spectres de référence sont apparentés aux domaines de la « microbiologie clinique » et de la « sécurité intérieure » et sont utilisés pour l'identification des microorganismes hautement pathogènes dans le cadre du flux de travail MBT Compass IVD en association avec la MBT IVD Library.

La MBT IVD Library Extension comprend actuellement 5 espèces/groupes de 5 genres (voir Tableau 1).

Tableau 1 : Liste des espèces de la MBT IVD Library Extension

N°	Espèce
1	<i>Bartonella quintana</i>
2	<i>Brucella</i> sp
3	<i>Burkholderia mallei/pseudomallei</i> group
4	<i>Francisella tularensis</i>
5	<i>Vibrio cholerae</i>

Remarque : si cette MBT IVD Library Extension n'est pas installée, les microorganismes hautement pathogènes inclus dans cette bibliothèque ne peuvent pas être correctement identifiés.

Les micro-organismes hautement pathogènes qui ne sont pas inclus dans la MBT IVD Library Extension (par exemple, *Bacillus anthracis*) ne peuvent pas être identifiés ou seront commentés dans les indications de référence des micro-organismes moins pathogènes étroitement apparentés inclus dans la MBT IVD Library (par exemple, *Bacillus cereus*).

Lors de l'installation, le MBT Compass IVD (N° 1832771) ou le MBT Compass HT IVD (N° 1877017) est obligatoire.

La livraison de la bibliothèque est soumise à une autorisation d'exportation !

Veuillez contacter votre représentant Bruker pour plus d'informations.

1.5 État de révision des notes de publication de la MBT IVD Library

Les précédentes révisions des notes de publication de la MBT IVD Library étaient gérées comme des documents individuels qui utilisaient le numéro complet MSP DB-XXXX comme identifiant unique.

À partir de la MBT IVD Library DB-7712, cette approche sera modifiée afin de mieux identifier la version la plus récente des notes de publication de la MBT IVD Library.

Notes de publication	Date de publication	Impression de la révision	Révision du document corrigée
MBT IVD Library DB-3995	Janvier 2011	Aucune	A
MBT IVD Library DB-4110	Avril 2011	Aucune	B
MBT IVD Library DB-4613	Juillet 2012	Aucune	C
MBT IVD Library DB-5627	Décembre 2013	Aucune	D
MBT IVD Library DB-5989	Juin 2015	A	E
MBT IVD Library DB-6763	Avril 2016	A	F
MBT IVD Library DB-7171	Février 2017	A	G
MBT IVD Library DB-7712	Avril 2018	H	H
MBT IVD Library DB-8326	Mars 2019	J	J
MBT IVD Library Revision F	Novembre 2020	K	K
MBT IVD Library Revision G	Juin 2021	L	L
MBT IVD Library Revision J	Mars 2022	N	N
MBT IVD Library Revision J	Août 2022	N1	N1
MBT IVD Library 2023	Mars 2023	O	O
MBT IVD Library 2023	Juin 2023	P	P
MBT IVD Library 2023	Novembre 2023	Q	Q



2 Entrées MSP supprimées

Tableau 2 : Entrées MSP supprimées

Suppressions	Raison
Achromobacter sp[3] AL908830_BK14941 UKH	Faible qualité des spectres
Actinomyces dentalis DSM 19115T DSM	
Actinomyces denticolens CCUG 37810 CCUG	
Actinomyces naeslundii CIP 102471 CIP_2	
Actinomyces naeslundii CIP 104837 CIP_2	
Actinomyces oris DSM 23056T DSM	Situation taxonomique peu claire et non résoluble
Actinomyces sp G4892 IBS	
Actinomyces timonensis CCUG 45117 CCUG	
Aeromonas sp[2] VA_12051_09 ERL	Situation taxonomique peu claire et non résoluble
Aquicola tertiaricarbonis CIP PAH	Faible qualité des spectres
Aquicola tertiaricarbonis L108 PAH	
Aquicola tertiaricarbonis L10T PAH	
Bacillus cereus 4080 LBK	Renouvellement de la bibliothèque



Suppressions	Raison
Bacillus cereus 994000168 LBK	Renouvellement de la bibliothèque
Bacillus cereus CICC 23949 CICC	
Bacillus cereus DSM 31T DSM	
Bacillus cytotoxicus 1Z46776_1e MVD	
Bacillus cytotoxicus 1Z46778_1e MVD	
Bacillus cytotoxicus 2833 CVUA	
Bacillus cytotoxicus DSM 22905T DSM	
Bacillus mycoides DSM 11821T DSM	
Bacillus mycoides DSM 11821T DSM_2	
Bacillus mycoides DSM 2048T DSM	
Bacillus pseudomycoides DSM 12442T DSM	Situation taxonomique peu claire et non résoluble
Bacillus sp LB_101250b_09 ERL	
Bacillus sp[2] CICC 23998 CICC	
Bacillus sp[4] CICC 23999 CICC	Renouvellement de la bibliothèque
Bacillus thuringiensis DSM 2046T DSM	
Bordetella holmesii DSM 13416T DSM	Faible qualité des spectres



Suppressions	Raison
Burkholderia cepacia_Group 18875_1 CHB	Situation taxonomique peu claire et non résoluble
Burkholderia cepacia_Group 59 RLT	
Candida dubliniensis CP_37 MCW	Faible qualité des spectres
Capnocytophaga sp G18141 IBS	Situation taxonomique peu claire et non résoluble
Clostridium sp DSM 1975 VML	
Clostridium sp DSM 2636 DSM	
Clostridium sp DSM 2636 VML	
Clostridium thermopalmarium DSM 5974T DSM	Faible qualité des spectres
Corynebacterium afermentans ssp lipophilum DSM 44282T DSM	
Dietzia natronolimnaea 091216_02 LSM	
Domibacillus sp[2] CICC 24057 CICC	Situation taxonomique peu claire et non résoluble
Exiguobacterium sp[3] CICC 24022 CICC	
Exiguobacterium sp[3] CICC 24040 CICC	
Exiguobacterium sp[3] CICC 24060 CICC	
Exiguobacterium sp[4] 10_0147905_007_01 LGL	
Exiguobacterium sp[4] 10_0147905_008_01 LGL	



Suppressions	Raison
Fusobacterium sp[2] 08_001 N5 IBS	Situation taxonomique peu claire et non résoluble
Lactococcus sp DSM 10125 DSM	
Lysinibacillus sp[2] CICC 23596 CICC	
Mobiluncus sp UR01284_2_11 ERL	
Nocardia araoensis DSM 44729T DSM	Faible qualité des spectres
Nocardia nova DSM 44481T DSM	
Nocardia pneumoniae DSM 44730T DSM	
Nocardia sp N1064 IBS	Situation taxonomique peu claire et non résoluble
Nocardia sp N394 IBS	
Nocardia thailandica DSM 44808T DSM	Faible qualité des spectres
Nocardioides simplex DSM 20130T DSM	
Ochrobactrum sp[3] 454 RLT	Situation taxonomique peu claire et non résoluble
Ochrobactrum sp[3] 64 RLT	
Paenibacillus sp DSM 26182T DSM	
Paracoccus sp DSM 6392 DSM	
Pediococcus sp DSM 1056 DSM	



Suppressions	Raison
Propionibacterium australiense DSM 15818T DSM_2	Faible qualité des spectres
Propionibacterium sp[2] 0424_0694_LM IBS	Situation taxonomique peu claire et non résoluble
Psychrobacter sp LB_101250a_09 ERL	
Schaalia sp VA_01434_2_09 ERL	
Streptococcus sp DT2005WUE DSM	



3 Changement de nom

Tableau 3 : Changement de nom des entrées MSP

DB-11758	DB-12299	Justification
Alistipes onderdonkii DSM 19147T DSM	Alistipes onderdonkii ssp onderdonkii DSM 19147T DSM	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Alkalihalobacillus akibai</i>	<i>Halalkalibacter akibai</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Alkalihalobacillus clausii</i>	<i>Shouchella clausii</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Alkalihalobacillus decolorationis</i>	<i>Pseudalkalibacillus decolorationis</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Alkalihalobacillus gibsonii</i>	<i>Shouchella gibsonii</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Alkalihalobacillus halodurans</i>	<i>Halalkalibacterium halodurans</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Alkalihalobacillus hemicellulosilyticus</i>	<i>Halalkalibacter hemicellulosilyticus</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.



DB-11758	DB-12299	Justification
<i>Alkalihalobacillus hwajinpoensis</i>	<i>Pseudalkalibacillus hwajinpoensis</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Alkalihalobacillus krulwichiae</i>	<i>Halalkalibacter krulwichiae</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Alkalihalobacillus okhensis</i>	<i>Halalkalibacter okhensis</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Alkalihalobacillus okuhidensis</i>	<i>Halalkalibacterium halodurans</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Alkalihalobacillus oshimensis</i>	<i>Shouchella oshimensis</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Alkalihalobacillus patagoniensis</i>	<i>Shouchella patagoniensis</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Alkalihalobacillus pseudofirmus</i>	<i>Alkalihalophilus pseudofirmus</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Alkalihalobacillus wakoensis</i>	<i>Halalkalibacter wakoensis</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.



DB-11758	DB-12299	Justification
Amycolatopsis keratiniphila DSM 44409T DSM	Amycolatopsis keratiniphila ssp keratiniphila DSM 44409T DSM	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
Amycolatopsis keratiniphila DSM 44586T DSM	Amycolatopsis keratiniphila ssp keratiniphila DSM 44586T DSM	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
Anaerococcus sp 110706_B9 LUMC	Anaerococcus obesiensis 110706_B9 LUMC	La maintenance générale de la bibliothèque a permis d'améliorer les connaissances relatives à l'identifiant de la souche — correction en cours pour renommer correctement les espèces.
Anaerococcus sp HU43546_1 PNU	Anaerococcus obesiensis HU43546_1 PNU	La maintenance générale de la bibliothèque a permis d'améliorer les connaissances relatives à l'identifiant de la souche — correction en cours pour renommer correctement les espèces.
Atopobium sp 1H12053794_5e MVD	Atopobium massiliense 1H12053794_5e MVD	La maintenance générale de la bibliothèque a permis d'améliorer les connaissances relatives à l'identifiant de la souche — correction en cours pour renommer correctement les espèces.
Azoarcus communis	Parazoarcus communis	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
Bacillus clarkii	Evansella clarkii	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.



DB-11758	DB-12299	Justification
Bacillus safensis CIP 109412 CIP	Bacillus safensis ssp safensis CIP 109412T CIP	D'après les informations provenant de la collecte des souches.
Bacillus sp SAD_18_G_616 BRB	Cytobacillus sp SAD_18_G_616 BRB	Représentation plus précise de la situation taxonomique.
<i>Catabacter hongkongensis</i>	<i>Christensenella hongkongensis</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Clavibacter michiganensis ssp tessellarius</i>	<i>Clavibacter tessellarius</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
Clostridium sp DSM 17592T DSM	Clostridium sp DSM 17592 DSM	D'après les informations provenant de la collecte des souches.
<i>Dickeya paradisiaca</i>	<i>Musicola paradisiaca</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
Dietzia sp[4] P3461_2016 HITG	Dietzia sp[3] P3461_2016 HITG	Représentation plus précise de la situation taxonomique.
Enterococcus saccharolyticus DSM 20726T JUG	Enterococcus saccharolyticus ssp saccharolyticus DSM 20726T JUG	D'après les informations provenant de la collecte des souches.
Erwinia sp 10w414559 RLH	Mixta theicola 10w414559 RLH	La maintenance générale de la bibliothèque a permis d'améliorer les connaissances relatives à l'identifiant de la souche — correction en cours pour renommer correctement les espèces.
<i>Kalamiella piersonii</i>	<i>Pantoea piersonii</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.



DB-11758	DB-12299	Justification
<i>Lactobacillus casei</i>	<i>Lacticaseibacillus casei</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Lactobacillus zeae</i>	<i>Lacticaseibacillus zeae</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Lechevalieria flava</i>	<i>Lentzea flava</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
Legionella sp LB_105290_09 ERL	Legionella santacrucis LB_105290_09 ERL	La maintenance générale de la bibliothèque a permis d'améliorer les connaissances relatives à l'identifiant de la souche — correction en cours pour renommer correctement les espèces.
Loigolactobacillus coryniformis DSM 20001T DSM	Loigolactobacillus coryniformis ssp coryniformis DSM 20001T DSM	D'après les informations provenant de la collecte des souches.
Loigolactobacillus coryniformis DSM 20007 DSM	Loigolactobacillus coryniformis ssp coryniformis DSM 20007 DSM	D'après les informations provenant de la collecte des souches.
<i>Lysinibacillus manganicus</i>	<i>Ureibacillus manganicus</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
Lysinibacillus sp 55188 RQCL	Lysinibacillus yapensis 55188 RQCL	La maintenance générale de la bibliothèque a permis d'améliorer les connaissances relatives à l'identifiant de la souche — correction en cours pour renommer correctement les espèces.



DB-11758	DB-12299	Justification
<i>Malaciobacter canalis</i>	<i>Arcobacter canalis</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Malaciobacter halophilus</i>	<i>Arcobacter halophilus</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Malaciobacter mytili</i>	<i>Arcobacter mytili</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Metabacillus indicus</i> DSM 16189T DSM	<i>Metabacillus indicus</i> DSM 16189 DSM	D'après les informations provenant de la collecte des souches.
<i>Microbacterium</i> sp DSM 20621 DSM	<i>Leucobacter weissii</i> DSM 20621 DSM	La maintenance générale de la bibliothèque a permis d'améliorer les connaissances relatives à l'identifiant de la souche — correction en cours pour renommer correctement les espèces.
<i>Naganishia albida</i> DSM 70197 PAH	<i>Naganishia adeliensis</i> DSM 70197 PAH	D'après les informations provenant de la collecte des souches.
<i>Nocardia amikacinitolerans</i> DSM 45539 DSM	<i>Nocardia amikacinitolerans</i> DSM 45539T DSM	Modification de nature esthétique — la mention « T » d'une souche de type disponible a été ajoutée au numéro de souche dans le nom MSP.
<i>Nocardia uniformis</i> DSM 43136 DSM	<i>Nocardia uniformis</i> DSM 43136T DSM	Modification de nature esthétique — la mention « T » d'une souche de type disponible a été ajoutée au numéro de souche dans le nom MSP.
<i>Nocardiopsis dassonvillei</i> DSM 40465T DSM	<i>Nocardiopsis dassonvillei</i> DSM 40465 DSM	D'après les informations provenant de la collecte des souches.
<i>Ogataea methylovora</i> DSM 2148T DSM	<i>Ogataea methylovora</i> DSM 2148 DSM	D'après les informations provenant de la collecte des souches.



DB-11758	DB-12299	Justification
<i>Olsenella scatoligenes</i>	<i>Tractidigestivibacter scatoligenes</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Pantoea stewartii</i> ssp <i>stewartii</i> DSM 30176T HAM	<i>Pantoea stewartii</i> DSM 30176T HAM	D'après les informations provenant de la collecte des souches.
<i>Pantoea stewartii</i> ssp <i>stewartii</i> LMG 2715T PAH	<i>Pantoea stewartii</i> LMG 2715T PAH	D'après les informations provenant de la collecte des souches.
<i>Pectobacterium carotovorum</i> ssp <i>odoriferum</i>	<i>Pectobacterium odoriferum</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Pelomonas</i> sp[3] CS 525_1 BRB	<i>Pelomonas aquatica</i> CS 525_1 BRB	La maintenance générale de la bibliothèque a permis d'améliorer les connaissances relatives à l'identifiant de la souche — correction en cours pour renommer correctement les espèces.
<i>Peptoniphilus senegalensis</i>	<i>Peptoniphilus tyrrelliae</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Peptostreptococcus</i> sp 16 RLT	<i>Murdochiella asaccharolytica</i> 16 RLT	La maintenance générale de la bibliothèque a permis d'améliorer les connaissances relatives à l'identifiant de la souche — correction en cours pour renommer correctement les espèces.
<i>Photobacterium damsela</i> ssp <i>damsela</i> DSM 7482T HAM	<i>Photobacterium damsela</i> DSM 7482T HAM	D'après les informations provenant de la collecte des souches.
<i>Photorhabdus luminescens</i> ssp <i>luminescens</i> DSM 3368T HAM	<i>Photorhabdus luminescens</i> DSM 3368T HAM	D'après les informations provenant de la collecte des souches.
<i>Photorhabdus temperata</i> ssp <i>temperata</i> DSM 14550T HAM	<i>Photorhabdus temperata</i> DSM 14550T HAM	D'après les informations provenant de la collecte des souches.



DB-11758	DB-12299	Justification
Pichia occidentalis CBS 1910 CBS	Pichia occidentalis CBS 1910T CBS	Modification de nature esthétique — la mention « T » d'une souche de type disponible a été ajoutée au numéro de souche dans le nom MSP.
Pichia terricola CBS 2617 CBS	Pichia terricola CBS 2617T CBS	Modification de nature esthétique — la mention « T » d'une souche de type disponible a été ajoutée au numéro de souche dans le nom MSP.
Propionibacterium sp[2] 46 RLT	Cutibacterium avidum 46 RLT	La maintenance générale de la bibliothèque a permis d'améliorer les connaissances relatives à l'identifiant de la souche — correction en cours pour renommer correctement les espèces.
Propionibacterium sp[2] VA04653_09 ERL	Cutibacterium avidum VA04653_09 ERL	La maintenance générale de la bibliothèque a permis d'améliorer les connaissances relatives à l'identifiant de la souche — correction en cours pour renommer correctement les espèces.
<i>Pseudarcobacter aquimarinus</i>	<i>Arcobacter aquimarinus</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Pseudarcobacter cloacae</i>	<i>Arcobacter cloacae</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Pseudarcobacter defluvii</i>	<i>Arcobacter defluvii</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.



DB-11758	DB-12299	Justification
<i>Pseudoclavibacter alba</i>	<i>Pseudoclavibacter albus</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Pseudoclavibacter faecalis</i>	<i>Gulosibacter faecalis</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Pseudoclavibacter</i> sp DSM 17450 DSM	<i>Gulosibacter bifidus</i> DSM 17450T DSM	La maintenance générale de la bibliothèque a permis d'améliorer les connaissances relatives à l'identifiant de la souche — correction en cours pour renommer correctement les espèces.
<i>Pseudomonas chlororaphis</i> ssp <i>chlororaphis</i> DSM 50083T HAM	<i>Pseudomonas chlororaphis</i> DSM 50083T HAM	D'après les informations provenant de la collecte des souches.
<i>Pseudomonas oleovorans</i> ssp <i>oleovorans</i> DSM 50188 HAM	<i>Pseudomonas oleovorans</i> DSM 50188 HAM	D'après les informations provenant de la collecte des souches.
<i>Pseudomonas pertucinogena</i>	<i>Halopseudomonas pertucinogena</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Pseudomonas</i> sp 171215_MYS_17 SOMB	<i>Stutzerimonas nitrititolerans</i> 171215_MYS_17 SOMB	La maintenance générale de la bibliothèque a permis d'améliorer les connaissances relatives à l'identifiant de la souche — correction en cours pour renommer correctement les espèces.
<i>Pseudomonas syringae</i> ssp <i>syringae</i> DSM 6693 HAM	<i>Pseudomonas syringae</i> DSM 6693T HAM	D'après les informations provenant de la collecte des souches.
<i>Pseudomonas syringae</i> ssp <i>syringae</i> LMG 1247T HAM	<i>Pseudomonas syringae</i> LMG 1247T HAM	D'après les informations provenant de la collecte des souches.



DB-11758	DB-12299	Justification
<i>Rhodobacter veldkampii</i>	<i>Phaeovulum veldkampii</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Rhodococcus baikonurensis</i>	<i>Rhodococcus erythropolis</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Ruminiclostridium cellobioparum</i> DSM 1351T DSM	<i>Ruminiclostridium cellobioparum ssp cellobioparum</i> DSM 1351T DSM	D'après les informations provenant de la collecte des souches.
<i>Staphylococcus fleurettii</i>	<i>Mammaliicoccus fleurettii</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Staphylococcus lentus</i>	<i>Mammaliicoccus lentus</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Staphylococcus schleiferi ssp coagulans</i>	<i>Staphylococcus coagulans</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Staphylococcus sciuri ssp carnaticus</i>	<i>Mammaliicoccus sciuri</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Staphylococcus sciuri ssp rodentium</i>	<i>Mammaliicoccus sciuri</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.



DB-11758	DB-12299	Justification
<i>Staphylococcus sciuri ssp sciuri</i>	<i>Mammaliicoccus sciuri</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Staphylococcus stepanovicii</i>	<i>Mammaliicoccus stepanovicii</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Staphylococcus vitulinus</i>	<i>Mammaliicoccus vitulinus</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Streptococcus phocae</i> DSM 15635T BRB	<i>Streptococcus phocae ssp phocae</i> DSM 15635T BRB	D'après les informations provenant de la collecte des souches.
<i>Streptococcus phocae</i> DSM 15635T DSM	<i>Streptococcus phocae ssp phocae</i> DSM 15635T DSM	D'après les informations provenant de la collecte des souches.
<i>Teichococcus ludipueritiae</i>	<i>Roseomonas ludipueritiae</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Virgibacillus campisalis</i>	<i>Virgibacillus alimentarius</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Weissella beninensis</i>	<i>Periweissella beninensis</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Weissella fabaria</i>	<i>Periweissella fabaria</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.



DB-11758	DB-12299	Justification
<i>Weissella ghanensis</i>	<i>Periweissella ghanensis</i>	Reclassification de la nomenclature des espèces. L'ancien nom est toujours disponible dans le champ de commentaires des métadonnées.
<i>Wickerhamomyces subpelliculosus</i> CBS 115 CBS	<i>Wickerhamomyces subpelliculosus</i> CBS 115T CBS	Modification de nature esthétique — la mention « T » d'une souche de type disponible a été ajoutée au numéro de souche dans le nom MSP.



4 Modifications apportées aux indications de référence

Tableau 4 : Modifications apportées aux indications de référence

Espèces	Action	DB-12299	Justification
<i>Acidovorax avenae</i> <i>Acidovorax cattleyae</i> <i>Acidovorax citrulli</i>	Mise à jour de la formulation de l'indication de référence	Les espèces <i>avenae</i> / <i>cattleyae</i> / <i>citrulli</i> / <i>oryzae</i> du genre <i>Acidovorax</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	En raison des récents résultats de séquençage, la formulation de l'indication de référence doit être mise à jour.
<i>Aneurinibacillus aneurinilyticus</i>	Mise à jour de la formulation de l'indication de référence	Les espèces <i>aneurinilyticus</i> / <i>migulanus</i> du genre <i>Aneurinibacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.	Extension de l'indication de référence existante via l'ajout d'un indice concernant les caractéristiques biologiques particulières de ce genre.
<i>Aneurinibacillus danicus</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.	Implémentation d'une indication de référence concernant les caractéristiques biologiques particulières de ce genre.
<i>Aneurinibacillus migulanus</i>	Mise à jour de la formulation de l'indication de référence	Les espèces <i>aneurinilyticus</i> / <i>migulanus</i> du genre <i>Aneurinibacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.	Extension de l'indication de référence existante via l'ajout d'un indice concernant les caractéristiques biologiques particulières de ce genre.
<i>Aneurinibacillus thermoaerophilus</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.	Implémentation d'une indication de référence concernant les caractéristiques biologiques particulières de ce genre.
<i>Arcobacter aquimarinus</i> <i>Arcobacter cloacae</i> <i>Arcobacter defluvii</i>	Mise à jour de la formulation de l'indication de référence	Les espèces <i>aquimarinus</i> / <i>cloacae</i> / <i>defluvii</i> / <i>ellisii</i> du genre <i>Arcobacter</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	En raison du changement de nom de l'espèce, une adaptation de l'indication de référence est nécessaire.



Espèces	Action	DB-12299	Justification
<i>Arthrobacter gandavensis</i> <i>Arthrobacter koreensis</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Les espèces gandavensis / koreensis du genre <i>Arthrobacter</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	La conversion de la note existante en une indication de référence permet une représentation plus visible de la relation étroite entre les espèces affichées.
<i>Arthrobacter parietis</i> <i>Arthrobacter tumbae</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Les espèces parietis / tumbae du genre <i>Arthrobacter</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	La conversion de la note existante en une indication de référence permet une représentation plus visible de la relation étroite entre les espèces affichées.
<i>Bacillus altitudinis</i> <i>Bacillus pumilus</i> <i>Bacillus safensis ssp safensis</i>	Mise à jour de la formulation de l'indication de référence	Les espèces altitudinis / australimaris / pumilus / safensis / xiamenensis / zhangzhouensis du genre <i>Bacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.	Les récents résultats de séquençage dus à l'amélioration du nombre d'entrées de référence pour l'espèce <i>Bacillus pumilus</i> manifestent la relation étroite des espèces présentées. Par conséquent, l'indication de référence existante doit être adaptée.
<i>Blautia coccoides</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Les espèces coccoides / producta du genre <i>Blautia</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	Les récents résultats de séquençage dus à l'amélioration du nombre d'entrées de référence pour l'espèce <i>Blautia coccoides</i> manifestent la relation étroite des espèces présentées. Une indication de référence doit en conséquence être élaborée.
<i>Brevundimonas nasdae</i> <i>Brevundimonas subvibrioides</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Les espèces nasdae / subvibrioides du genre <i>Brevundimonas</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	La conversion de la note existante en une indication de référence permet une représentation plus visible de la relation étroite entre les espèces affichées.



Espèces	Action	DB-12299	Justification
<i>Buttiauxella agrestis</i> <i>Buttiauxella brennerae</i> <i>Buttiauxella ferragutiae</i> <i>Buttiauxella gaviniae</i> <i>Buttiauxella izardii</i> <i>Buttiauxella noackiae</i> <i>Buttiauxella warmboldiae</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.	La conversion de la note existante en une indication de référence permet une représentation plus visible de la relation étroite entre les espèces affichées.
<i>Candida akabanensis</i> <i>Candida blattae</i>	Mise à jour de la formulation de l'indication de référence	Les espèces akabanensis / blattae / dosseyi du genre Candida présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	En raison des récents résultats de séquençage, la formulation de l'indication de référence doit être mise à jour.
<i>Chryseobacterium hominis</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Les espèces hominis / vandammei du genre Chryseobacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	En raison des récents résultats de séquençage, la mise en œuvre d'une indication de référence est nécessaire.
<i>Dickeya dadantii</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Les espèces adantii / fangzhongdai du genre Dickeya présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	En raison des récents résultats de séquençage, la mise en œuvre d'une indication de référence est nécessaire.
<i>Evansella clarkii</i>	Mise à jour de la formulation de l'indication de référence	Synonyme de Bacillus clarkii. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.	En raison du changement de nom des espèces, l'extension de l'indication de référence avec l'ancien nom est nécessaire.
<i>Haemophilus parahaemolyticus</i> <i>Haemophilus paraphrohaemolyticus</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Les espèces parahaemolyticus / paraphrohaemolyticus du genre Haemophilus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	En raison des recherches supplémentaires, la mise en œuvre d'une indication de référence est nécessaire.



Espèces	Action	DB-12299	Justification
<i>Lacticaseibacillus casei</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Synonyme de <i>Lactobacillus casei</i> . Les espèces <i>casei</i> / <i>zeae</i> du genre <i>Lacticaseibacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	La conversion de la note existante en une indication de référence avec une formulation adaptée permet une représentation plus visible de la relation étroite entre les espèces affichées.
<i>Lacticaseibacillus zeae</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Synonyme de <i>Lactobacillus zeae</i> . Les espèces <i>casei</i> / <i>zeae</i> du genre <i>Lacticaseibacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	La conversion de la note existante en une indication de référence avec une formulation adaptée permet une représentation plus visible de la relation étroite entre les espèces affichées.
<i>Loigolactobacillus coryniformis</i> ssp <i>coryniformis</i>	Mise à jour de la formulation de l'indication de référence	Synonyme de <i>Lactobacillus coryniformis</i> ssp <i>coryniformis</i> . Les espèces <i>coryniformis</i> / <i>jiayinensis</i> du genre <i>Loigolactobacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	Les récents résultats de séquençage dus à l'amélioration du nombre d'entrées de référence pour l'espèce <i>Loigolactobacillus coryniformis</i> manifestent la relation étroite des espèces présentées. Par conséquent, l'indication de référence existante doit être adaptée.
<i>Loigolactobacillus coryniformis</i> ssp <i>torquens</i>	Mise à jour de la formulation de l'indication de référence	Synonyme de <i>Lactobacillus coryniformis</i> ssp <i>torquens</i> . Les espèces <i>coryniformis</i> / <i>jiayinensis</i> du genre <i>Loigolactobacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	Les récents résultats de séquençage dus à l'amélioration du nombre d'entrées de référence pour l'espèce <i>Loigolactobacillus coryniformis</i> manifestent la relation étroite des espèces présentées. Par conséquent, l'indication de référence existante doit être adaptée.



Espèces	Action	DB-12299	Justification
<i>Macrococcus canis</i> <i>Macrococcus caseolyticus</i>	Mise à jour de la formulation de l'indication de référence	Les espèces armenti / bohemicus / canis / caseolyticus / epidermidis / goetzii du genre <i>Macrococcus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	Les récents résultats de séquençage dus à l'amélioration du nombre d'entrées de référence pour l'espèce <i>Macrococcus caseolyticus</i> manifestent la relation étroite des espèces présentées. Par conséquent, l'indication de référence existante doit être adaptée.
<i>Mammaliococcus fleurettii</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Synonyme de <i>Staphylococcus fleurettii</i>	Affiche l'ancien nom de l'espèce, probablement mieux connu.
<i>Mammaliococcus lentus</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Synonyme de <i>Staphylococcus lentus</i>	Affiche l'ancien nom de l'espèce, probablement mieux connu.
<i>Mammaliococcus sciuri</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Synonyme de <i>Staphylococcus sciuri</i>	Affiche l'ancien nom de l'espèce, probablement mieux connu.
<i>Mammaliococcus stepanovicii</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Synonyme de <i>Staphylococcus stepanovicii</i>	Affiche l'ancien nom de l'espèce, probablement mieux connu.
<i>Mammaliococcus vitulinus</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Synonyme de <i>Staphylococcus vitulinus</i>	Affiche l'ancien nom de l'espèce, probablement mieux connu.



Espèces	Action	DB-12299	Justification
<i>Paraclostridium bifermentans</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Les espèces benzoelyticum / bifermentans du genre <i>Paraclostridium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	Les récents résultats de séquençage dus à l'amélioration du nombre d'entrées de référence pour l'espèce <i>Paraclostridium bifermentans</i> manifestent la relation étroite des espèces présentées. Une indication de référence doit en conséquence être élaborée.
<i>Paracoccus versutus</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Les espèces pantotrophus / versutus du genre <i>Paracoccus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	Les récents résultats de séquençage dus à l'amélioration du nombre d'entrées de référence pour l'espèce <i>Paracoccus versutus</i> manifestent la relation étroite des espèces présentées. Une indication de référence doit en conséquence être élaborée.
<i>Pectobacterium betavasculorum</i> <i>Pectobacterium odoriferum</i> <i>Pectobacterium wasabiae</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Les espèces aroidearum / betavasculorum / brasiliense / carotovorum / odoriferum / wasabiae du genre <i>Pectobacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	La conversion de la note existante en une indication de référence avec une formulation adaptée permet une représentation plus visible de la relation étroite entre les espèces affichées.
<i>Peptoniphilus tyrrelliae</i>	Lien vers l'indication de référence supprimé	N/A	En raison du changement de nom de l'espèce <i>Peptoniphilus senegalensis</i> en <i>Peptoniphilus tyrrelliae</i> l'indication de référence n'est plus nécessaire.



Espèces	Action	DB-12299	Justification
<i>Peribacillus muralis</i> <i>Peribacillus simplex</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Synonyme de <i>Bacillus muralis</i> . Les espèces butanolivorans / frigoritolérans / muralis / simplex du genre <i>Peribacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.	Les récents résultats de séquençage dus à l'amélioration du nombre d'entrées de référence pour l'espèce <i>Peribacillus simplex</i> manifestent la relation étroite des espèces présentées. Par conséquent, l'indication de référence existante doit être adaptée.
<i>Periweissella fabaria</i> <i>Periweissella ghanensis</i>	Mise à jour de la formulation de l'indication de référence	Les espèces fabalis / fabaria / ghanensis du genre <i>Periweissella</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	En raison du changement de nom de l'espèce, une adaptation de l'indication de référence est nécessaire.
<i>Priestia megaterium</i>	Mise à jour de la formulation de l'indication de référence	Synonyme de <i>Bacillus megaterium</i> . Les espèces aryabhattai / megaterium du genre <i>Priestia</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.	Les récents résultats de séquençage dus à l'amélioration du nombre d'entrées de référence pour l'espèce <i>Priestia megaterium</i> manifestent la relation étroite des espèces présentées. Par conséquent, l'indication de référence existante doit être adaptée.
<i>Providencia alcalifaciens</i>	Mise à jour de la formulation de l'indication de référence	Les espèces alcalifaciens / huaxiensis / rettgeri / rustigianii du genre <i>Providencia</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	Les récents résultats de séquençage dus à l'amélioration du nombre d'entrées de référence pour l'espèce <i>Providencia alcalifaciens</i> manifestent la relation étroite des espèces présentées. Par conséquent, l'indication de référence existante doit être adaptée.



Espèces	Action	DB-12299	Justification
<i>Providencia rettgeri</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Les espèces alcalifaciens / huaxiensis / rettgeri / rustigianii du genre <i>Providencia</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	Les récents résultats de séquençage manifestent la relation étroite des espèces présentées. Une indication de référence doit en conséquence être élaborée.
<i>Providencia rustigianii</i>	Mise à jour de la formulation de l'indication de référence	Les espèces alcalifaciens / huaxiensis / rettgeri / rustigianii du genre <i>Providencia</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	Les récents résultats de séquençage dus à l'amélioration du nombre d'entrées de référence pour l'espèce <i>Providencia rustigianii</i> manifestent la relation étroite des espèces présentées. Par conséquent, l'indication de référence existante doit être adaptée.
<i>Pseudochrobactrum asaccharolyticum</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Les espèces asaccharolyticum / kiredjianiae / lubricantis / saccharolyticum du genre <i>Pseudochrobactrum</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	Les récents résultats de séquençage dus à l'amélioration du nombre d'entrées de référence pour l'espèce <i>Pseudochrobactrum asaccharolyticum</i> manifestent la relation étroite des espèces présentées. Une indication de référence doit en conséquence être élaborée.
<i>Pseudoglutamicibacter albus</i> <i>Pseudoglutamicibacter cumminsii</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Les espèces albus / cumminsii du genre <i>Pseudoglutamicibacter</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	Les récents résultats de séquençage dus à l'amélioration du nombre d'entrées de référence pour l'espèce <i>Pseudoglutamicibacter cumminsii</i> manifestent la relation étroite des espèces présentées. Une indication de référence doit en conséquence être élaborée.



Espèces	Action	DB-12299	Justification
<i>Rheinheimera soli</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Les espèces mesophila / sediminis / soli / tangshanensis du genre Rheinheimera présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	Les récents résultats de séquençage dus à l'amélioration du nombre d'entrées de référence pour l'espèce <i>Rheinheimera soli</i> manifestent la relation étroite des espèces présentées. Une indication de référence doit en conséquence être élaborée.
<i>Rhodococcus erythropolis</i> <i>Rhodococcus globerulus</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Les espèces erythropolis / globerulus du genre Rhodococcus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	En raison du changement de nom de l'espèce <i>Rhodococcus baikonurensis</i> en <i>Rhodococcus erythropolis</i> l'indication de référence doit être adaptée.
<i>Serratia ficaria</i>	Lien vers l'indication de référence supprimé	N/A	Compte tenu des résultats récents, l'indication de référence n'est plus nécessaire.
<i>Sphingomonas aquatilis</i> <i>Sphingomonas melonis</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Pour les espèces aquatilis / melonis du genre Sphingomonas, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.	La conversion de la note existante en une indication de référence avec une formulation adaptée permet une représentation plus visible de la relation étroite entre les espèces affichées.
<i>Staphylococcus carnosus</i> ssp <i>carnosus</i> <i>Staphylococcus carnosus</i> ssp <i>utilis</i>	Mise à jour de la formulation de l'indication de référence	Pour les espèces carnosus / condimenti / debuckii / piscifermentans du genre Staphylococcus, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.	Les récents résultats de séquençage dus à l'amélioration du nombre d'entrées de référence pour l'espèce <i>Staphylococcus carnosus</i> manifestent la relation étroite des espèces présentées. Par conséquent, l'indication de référence existante doit être adaptée.



Espèces	Action	DB-12299	Justification
<i>Staphylococcus coagulans</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Les espèces coagulans / cornubiensis / schleiferi du genre Staphylococcus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	En raison du changement de nom de l'espèce <i>Staphylococcus schleiferi</i> ssp <i>coagulans</i> en une espèce distincte <i>Staphylococcus coagulans</i> , une indication de référence doit être élaborée.
<i>Staphylococcus condimentii</i>	Mise à jour de la formulation de l'indication de référence	Pour les espèces carnosus / condimenti / debuckii / piscifermentans du genre Staphylococcus, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.	Les récents résultats de séquençage manifestent la relation étroite des espèces présentées. Par conséquent, l'indication de référence existante doit être adaptée.
<i>Staphylococcus hyicus</i>	Mise à jour de la formulation de l'indication de référence	Les espèces agnetis / hyicus du genre Staphylococcus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	Les récents résultats de séquençage dus à l'amélioration du nombre d'entrées de référence pour l'espèce <i>Staphylococcus hyicus</i> manifestent la relation étroite des espèces présentées. Par conséquent, l'indication de référence existante doit être adaptée.
<i>Staphylococcus pettenkoferi</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Les espèces argensis / pettenkoferi du genre Staphylococcus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	Les récents résultats de séquençage dus à l'amélioration du nombre d'entrées de référence pour l'espèce <i>Staphylococcus pettenkoferi</i> manifestent la relation étroite des espèces présentées. Une indication de référence doit en conséquence être élaborée.



Espèces	Action	DB-12299	Justification
<i>Staphylococcus piscifermentans</i>	Mise à jour de la formulation de l'indication de référence	Pour les espèces carnosus / condimenti / debuckii / piscifermentans du genre <i>Staphylococcus</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.	Les récents résultats de séquençage manifestent la relation étroite des espèces présentées. Par conséquent, l'indication de référence existante doit être adaptée.
<i>Staphylococcus schleiferi</i> ssp <i>schleiferi</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Les espèces coagulans / cornubiensis / schleiferi du genre <i>Staphylococcus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	En raison du changement de nom de l'espèce <i>Staphylococcus schleiferi</i> ssp <i>coagulans</i> en une espèce distincte <i>Staphylococcus coagulans</i> , une indication de référence doit être élaborée.
<i>Tatumella ptyseos</i> <i>Tatumella terrea</i>	Implémentation d'une nouvelle indication de référence	Les espèces ptyseos / terrae du genre <i>Tatumella</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.	Les récents résultats de séquençage dus à l'amélioration du nombre d'entrées de référence pour l'espèce <i>Tatumella ptyseos</i> manifestent la relation étroite des espèces présentées. Une indication de référence doit en conséquence être élaborée.
<i>Virgibacillus alimentarius</i>	Lien vers l'indication de référence supprimé	N/A	En raison du changement de nom de l'espèce <i>Virgibacillus campisalis</i> en <i>Virgibacillus alimentarius</i> , l'indication de référence n'est plus nécessaire.



5 Amélioration des genres/espèces grâce à l'implémentation d'autres entrées de référence

Tableau 5 : Amélioration des genres/espèces

<i>Acidovorax citrulli</i>	<i>Azohydromonas lata</i>	<i>Burkholderia dolosa</i>	<i>Chromobacterium violaceum</i>
<i>Acinetobacter radioresistens</i>	<i>Bacillus alveayuensis</i>	<i>Buttiauxella gaviniae</i>	<i>Chryseobacterium hominis</i>
<i>Acinetobacter variabilis</i>	<i>Bacillus cereus/thuringiensis</i>	<i>Buttiauxella izardii</i>	<i>Clostridium cylindrosporum</i>
<i>Actinobacillus pleuropneumoniae</i>	<i>Bacillus cytotoxicus</i>	<i>Butyricimonas paravirosa</i>	<i>Clostridium novyi</i>
<i>Actinobaculum massiliense</i>	<i>Bacillus infantis</i>	<i>Caballeronia glathei</i>	<i>Clostridium spiroforme</i>
<i>Actinomyces bowdenii</i>	<i>Bacillus mycoides</i>	<i>Candida akabanensis</i>	<i>Clostridium symbiosum</i>
<i>Actinomyces dentalis</i>	<i>Bacillus pseudomycoides</i>	<i>Candida blankii</i>	<i>Clostridium thermopalmarium</i>
<i>Actinomyces denticolens</i>	<i>Bacillus pumilus</i>	<i>Candida cylindracea</i>	<i>Corynebacterium afermentans</i>
<i>Actinomyces naeslundii</i>	<i>Bacteroides xylanisolvens</i>	<i>Candida dubliniensis</i>	<i>Corynebacterium aurimucosum</i>
<i>Actinomyces oris</i>	<i>Bifidobacterium scardovii</i>	<i>Candida mesenterica</i>	<i>Corynebacterium efficiens</i>
<i>Actinomyces timonensis</i>	<i>Blautia coccoides</i>	<i>Candida norvegica</i>	<i>Corynebacterium kutscheri</i>
<i>Alistipes inops</i>	<i>Bombilactobacillus mellis</i>	<i>Candida rugopelliculosa</i>	<i>Corynebacterium mycetoides</i>
<i>Alistipes onderdonkii</i>	<i>Bordetella holmesii</i>	<i>Candida solani</i>	<i>Corynebacterium sanguinis</i>
<i>Alkalihalobacillus alcalophilus</i>	<i>Bordetella trematum</i>	<i>Cardiobacterium valvarum</i>	<i>Corynebacterium tuberculostearicum</i>
<i>Alkalihalophilus pseudofirmus</i>	<i>Brettanomyces anomalus</i>	<i>Cellulomonas uda</i>	<i>Cutibacterium avidum</i>
<i>Alloscardovia criceti</i>	<i>Brettanomyces bruxellensis</i>	<i>Cetobacterium somerae</i>	<i>Cutibacterium granulosum</i>
<i>Arcanobacterium haemolyticum</i>	<i>Brettanomyces naardenensis</i>	<i>Christensenella hongkongensis</i>	<i>Cyberlindnera mississippiensis</i>



<i>Cystobasidium minutum</i>	<i>Grimontia hollisae</i>	<i>Limosilactobacillus fermentum</i>	<i>Paraclostridium bifermentans</i>
<i>Dermacoccus nishinomiyaensis</i>	<i>Haemophilus sputorum</i>	<i>Loigolactobacillus coryniformis</i>	<i>Paracoccus versutus</i>
<i>Desulfovibrio piger</i>	<i>Halalkalibacterium halodurans</i>	<i>Macrococcus caseolyticus</i>	<i>Pectobacterium carotovorum</i>
<i>Dialister micraerophilus</i>	<i>Janibacter hoylei</i>	<i>Mammaliicoccus sciuri</i>	<i>Peptoniphilus coxii</i>
<i>Dickeya dadantii</i>	<i>Jeotgalicoccus schoeneichii</i>	<i>Metschnikowia pulcherrima</i>	<i>Peptoniphilus harei</i>
<i>Dietzia timorensis</i>	<i>Kluyvera intermedia</i>	<i>Micrococcus lylae</i>	<i>Peribacillus simplex</i>
<i>Diutina rugosa</i>	<i>Kocuria palustris</i>	<i>Millerozyma farinosa</i>	<i>Photorhabdus cinerea</i>
<i>Dolosigranulum pigrum</i>	<i>Kytococcus schroeteri</i>	<i>Mixta calida</i>	<i>Photorhabdus laumondii</i>
<i>Eggerthella lenta</i>	<i>Lactocaseibacillus paracasei</i>	<i>Mobiluncus mulieris</i>	<i>Phyllobacterium myrsinacearum</i>
<i>Eggerthia catenaformis</i>	<i>Lactobacillus delbrueckii</i>	<i>Moraxella atlantae</i>	<i>Pigmentiphaga daeguensis</i>
<i>Eremococcus coleocola</i>	<i>Lactobacillus iners</i>	<i>Moraxella osloensis</i>	<i>Prevotella buccalis</i>
<i>Escherichia marmotae</i>	<i>Lactobacillus kullabergensis</i>	<i>Nocardioides simplex</i>	<i>Priceomyces carsonii</i>
<i>Eubacterium yurii</i>	<i>Legionella beliardensis</i>	<i>Olsenella uli</i>	<i>Priestia megaterium</i>
<i>Facklamia languida</i>	<i>Legionella brunensis</i>	<i>Paenarthrobacter nitroguajacolicus</i>	<i>Propionibacterium australiense</i>
<i>Facklamia sourekii</i>	<i>Legionella gratiana</i>	<i>Paenibacillus barengoltzii</i>	<i>Providencia alcalifaciens</i>
<i>Finegoldia magna</i>	<i>Legionella londiniensis</i>	<i>Pandoraea norimbergensis</i>	<i>Providencia rustigianii</i>
<i>Flavobacterium araucanum</i>	<i>Legionella micdadei</i>	<i>Pandoraea pnomenusa</i>	<i>Pseudochrobactrum asaccharolyticum</i>
<i>Frederiksenia canicola</i>	<i>Leucobacter celer</i>	<i>Pantoea eucrina</i>	<i>Pseudoglutamicibacter cumminsii</i>
<i>Gleimia hominis</i>	<i>Ligilactobacillus salivarius</i>	<i>Pantoea septica</i>	<i>Rheinheimera soli</i>



<i>Rhodococcus aetherivorans</i>	<i>Staphylococcus borealis</i>	<i>Staphylococcus massiliensis</i>	<i>Stenotrophomonas rhizophila</i>
<i>Rhodococcus coprophilus</i>	<i>Staphylococcus capitis</i>	<i>Staphylococcus pasteurii</i>	<i>Streptococcus iniae</i>
<i>Rhodococcus triatomae</i>	<i>Staphylococcus caprae</i>	<i>Staphylococcus petrasii</i>	<i>Streptococcus massiliensis</i>
<i>Rothia amarae</i>	<i>Staphylococcus carnosus</i>	<i>Staphylococcus pettenkoferi</i>	<i>Streptococcus mutans</i>
<i>Rothia koreensis</i>	<i>Staphylococcus chromogenes</i>	<i>Staphylococcus piscifermentans</i>	<i>Streptococcus ovis</i>
<i>Rothia kristinae</i>	<i>Staphylococcus coagulans</i>	<i>Staphylococcus pragensis</i>	<i>Streptococcus pseudopneumoniae</i>
<i>Schaalia turicensis</i>	<i>Staphylococcus cohnii</i>	<i>Staphylococcus pseudintermedius</i>	<i>Suttonella indologenes</i>
<i>Serratia ficaria</i>	<i>Staphylococcus condimentii</i>	<i>Staphylococcus saccharolyticus</i>	<i>Tatumella ptyseos</i>
<i>Shewanella baltica</i>	<i>Staphylococcus croceilyticus</i>	<i>Staphylococcus saprophyticus</i>	<i>Vibrio fluvialis</i>
<i>Sphingobium xenophagum</i>	<i>Staphylococcus epidermidis</i>	<i>Staphylococcus schleiferi</i>	<i>Vibrio metschnikovii</i>
<i>Sphingomonas melonis</i>	<i>Staphylococcus haemolyticus</i>	<i>Staphylococcus simulans</i>	<i>Xenorhabdus beddingii</i>
<i>Sporolactobacillus laevolacticus</i>	<i>Staphylococcus hominis</i>	<i>Staphylococcus ureilyticus</i>	<i>Zygosaccharomyces bailii</i>
<i>Sporolactobacillus nakayamae</i>	<i>Staphylococcus hyicus</i>	<i>Staphylococcus warneri</i>	<i>Zygosaccharomyces bisporus</i>
<i>Staphylococcus aureus</i>	<i>Staphylococcus lugdunensis</i>	<i>Staphylococcus xylosus</i>	<i>Zygosaccharomyces rouxii</i>
<i>Staphylococcus auricularis</i>			



6 Instructions d'installation

- Exécutez le fichier de configuration IVD : *MaldiBiotyperDBUpdate_V13.0.0.2_11758-12299(IVD).exe*.

Remarque : exécuter les opérations de configuration requiert des droits d'administrateur et peut durer plusieurs heures. Veuillez noter qu'une mise à jour entamée de la bibliothèque MBT IVD Library ne doit pas être interrompue. Toute interruption laisserait la bibliothèque MBT IVD Library installée dans un état intermédiaire et donc non valide.

Remarque : pour que l'installation puisse démarrer, la mise à jour de la bibliothèque vérifie que l'installation de la version précédente de la bibliothèque a été effectuée avec succès.

- Une fois l'installation terminée, l'application cliente MBT-IVD concernée utilisera la bibliothèque MBT IVD Library mise à jour. Le client démarrera uniquement si la bibliothèque MBT IVD Library actuellement utilisée est dans un état cohérent.
- Pour consulter les notes de publication localisées, veuillez vous référer au sous-dossier *Documentation*.
- Pour le système **MBT Compass HT IVD**, l'installation de la bibliothèque se fait par l'installation du module de bibliothèque approprié. Veuillez procéder comme suit :
 - Connectez-vous au logiciel MBT Compass HT IVD en tant que **Responsable de laboratoire**.
 - Visitez le menu **Configuration > Modules > Local** et sélectionnez **Parcourir le module**.
 - Sélectionnez le fichier du module de bibliothèque *IVD.Library.Module.2023*.htmdivd* (par exemple, *IVD.Library.Module.2023.8.0-6.htmdivd*) à partir du logiciel MBT HT IVD (sous-dossier MBT-Compass-HT-IVD-Modules)
 - Cliquez sur **Installer**.

Si vous avez d'autres questions, veuillez contacter Bruker.

7 Annexe

7.1 Indications de référence

Le tableau suivant énumère les indications de référence incluses dans la bibliothèque MBT IVD Library 2023 :

Tableau 6 : Indications de référence

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Acetobacter aceti</i>	Pour les espèces aceti / cerevisiae / farinalis / indonesiensis / malorum / orleanensis / persici du genre Acetobacter, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Acetobacter cerevisiae</i>	Pour les espèces aceti / cerevisiae / farinalis / indonesiensis / malorum / orleanensis / persici du genre Acetobacter, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Acetobacter fabarum</i>	Pour les espèces fabarum / ghanensis / lambici / lovaniensis / okinawensis / syzygi du genre Acetobacter, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Acetobacter ghanensis</i>	Pour les espèces fabarum / ghanensis / lambici / lovaniensis / okinawensis / syzygi du genre Acetobacter, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Acetobacter indonesiensis</i>	Pour les espèces aceti / cerevisiae / farinalis / indonesiensis / malorum / orleanensis / persici du genre Acetobacter, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Acetobacter lambici</i>	Pour les espèces fabarum / ghanensis / lambici / lovaniensis / okinawensis / syzygi du genre Acetobacter, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Acetobacter lovaniensis</i>	Pour les espèces fabarum / ghanensis / lambici / lovaniensis / okinawensis / syzygi du genre Acetobacter, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Acetobacter malorum</i>	Pour les espèces aceti / cerevisiae / farinalis / indonesiensis / malorum / orleanensis / persici du genre Acetobacter, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Acetobacter orleanensis</i>	Pour les espèces aceti / cerevisiae / farinalis / indonesiensis / malorum / orleanensis / persici du genre Acetobacter, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Acetobacter pasteurianus</i>	Pour les espèces oryzifermentans / pasteurianus / pomorum du genre Acetobacter, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Acetobacter persici</i>	Pour les espèces aceti / cerevisiae / farinalis / indonesiensis / malorum / orleanensis / persici du genre Acetobacter, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Achromobacter ruhlandii</i>	Les espèces ruhlandii / xylosoxidans du genre Achromobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Achromobacter xylosoxidans</i>	Les espèces ruhlandii / xylosoxidans du genre Achromobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Acidiphilium cryptum</i>	Pour les espèces cryptum / multivorum / organovorum du genre Acidiphilium, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Acidovorax avenae</i>	Les espèces avenae / cattleyae / citrulli / oryzae du genre Acidovorax présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Acidovorax cattleyae</i>	Les espèces avenae / cattleyae / citrulli / oryzae du genre Acidovorax présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Acidovorax citrulli</i>	Les espèces avenae / cattleyae / citrulli / oryzae du genre Acidovorax présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Acidovorax delafieldii</i>	Pour les espèces delafieldii / kalamii du genre Acidovorax, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Acidovorax valerianellae</i>	Pour les espèces valerianellae / wautersii du genre Acidovorax, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Acidovorax wautersii</i>	Pour les espèces valerianellae / wautersii du genre Acidovorax, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Acinetobacter baumannii</i>	Membre du complexe Acinetobacter baumannii. Une Extraction doit être effectuée pour permettre l'identification fiable d'espèce.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Acinetobacter baylyi</i>	Les espèces baylyi / soli du genre Acinetobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Acinetobacter bereziniae</i>	Les espèces bereziniae / guillouiae / wuhouensis du genre Acinetobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Acinetobacter bouvetii</i>	Les espèces bouvetii / pragensis du genre Acinetobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Acinetobacter calcoaceticus</i>	Membre du complexe Acinetobacter baumannii. Une Extraction doit être effectuée pour permettre l'identification fiable d'espèce.
<i>Acinetobacter colistiniresistens</i>	Les espèces colistiniresistens / courvalinii / dispersus / gyllenbergii / proteolyticus / vivianii du genre Acinetobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Acinetobacter courvalinii</i>	Les espèces colistiniresistens / courvalinii / dispersus / gyllenbergii / proteolyticus / vivianii du genre Acinetobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Acinetobacter dispersus</i>	Les espèces colistiniresistens / courvalinii / dispersus / gyllenbergii / proteolyticus / vivianii du genre Acinetobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Acinetobacter guillouiae</i>	Les espèces bereziniae / guillouiae / wuhouensis du genre Acinetobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Acinetobacter gyllenbergii</i>	Les espèces colistiniresistens / courvalinii / dispersus / gyllenbergii / proteolyticus / vivianii du genre Acinetobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Acinetobacter lactucae</i>	Membre du complexe Acinetobacter baumannii. Une Extraction doit être effectuée pour permettre l'identification fiable d'espèce.
<i>Acinetobacter nosocomialis</i>	Membre du complexe Acinetobacter baumannii. Une Extraction doit être effectuée pour permettre l'identification fiable d'espèce.
<i>Acinetobacter pittii</i>	Membre du complexe Acinetobacter baumannii. Une Extraction doit être effectuée pour permettre l'identification fiable d'espèce.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Acinetobacter populi</i>	Les espèces populi / puyangensis du genre Acinetobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Acinetobacter pragensis</i>	Les espèces bouvetii / pragensis du genre Acinetobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Acinetobacter proteolyticus</i>	Les espèces colistiniresistens / courvalinii / dispersus / gyllenbergii / proteolyticus / vivianii du genre Acinetobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Acinetobacter puyangensis</i>	Les espèces populi / puyangensis du genre Acinetobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Acinetobacter seifertii</i>	Membre du complexe Acinetobacter baumannii. Une Extraction doit être effectuée pour permettre l'identification fiable d'espèce.
<i>Acinetobacter soli</i>	Les espèces baylyi / soli du genre Acinetobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Acinetobacter vivianii</i>	Les espèces colistiniresistens / courvalinii / dispersus / gyllenbergii / proteolyticus / vivianii du genre Acinetobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Acinetobacter wuhouensis</i>	Les espèces bereziniae / guillouiae / wuhouensis du genre Acinetobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Actinoalloteichus cyanogriseus</i>	Les espèces cyanogriseus / spitiensis du genre Actinoalloteichus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Actinoalloteichus hymeniacidonis</i>	Les espèces hoggarensis / hymeniacidonis du genre Actinoalloteichus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Actinobacillus arthritidis</i>	Pour les espèces arthritidis / capsulatus / equuli / lignieresii / pleuropneumoniae / suis du genre Actinobacillus, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Actinobacillus capsulatus</i>	Pour les espèces arthritidis / capsulatus / equuli / lignieresii / pleuropneumoniae / suis du genre Actinobacillus, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Actinobacillus equuli</i>	Pour les espèces arthritidis / capsulatus / equuli / lignieresii / pleuropneumoniae / suis du genre Actinobacillus, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Actinobacillus lignieresii</i>	Pour les espèces arthritidis / capsulatus / equuli / lignieresii / pleuropneumoniae / suis du genre Actinobacillus, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Actinobacillus pleuropneumoniae</i>	Pour les espèces arthritidis / capsulatus / equuli / lignieresii / pleuropneumoniae / suis du genre Actinobacillus, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Actinobacillus suis</i>	Pour les espèces arthritidis / capsulatus / equuli / lignieresii / pleuropneumoniae / suis du genre Actinobacillus, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Actinocorallia cavernae</i>	Pour les espèces cavernae / herbida du genre Actinocorallia, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Actinokineospora baliensis</i>	Pour les espèces baliensis / cianjurensis du genre Actinokineospora, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Actinokineospora cianjurensis</i>	Pour les espèces baliensis / cianjurensis du genre Actinokineospora, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Actinokineospora guangxiensis</i>	Pour les espèces acnipugnans / guangxiensis du genre Actinokineospora, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Actinokineospora mzabensis</i>	Pour les espèces mzabensis / spheciospongiae du genre Actinokineospora, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Actinokineospora spheciospongiae</i>	Pour les espèces mzabensis / spheciospongiae du genre Actinokineospora, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Actinomyces denticolens</i>	Pour les espèces denticolens / timonensis du genre Actinomyces, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Actinomyces timonensis</i>	Pour les espèces denticolens / timonensis du genre Actinomyces, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Actinotignum sanguinis</i>	Les espèces sanguinis / schaalii du genre Actinotignum présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Actinotignum schaalii</i>	Synonyme de Actinobaculum schaalii. Les espèces sanguinis / schaalii du genre Actinotignum présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Advenella incenata</i>	Pour les espèces incenata / kashmirensis du genre Advenella, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Advenella kashmirensis</i>	Pour les espèces incenata / kashmirensis du genre Advenella, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Aeribacillus pallidus</i>	Pour les espèces composti / pallidus du genre Aeribacillus, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Aerococcus urinaeequi</i>	Pour les espèces urinaeequi / viridans du genre Aerococcus, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Aerococcus viridans</i>	Pour les espèces urinaeequi / viridans du genre Aerococcus, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Aeromicrobium ginsengisoli</i>	Pour les espèces ginsengisoli / panaciterrae du genre Aeromicrobium, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Aeromonas bestiarum</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Aeromonas caviae</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Aeromonas encheleia</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Aeromonas enteropelogenes</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Aeromonas eucrenophila</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Aeromonas hydrophila</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Aeromonas ichthiosmia</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Aeromonas jandaei</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Aeromonas media</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Aeromonas molluscorum</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Aeromonas popoffii</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Aeromonas salmonicida</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Aeromonas schubertii</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Aeromonas simiae</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Aeromonas sobria</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Aeromonas veronii</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Aggregatibacter aphrophilus</i>	Synonyme de <i>Haemophilus aphrophilus</i>
<i>Agreia bicolorata</i>	Pour les espèces <i>bicolorata</i> / <i>pratensis</i> du genre <i>Agreia</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Agreia pratensis</i>	Pour les espèces <i>bicolorata</i> / <i>pratensis</i> du genre <i>Agreia</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Agrilactobacillus composti</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus composti</i>
<i>Agrobacterium larrymoorei</i>	Synonyme de <i>Rhizobium larrymoorei</i>
<i>Agrobacterium radiobacter</i>	Synonyme de <i>Rhizobium radiobacter</i>
<i>Agrobacterium rubi</i>	Synonyme de <i>Rhizobium rubi</i> . Les espèces <i>rosae</i> / <i>rubi</i> / <i>skierniewicense</i> du genre <i>Agrobacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Agrobacterium skierniewicense</i>	Synonyme de <i>Rhizobium skierniewicense</i> . Les espèces <i>rosae</i> / <i>rubi</i> / <i>skierniewicense</i> du genre <i>Agrobacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Aliivibrio logei</i>	Pour les espèces <i>logei</i> / <i>salmonicida</i> du genre <i>Aliivibrio</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Aliivibrio salmonicida</i>	Pour les espèces <i>logei</i> / <i>salmonicida</i> du genre <i>Aliivibrio</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Aliivibrio sifiae</i>	Les espèces sifiae / wodanis du genre Aliivibrio présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Alishewanella fetalis</i>	Les espèces agri / fetalis du genre Alishewanella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Alkalibacterium pelagium</i>	Les espèces indicireducens / pelagium / thalassium du genre Alkalibacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Alkalibacterium putridalgicola</i>	Pour les espèces putridalgicola / subtropicum du genre Alkalibacterium, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Alkalibacterium thalassium</i>	Les espèces indicireducens / pelagium / thalassium du genre Alkalibacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Alkalicoccus chagannorensis</i>	Synonyme de Bacillus chagannorensis. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Alkalihalobacillus alcalophilus</i>	Synonyme de Bacillus alcalophilus. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Alkalihalobacillus algicola</i>	Synonyme de Bacillus algicola. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Alkalihalobacillus pseudalcaliphilus</i>	Synonyme de Bacillus pseudalcaliphilus. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Alkalihalophilus pseudofirmus</i>	Synonyme de Bacillus pseudofirmus. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Alloscardovia criceti</i>	Les espèces criceti / theropithecii du genre Alloscardovia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Alloscardovia theropithecii</i>	Les espèces criceti / theropithecii du genre Alloscardovia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Alteromonas macleodii</i>	Les espèces gracilis / marina / macleodii / portus / simiduii / tagae du genre <i>Alteromonas</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Alteromonas mediterranea</i>	Les espèces fortis / hispanica / mediterranea / profundus du genre <i>Alteromonas</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Alteromonas stellipolaris</i>	Les espèces naphthalenivorans / stellipolaris du genre <i>Alteromonas</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Amycolatopsis alba</i>	Pour les espèces alba / azurea / coloradensis / japonica / keratiniphila / lurida / orientalis du genre <i>Amycolatopsis</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Amycolatopsis azurea</i>	Pour les espèces alba / azurea / coloradensis / japonica / keratiniphila / lurida / orientalis du genre <i>Amycolatopsis</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Amycolatopsis balhimycina</i>	Les espèces balhimycina / kentuckyensis / lexingtonensis / mediterranei / pretoriensis / sulphurea / tolypomycina du genre <i>Amycolatopsis</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Amycolatopsis coloradensis</i>	Pour les espèces alba / azurea / coloradensis / japonica / keratiniphila / lurida / orientalis du genre <i>Amycolatopsis</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Amycolatopsis japonica</i>	Pour les espèces alba / azurea / coloradensis / japonica / keratiniphila / lurida / orientalis du genre <i>Amycolatopsis</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Amycolatopsis kentuckyensis</i>	Les espèces balhimycina / kentuckyensis / lexingtonensis / mediterranei / pretoriensis / sulphurea / tolypomycina du genre <i>Amycolatopsis</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Amycolatopsis keratiniphila</i>	Pour les espèces alba / azurea / coloradensis / japonica / keratiniphila / lurida / orientalis du genre <i>Amycolatopsis</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Amycolatopsis lexingtonensis</i>	Les espèces balhimycina / kentuckyensis / lexingtonensis / mediterranei / pretoriensis / sulphurea / tolypomycina du genre Amycolatopsis présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Amycolatopsis lurida</i>	Pour les espèces alba / azurea / coloradensis / japonica / keratiniphila / lurida / orientalis du genre Amycolatopsis, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Amycolatopsis mediterranei</i>	Les espèces balhimycina / kentuckyensis / lexingtonensis / mediterranei / pretoriensis / sulphurea / tolypomycina du genre Amycolatopsis présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Amycolatopsis pretoriensis</i>	Les espèces balhimycina / kentuckyensis / lexingtonensis / mediterranei / pretoriensis / sulphurea / tolypomycina du genre Amycolatopsis présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Amycolatopsis sulphurea</i>	Les espèces balhimycina / kentuckyensis / lexingtonensis / mediterranei / pretoriensis / sulphurea / tolypomycina du genre Amycolatopsis présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Amycolatopsis tolypomycina</i>	Les espèces balhimycina / kentuckyensis / lexingtonensis / mediterranei / pretoriensis / sulphurea / tolypomycina du genre Amycolatopsis présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Amylolactobacillus amylophilus</i>	Synonyme de Lactobacillus amylophilus
<i>Amylolactobacillus amylophilus</i>	Synonyme de Lactobacillus amylophilus
<i>Anaerococcus hydrogenalis</i>	Pour les espèces hydrogenalis / senegalensis du genre Anaerococcus, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Anaerococcus senegalensis</i>	Pour les espèces hydrogenalis / senegalensis du genre Anaerococcus, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Aneurinibacillus aneurinilyticus</i>	Les espèces aneurinilyticus / migulanus du genre Aneurinibacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Aneurinibacillus danicus</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Aneurinibacillus migulanus</i>	Les espèces aneurinilyticus / migulanus du genre Aneurinibacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Aneurinibacillus thermoaerophilus</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Anoxybacillus amylolyticus</i>	Les espèces amylolyticus / contaminans / voinovskiensis du genre Anoxybacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Anoxybacillus contaminans</i>	Les espèces amylolyticus / contaminans / voinovskiensis du genre Anoxybacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Anoxybacillus flavithermus</i>	Pour les espèces eryuanensis / flavithermus / kestanbolensis / mongoliensis du genre Anoxybacillus, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Anoxybacillus rupiensis</i>	Pour les espèces geothermalis / rupiensis du genre Anoxybacillus, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Anoxybacillus voinovskiensis</i>	Les espèces amylolyticus / contaminans / voinovskiensis du genre Anoxybacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Apilactobacillus apinorum</i>	Synonyme de Lactobacillus apinorum
<i>Apilactobacillus kunkeei</i>	Synonyme de Lactobacillus kunkeei
<i>Apilactobacillus micheneri</i>	Synonyme de Lactobacillus micheneri. Les espèces micheneri / quenuiae / timberlakei du genre Apilactobacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Apilactobacillus ozensis</i>	Synonyme de Lactobacillus ozensis
<i>Apilactobacillus quenuiae</i>	Synonyme de Lactobacillus quenuiae. Les espèces micheneri / quenuiae / timberlakei du genre Apilactobacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Apilactobacillus timberlakei</i>	Synonyme de Lactobacillus timberlakei. Les espèces micheneri / quenuiae / timberlakei du genre Apilactobacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Arcobacter aquimarinus</i>	Les espèces aquimarinus / cloacae / defluvii / ellisii du genre Arcobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Arcobacter cloacae</i>	Les espèces aquimarinus / cloacae / defluvii / ellisii du genre Arcobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Arcobacter defluvii</i>	Les espèces aquimarinus / cloacae / defluvii / ellisii du genre Arcobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Arthrobacter alkaliphilus</i>	Les espèces alkaliphilus / methylotrophus / ramosus / terricola du genre Arthrobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Arthrobacter alpinus</i>	Les espèces alpinus / psychrolactophilus du genre Arthrobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Arthrobacter castelli</i>	Ces espèces ont tendance à produire des polymères qui peuvent interférer avec l'identification.
<i>Arthrobacter cupressi</i>	Les espèces cupressi / silvisoli du genre Arthrobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Arthrobacter gandavensis</i>	Les espèces gandavensis / koreensis du genre Arthrobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Arthrobacter humicola</i>	Les espèces humicola / oryzae du genre Arthrobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Arthrobacter koreensis</i>	Les espèces gandavensis / koreensis du genre Arthrobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Arthrobacter methylotrophus</i>	Les espèces alkaliphilus / methylotrophus / ramosus / terricola du genre Arthrobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Arthrobacter parietis</i>	Les espèces parietis / tumbae du genre Arthrobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Arthrobacter pigmenti</i>	Ces espèces ont tendance à produire des polymères qui peuvent interférer avec l'identification.
<i>Arthrobacter psychrolactophilus</i>	Les espèces alpinus / psychrolactophilus du genre Arthrobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Arthrobacter ramosus</i>	Les espèces alkaliphilus / methylotrophus / ramosus / terricola du genre Arthrobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Arthrobacter silvisoli</i>	Les espèces cupressi / silvisoli du genre Arthrobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Arthrobacter tumbae</i>	Les espèces parietis / tumbae du genre Arthrobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Bacillus acidicola</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus altitudinis</i>	Les espèces altitudinis / australimaris / pumilus / safensis / xiamenensis / zhangzhouensis du genre Bacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus alveayuensis</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus amyloliquefaciens</i>	appartient au groupe Bacillus subtilis. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus atrophaeus</i>	appartient au groupe Bacillus subtilis. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus badius</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus benzoeverans</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus carboniphilus</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus cereus_thuringiensis_PG_II</i>	Bacillus anthracis, cereus, cytotoxicus, mycoides, pseudomycoides et thuringiensis sont proches et appartiennent au groupe Bacillus cereus. En particulier les spectres de Bacillus cereus sont très similaires à ceux de Bacillus



Genre/espèce	Indication de référence
	anthracis. <i>Bacillus anthracis</i> n'est pas inclus dans la base de données du MALDI Biotyper. Pour une différenciation une méthode adéquate doit être sélectionnée par un professionnel expérimenté. La qualité des spectres (score) dépende du degré de sporulation: utiliser des cultures fraîches.
<i>Bacillus cereus_thuringiensis_PG_III</i>	<i>Bacillus anthracis</i> , <i>cereus</i> , <i>cytotoxicus</i> , <i>mycoides</i> , <i>pseudomycoides</i> et <i>thuringiensis</i> sont proches et appartiennent au groupe <i>Bacillus cereus</i> . En particulier les spectres de <i>Bacillus cereus</i> sont très similaires à ceux de <i>Bacillus anthracis</i> . <i>Bacillus anthracis</i> n'est pas inclus dans la base de données du MALDI Biotyper. Pour une différenciation une méthode adéquate doit être sélectionnée par un professionnel expérimenté. La qualité des spectres (score) dépende du degré de sporulation: utiliser des cultures fraîches.
<i>Bacillus cereus_thuringiensis_PG_IV</i>	<i>Bacillus anthracis</i> , <i>cereus</i> , <i>cytotoxicus</i> , <i>mycoides</i> , <i>pseudomycoides</i> et <i>thuringiensis</i> sont proches et appartiennent au groupe <i>Bacillus cereus</i> . En particulier les spectres de <i>Bacillus cereus</i> sont très similaires à ceux de <i>Bacillus anthracis</i> . <i>Bacillus anthracis</i> n'est pas inclus dans la base de données du MALDI Biotyper. Pour une différenciation une méthode adéquate doit être sélectionnée par un professionnel expérimenté. La qualité des spectres (score) dépende du degré de sporulation: utiliser des cultures fraîches.
<i>Bacillus cereus_thuringiensis_PG_V</i>	<i>Bacillus anthracis</i> , <i>cereus</i> , <i>cytotoxicus</i> , <i>mycoides</i> , <i>pseudomycoides</i> et <i>thuringiensis</i> sont proches et appartiennent au groupe <i>Bacillus cereus</i> . En particulier les spectres de <i>Bacillus cereus</i> sont très similaires à ceux de <i>Bacillus anthracis</i> . <i>Bacillus anthracis</i> n'est pas inclus dans la base de données du MALDI Biotyper. Pour une différenciation une méthode adéquate doit être sélectionnée par un professionnel expérimenté. La qualité des spectres (score) dépende du degré de sporulation: utiliser des cultures fraîches.
<i>Bacillus chungangensis</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus coahuilensis</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus cytotoxicus_PG_VII</i>	<i>Bacillus anthracis</i> , <i>cereus</i> , <i>cytotoxicus</i> , <i>mycoides</i> , <i>pseudomycoides</i> et <i>thuringiensis</i> sont proches et appartiennent au groupe <i>Bacillus cereus</i> . En particulier les spectres de <i>Bacillus cereus</i> sont très similaires à ceux de <i>Bacillus anthracis</i> . <i>Bacillus anthracis</i> n'est pas inclus dans la base de données du MALDI Biotyper. Pour une différenciation une méthode adéquate doit être sélectionnée par un professionnel expérimenté. La qualité des spectres (score) dépende du degré de sporulation: utiliser des cultures fraîches.
<i>Bacillus halotolerans</i>	appartient au groupe <i>Bacillus subtilis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Bacillus horti</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus infantis</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus licheniformis</i>	appartient au groupe <i>Bacillus subtilis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus manliponensis</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus mojavensis</i>	appartient au groupe <i>Bacillus subtilis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus mycoides_PG_VI</i>	<i>Bacillus anthracis</i> , <i>cereus</i> , <i>cytotoxicus</i> , <i>mycoides</i> , <i>pseudomycoides</i> et <i>thuringiensis</i> sont proches et appartiennent au groupe <i>Bacillus cereus</i> . En particulier les spectres de <i>Bacillus cereus</i> sont très similaires à ceux de <i>Bacillus anthracis</i> . <i>Bacillus anthracis</i> n'est pas inclus dans la base de données du MALDI Biotyper. Pour une différenciation une méthode adéquate doit être sélectionnée par un professionnel expérimenté. La qualité des spectres (score) dépende du degré de sporulation: utiliser des cultures fraîches.
<i>Bacillus pseudomycoides_PG_I</i>	<i>Bacillus anthracis</i> , <i>cereus</i> , <i>cytotoxicus</i> , <i>mycoides</i> , <i>pseudomycoides</i> et <i>thuringiensis</i> sont proches et appartiennent au groupe <i>Bacillus cereus</i> . En particulier les spectres de <i>Bacillus cereus</i> sont très similaires à ceux de <i>Bacillus anthracis</i> . <i>Bacillus anthracis</i> n'est pas inclus dans la base de données du MALDI Biotyper. Pour une différenciation une méthode adéquate doit être sélectionnée par un professionnel expérimenté. La qualité des spectres (score) dépende du degré de sporulation: utiliser des cultures fraîches.
<i>Bacillus pumilus</i>	Les espèces <i>altitudinis</i> / <i>australimaris</i> / <i>pumilus</i> / <i>safensis</i> / <i>xiamenensis</i> / <i>zhangzhouensis</i> du genre <i>Bacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus safensis</i>	Les espèces <i>altitudinis</i> / <i>australimaris</i> / <i>pumilus</i> / <i>safensis</i> / <i>xiamenensis</i> / <i>zhangzhouensis</i> du genre <i>Bacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus seohaeanensis</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus smithii</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.



Genre/espèce	Indication de référence
<i>Bacillus sonorensis</i>	appartient au groupe <i>Bacillus subtilis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus</i> sp	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus subtilis</i>	appartient au groupe <i>Bacillus subtilis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus thermoamylovorans</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus timonensis</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus vallismortis</i>	appartient au groupe <i>Bacillus subtilis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacillus velezensis</i>	appartient au groupe <i>Bacillus subtilis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Bacteroides eggerthii</i>	Les espèces <i>eggerthii</i> / <i>stercoris</i> du genre <i>Bacteroides</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Bacteroides faecis</i>	Les espèces <i>faecis</i> / <i>thetaitaomicron</i> du genre <i>Bacteroides</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Bacteroides ovatus</i>	Les espèces <i>ovatus</i> / <i>xylanisolvens</i> du genre <i>Bacteroides</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Bacteroides stercoris</i>	Les espèces <i>eggerthii</i> / <i>stercoris</i> du genre <i>Bacteroides</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Bacteroides thetaiotaomicron</i>	Les espèces <i>faecis</i> / <i>thetaitaomicron</i> du genre <i>Bacteroides</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Bacteroides xylanisolvens</i>	Les espèces <i>ovatus</i> / <i>xylanisolvens</i> du genre <i>Bacteroides</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Bartonella acomydis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Bartonella est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Bartonella alsatica</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Bartonella est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Bartonella birtlesii</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Bartonella est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Bartonella bovis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Bartonella est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Bartonella capreoli</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Bartonella est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut

Genre/espèce	Indication de référence
	comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Bartonella chomelii</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Bartonella est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Bartonella doshiae</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Bartonella est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Bartonella elizabethae</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Bartonella est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Bartonella florencae</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Bartonella est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une

Genre/espèce	Indication de référence
	identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Bartonella heixiaziensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Bartonella est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Bartonella henselae</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Bartonella est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Bartonella jaculi</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Bartonella est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Bartonella japonica</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Bartonella est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un

Genre/espèce	Indication de référence
	professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Bartonella pachyuromydis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Bartonella est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Bartonella queenslandensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Bartonella est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Bartonella schoenbuchensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Bartonella est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Bartonella silvatica</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Bartonella est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Bartonella tribocorum</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Bartonella est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Bartonella vinsonii</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Bartonella est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Bhargavaea ginsengi</i>	Synonyme de Bacillus ginsengi
<i>Bifidobacterium porcinum</i>	Les espèces porcinum / thermacidophilum / thermophilum du genre Bifidobacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Bifidobacterium thermacidophilum</i>	Les espèces porcinum / thermacidophilum / thermophilum du genre Bifidobacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Bifidobacterium thermophilum</i>	Les espèces porcinum / thermacidophilum / thermophilum du genre Bifidobacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Blautia coccoides</i>	Les espèces coccoides / producta du genre Blautia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Bombilactobacillus bombi</i>	Synonyme de Lactobacillus bombi
<i>Bombilactobacillus mellis</i>	Synonyme de Lactobacillus mellis

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Bordetella bronchialis</i>	Pour les espèces bronchialis / sputigena du genre Bordetella, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Bordetella bronchiseptica</i>	Les espèces bronchiseptica / pertussis / parapertussis du genre Bordetella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Bordetella parapertussis</i>	Les espèces bronchiseptica / pertussis / parapertussis du genre Bordetella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Bordetella pertussis</i>	Les espèces bronchiseptica / pertussis / parapertussis du genre Bordetella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Bordetella sputigena</i>	Pour les espèces bronchialis / sputigena du genre Bordetella, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Brachybacterium conglomeratum</i>	Pour les espèces conglomeratum / paraconglomeratum du genre Brachybacterium, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Brachybacterium paraconglomeratum</i>	Pour les espèces conglomeratum / paraconglomeratum du genre Brachybacterium, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Brachyspira innocens</i>	Pour les espèces hyodysenteriae / innocens / murdochii du genre Brachyspira, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Brachyspira murdochii</i>	Pour les espèces hyodysenteriae / innocens / murdochii du genre Brachyspira, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Brevibacillus agri</i>	Les espèces agri / brevis / centrosporus / choshinensis / formosus / fortis / nitrificans / parabrevis / porteri / reuszeri / schisleri du genre Brevibacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Brevibacillus brevis</i>	Les espèces agri / brevis / centrosporus / choshinensis / formosus / fortis / nitrificans / parabrevis / porteri / reuszeri / schisleri du genre Brevibacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Brevibacillus centrosporus</i>	Les espèces agri / brevis / centrosporus / choshinensis / formosus / fortis / nitrificans / parabrevis / porteri / reuszeri / schisleri du genre Brevibacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Brevibacillus choshinensis</i>	Les espèces agri / brevis / centrosporus / choshinensis / formosus / fortis / nitrificans / parabrevis / porteri / reuszeri / schisleri du genre <i>Brevibacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Brevibacillus formosus</i>	Les espèces agri / brevis / centrosporus / choshinensis / formosus / fortis / nitrificans / parabrevis / porteri / reuszeri / schisleri du genre <i>Brevibacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Brevibacillus fortis</i>	Les espèces agri / brevis / centrosporus / choshinensis / formosus / fortis / nitrificans / parabrevis / porteri / reuszeri / schisleri du genre <i>Brevibacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Brevibacillus laterosporus</i>	Les espèces halotolerans / laterosporus du genre <i>Brevibacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Brevibacillus nitrificans</i>	Les espèces agri / brevis / centrosporus / choshinensis / formosus / fortis / nitrificans / parabrevis / porteri / reuszeri / schisleri du genre <i>Brevibacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Brevibacillus parabrevis</i>	Les espèces agri / brevis / centrosporus / choshinensis / formosus / fortis / nitrificans / parabrevis / porteri / reuszeri / schisleri du genre <i>Brevibacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Brevibacillus reuszeri</i>	Les espèces agri / brevis / centrosporus / choshinensis / formosus / fortis / nitrificans / parabrevis / porteri / reuszeri / schisleri du genre <i>Brevibacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Brevibacterium celere</i>	Les espèces celere / sanguinis du genre <i>Brevibacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Brevibacterium epidermidis</i>	Les espèces epidermidis / siliguriense du genre <i>Brevibacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Brevibacterium iodinum</i>	Les espèces iodinum / permense / profundum / sediminis du genre <i>Brevibacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Brevibacterium picturae</i>	Pour les espèces picturae / sandarakinum du genre <i>Brevibacterium</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Brevibacterium sandarakinum</i>	Pour les espèces picturae / sandarakinum du genre <i>Brevibacterium</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Brevibacterium sanguinis</i>	Les espèces celere / sanguinis du genre Brevibacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Brevibacterium sediminis</i>	Les espèces iodium / permense / profundum / sediminis du genre Brevibacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Brevibacterium siliguriense</i>	Les espèces epidermidis / siliguriense du genre Brevibacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Brevundimonas abyssalis</i>	Les espèces abyssalis / canariensis du genre Brevundimonas présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Brevundimonas nasdae</i>	Les espèces nasdae / subvibrioides du genre Brevundimonas présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Brevundimonas subvibrioides</i>	Les espèces nasdae / subvibrioides du genre Brevundimonas présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Brochothrix campestris</i>	Pour les espèces campestris / thermosphacta du genre Brochothrix, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Brochothrix thermosphacta</i>	Pour les espèces campestris / thermosphacta du genre Brochothrix, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Burkholderia ambifaria</i>	appartient au complexe Burkholderia cepacia
<i>Burkholderia anthina</i>	appartient au complexe Burkholderia cepacia
<i>Burkholderia cenocepacia</i>	appartient au complexe Burkholderia cepacia
<i>Burkholderia cepacia</i>	appartient au complexe Burkholderia cepacia
<i>Burkholderia diffusa</i>	appartient au complexe Burkholderia cepacia
<i>Burkholderia dolosa</i>	appartient au complexe Burkholderia cepacia

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Burkholderia lata</i>	appartient au complexe <i>Burkholderia cepacia</i>
<i>Burkholderia latens</i>	appartient au complexe <i>Burkholderia cepacia</i>
<i>Burkholderia metallica</i>	appartient au complexe <i>Burkholderia cepacia</i>
<i>Burkholderia multivorans</i>	appartient au complexe <i>Burkholderia cepacia</i>
<i>Burkholderia pyrrocinia</i>	appartient au complexe <i>Burkholderia cepacia</i>
<i>Burkholderia seminalis</i>	appartient au complexe <i>Burkholderia cepacia</i>
<i>Burkholderia stabilis</i>	appartient au complexe <i>Burkholderia cepacia</i>
<i>Burkholderia thailandensis</i>	<i>Burkholderia thailandensis</i> est très proche et montre des spectres très similaires aux organismes hautement pathogènes, <i>Burkholderia pseudomallei</i> / <i>mallei</i> , qui ne sont peut-être pas inclus dans la base de données du MALDI Biotyper. Pour une différenciation une méthode adéquate doit être sélectionnée par un professionnel expérimenté.
<i>Burkholderia vietnamiensis</i>	appartient au complexe <i>Burkholderia cepacia</i>
<i>Buttiauxella agrestis</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Buttiauxella brennerae</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Buttiauxella ferrugutiae</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Buttiauxella gaviniae</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Buttiauxella izardii</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Buttiauxella noackiae</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Buttiauxella warmboldiae</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Butyricimonas faecihominis</i>	Les espèces faecihominis / paravirosa du genre Butyricimonas présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Butyricimonas paravirosa</i>	Les espèces faecihominis / paravirosa du genre Butyricimonas présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Caldakalibacillus mannanilyticus</i>	Synonyme de Bacillus mannanilyticus. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Caldibacillus debilis</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Campylobacter helveticus</i>	proche de Campylobacter upsaliensis
<i>Campylobacter insulaenigrae</i>	Pour les espèces armoricus / insulaenigrae / volucris du genre Campylobacter, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Campylobacter upsaliensis</i>	proche de Campylobacter helveticus
<i>Campylobacter volucris</i>	Pour les espèces armoricus / insulaenigrae / volucris du genre Campylobacter, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Candida akabanensis</i>	Les espèces akabanensis / blattae / dosseyi du genre Candida présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Candida blattae</i>	Les espèces akabanensis / blattae / dosseyi du genre Candida présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Carnobacterium alterfunditum</i>	Pour les espèces alterfunditum / pleistocenium du genre Carnobacterium, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Carnobacterium pleistocenium</i>	Pour les espèces alterfunditum / pleistocenium du genre Carnobacterium, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Catenulispora acidiphila</i>	Les espèces acidiphila / pinisilvae / rubra du genre Catenulispora présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Catenulispora yoronensis</i>	Les espèces fulva / yoronensis du genre Catenulispora présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Cellulomonas fimi</i>	Les espèces algicola / biazotea / chitinilytica / composti / fimi du genre Cellulomonas présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Cellulomonas flavigena</i>	Les espèces flavigena / gelida / iranensis du genre Cellulomonas présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Cellulomonas gelida</i>	Les espèces flavigena / gelida / iranensis du genre Cellulomonas présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Cellulomonas hominis</i>	Pour les espèces hominis / pakistanensis du genre Cellulomonas, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Cellulomonas pakistanensis</i>	Pour les espèces hominis / pakistanensis du genre Cellulomonas, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Cellulomonas uda</i>	Les espèces persica / uda du genre Cellulomonas présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Cellulosimicrobium cellulans</i>	Les espèces cellulans / funkei / marinum du genre Cellulosimicrobium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Cellulosimicrobium funkei</i>	Les espèces cellulans / funkei / marinum du genre Cellulosimicrobium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Chryseobacterium hominis</i>	Les espèces hominis / vandammei du genre Chryseobacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Chryseobacterium joostei</i>	Les espèces joostei / oncorhynchi / tructae/ ureilyticum du genre Chryseobacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Chryseobacterium oncorhynchi</i>	Les espèces joostei / oncorhynchi / tructae/ ureilyticum du genre Chryseobacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Chryseobacterium tructae</i>	Les espèces joostei / oncorhynchi / tructae/ ureilyticum du genre Chryseobacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Chryseobacterium ureilyticum</i>	Les espèces joostei / oncorhynchi / tructae/ ureilyticum du genre Chryseobacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Citrobacter amalonaticus</i>	appartient au complexe Citrobacter amalonaticus. Les espèces amalonaticus / farmeri du genre Citrobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Citrobacter braakii</i>	appartient au complexe Citrobacter freundii. Les espèces braakii / freundii / gillennii / murlinae / rodentium / sedlakii / werkmannii / youngae du genre Citrobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Citrobacter farmeri</i>	appartient au complexe Citrobacter amalonaticus. Les espèces amalonaticus / farmeri du genre Citrobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Citrobacter freundii</i>	appartient au complexe Citrobacter freundii. Les espèces braakii / freundii / gillennii / murlinae / rodentium / sedlakii / werkmannii / youngae du genre Citrobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Citrobacter gillennii</i>	appartient au complexe Citrobacter freundii. Les espèces braakii / freundii / gillennii / murlinae / rodentium / sedlakii / werkmannii / youngae du genre Citrobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Citrobacter murlinae</i>	appartient au complexe Citrobacter freundii. Les espèces braakii / freundii / gillennii / murlinae / rodentium / sedlakii / werkmannii / youngae du genre Citrobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Citrobacter rodentium</i>	appartient au complexe <i>Citrobacter freundii</i> . Les espèces <i>braakii</i> / <i>freundii</i> / <i>gillanii</i> / <i>murlinae</i> / <i>rodentium</i> / <i>sedlakii</i> / <i>werkmannii</i> / <i>youngae</i> du genre <i>Citrobacter</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Citrobacter sedlakii</i>	appartient au complexe <i>Citrobacter freundii</i> . Les espèces <i>braakii</i> / <i>freundii</i> / <i>gillanii</i> / <i>murlinae</i> / <i>rodentium</i> / <i>sedlakii</i> / <i>werkmannii</i> / <i>youngae</i> du genre <i>Citrobacter</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Citrobacter youngae</i>	appartient au complexe <i>Citrobacter freundii</i> . Les espèces <i>braakii</i> / <i>freundii</i> / <i>gillanii</i> / <i>murlinae</i> / <i>rodentium</i> / <i>sedlakii</i> / <i>werkmannii</i> / <i>youngae</i> du genre <i>Citrobacter</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Clostridioides difficile</i>	Synonyme de <i>Clostridium difficile</i>
<i>Clostridium argentinense</i>	Les espèces <i>argentinense</i> / <i>proteolyticum</i> / <i>schirmacherense</i> / <i>subterminale</i> du genre <i>Clostridium</i> sont étroitement liées et présentent des spectres très similaires au très pathogène <i>Clostridium botulinum</i> groupe IV (toxine de type G). <i>Clostridium botulinum</i> n'est pas inclus dans la bibliothèque du MALDI Biotyper. Pour une différenciation, une méthode d'identification adéquate doit être sélectionnée par un professionnel expérimenté.
<i>Clostridium baratii</i>	Pour les espèces <i>baratii</i> / <i>budayi</i> / <i>nitritogenes</i> du genre <i>Clostridium</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Clostridium beijerinckii</i>	Synonyme de <i>Clostridium diolis</i>
<i>Clostridium budayi</i>	Pour les espèces <i>baratii</i> / <i>budayi</i> / <i>nitritogenes</i> du genre <i>Clostridium</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Clostridium carboxidivorans</i>	Les espèces <i>carboxidivorans</i> / <i>drakei</i> / <i>scatologenes</i> du genre <i>Clostridium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Clostridium celatum</i>	Les espèces <i>celatum</i> / <i>disporicum</i> / <i>saudiense</i> du genre <i>Clostridium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Clostridium disporicum</i>	Les espèces <i>celatum</i> / <i>disporicum</i> / <i>saudiense</i> du genre <i>Clostridium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Clostridium drakei</i>	Les espèces carboxidivorans / drakei / scatologenes du genre Clostridium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Clostridium haemolyticum</i>	Clostridium haemolyticum est étroitement lié et montre des spectres très similaires à ceux du très pathogène Clostridium botulinum groupe III (toxine de types C et D). Clostridium botulinum n'est pas inclus dans la bibliothèque MALDI Biotyper. Pour une différenciation, une méthode d'identification adéquate doit être sélectionnée par un professionnel expérimenté.
<i>Clostridium nitritogenes</i>	Pour les espèces baratii / budayi / nitritogenes du genre Clostridium, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Clostridium pascui</i>	Les espèces pascui / peptidivorans du genre Clostridium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Clostridium pasteurianum</i>	Pour les espèces arbusti / pasteurianum du genre Clostridium, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Clostridium roseum</i>	Les espèces aurantibutyricum / roseum du genre Clostridium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Clostridium saccharoperbutylacetonicum</i>	Les espèces puniceum / saccharoperbutylacetonicum du genre Clostridium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Clostridium saudiense</i>	Les espèces celatum / disporicum / saudiense du genre Clostridium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Clostridium scatologenes</i>	Les espèces carboxidivorans / drakei / scatologenes du genre Clostridium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Clostridium schirmacherense</i>	Les espèces argentinense / proteolyticum / schirmacherense / subterminale du genre Clostridium sont étroitement liées et présentent des spectres très similaires au très pathogène Clostridium botulinum groupe IV (toxine de type G). Clostridium botulinum n'est pas inclus dans la bibliothèque du MALDI Biotyper. Pour une différenciation, une méthode d'identification adéquate doit être sélectionnée par un professionnel expérimenté.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Clostridium sporogenes</i>	Clostridium sporogenes est étroitement lié et montre des spectres très similaires à ceux du très pathogène Clostridium botulinum groupe I (toxine de types A, B et F). Clostridium botulinum n'est pas inclus dans la bibliothèque MALDI Biotyper. Pour une différenciation, une méthode d'identification adéquate doit être sélectionnée par un professionnel expérimenté.
<i>Clostridium subterminale</i>	Les espèces argentinense / proteolyticum / schirmacherense / subterminale du genre Clostridium sont étroitement liées et présentent des spectres très similaires au très pathogène Clostridium botulinum groupe IV (toxine de type G). Clostridium botulinum n'est pas inclus dans la bibliothèque du MALDI Biotyper. Pour une différenciation, une méthode d'identification adéquate doit être sélectionnée par un professionnel expérimenté.
<i>Cohnella ginsengisoli</i>	Les espèces ginsengisoli / rhizosphaerae du genre Cohnella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Cohnella rhizosphaerae</i>	Les espèces ginsengisoli / rhizosphaerae du genre Cohnella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Cohnella soli</i>	Les espèces soli / suwonensis du genre Cohnella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Cohnella suwonensis</i>	Les espèces soli / suwonensis du genre Cohnella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Comamonas testosteroni</i>	Les espèces testosteroni / thiooxydans du genre Comamonas présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Companilactobacillus alimentarius</i>	Synonyme de Lactobacillus alimentarius
<i>Companilactobacillus farciminis</i>	Synonyme de Lactobacillus farciminis. Pour les espèces crustorum / farciminis / formosensis du genre Companilactobacillus, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Companilactobacillus furfuricola</i>	Synonyme de Lactobacillus furfuricola. Les espèces furfuricola / zhongbaensis du genre Companilactobacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Companilactobacillus ginsenosidimutans</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus ginsenosidimutans</i> . Les espèces <i>ginsenosidimutans</i> / <i>mishanensis</i> / <i>salsicarnum</i> du genre <i>Companilactobacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Companilactobacillus heilongjiangensis</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus heilongjiangensis</i> . Les espèces <i>heilongjiangensis</i> / <i>huachuanensis</i> du genre <i>Companilactobacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Companilactobacillus insicii</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus insicii</i>
<i>Companilactobacillus mindensis</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus mindensis</i>
<i>Companilactobacillus nantensis</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus nantensis</i>
<i>Companilactobacillus nodensis</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus nodensis</i>
<i>Companilactobacillus tuceti</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus tuceti</i>
<i>Companilactobacillus versmoldensis</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus versmoldensis</i>
<i>Corynebacterium lipophile_group_F1</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Corynebacterium lipophiloflavum</i>	Pour les espèces <i>lipophiloflavum</i> / <i>sanguinis</i> du genre <i>Corynebacterium</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Corynebacterium mucifaciens</i>	Les espèces <i>mucifaciens</i> / <i>ureicelerivorans</i> du genre <i>Corynebacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Corynebacterium pseudotuberculosis</i>	Les espèces <i>pseudotuberculosis</i> / <i>ulcerans</i> du genre <i>Corynebacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Corynebacterium sanguinis</i>	Pour les espèces <i>lipophiloflavum</i> / <i>sanguinis</i> du genre <i>Corynebacterium</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Corynebacterium sp</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Corynebacterium ulcerans</i>	Les espèces pseudotuberculosis / ulcerans du genre Corynebacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Corynebacterium ureicelerivorans</i>	Les espèces mucifaciens / ureicelerivorans du genre Corynebacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Cronobacter</i> sp	Cronobacter ne peut seulement être identifié qu'au niveau du genre
<i>Cryptococcus deneoformans</i>	Synonyme de Cryptococcus neoformans var. neoformans
<i>Cryptococcus neoformans</i>	Synonyme de Cryptococcus neoformans var. grubii
<i>Cupriavidus alkaliphilus</i>	Les espèces alkaliphilus / nantongensis / necator / taiwanensis du genre Cupriavidus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Cupriavidus laharis</i>	Les espèces laharis / pinatubonensis / yeoncheonensis du genre Cupriavidus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Cupriavidus necator</i>	Les espèces alkaliphilus / nantongensis / necator / taiwanensis du genre Cupriavidus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Cupriavidus taiwanensis</i>	Les espèces alkaliphilus / nantongensis / necator / taiwanensis du genre Cupriavidus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Curtobacterium albidum</i>	Les espèces albidum / citreum / oceanosedimentum du genre Curtobacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Curtobacterium citreum</i>	Les espèces albidum / citreum / oceanosedimentum du genre Curtobacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Curtobacterium flaccumfaciens</i>	Les espèces flaccumfaciens / pusillum du genre Curtobacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Curtobacterium pusillum</i>	Les espèces flaccumfaciens / pusillum du genre Curtobacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Cutaneotrichosporon_mucoides</i> group	Les espèces dermatis / mucoides du genre Cutaneotrichosporon présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Cytobacillus firmus</i>	Synonyme de Bacillus firmus. Les espèces firmus / oceanisediminis du genre Cytobacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Cytobacillus horneckiae</i>	Synonyme de Bacillus horneckiae. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Cytobacillus kochii</i>	Synonyme de Bacillus kochii. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Cytobacillus oceanisediminis</i>	Synonyme de Bacillus oceanisediminis. Les espèces firmus / oceanisediminis du genre Cytobacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Cytobacillus</i> sp	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Delftia acidovorans</i>	Les espèces acidovorans / lacustris / tsuruhatensis du genre Delftia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Delftia lacustris</i>	Les espèces acidovorans / lacustris / tsuruhatensis du genre Delftia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Delftia tsuruhatensis</i>	Les espèces acidovorans / lacustris / tsuruhatensis du genre Delftia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Dellaglioia algida</i>	Synonyme de Lactobacillus algidus
<i>Demequina aestuarii</i>	Les espèces activiva / aestuarii du genre Demequina présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Demequina aurantiaca</i>	Les espèces aurantiaca / oxidasica du genre Demequina présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Demequina gelatinilytica</i>	Les espèces gelatinilytica / iriomotensis / subtropica du genre Demequina présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Demequina iriomotensis</i>	Les espèces gelatinilytica / iriomotensis / subtropica du genre Demequina présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Demequina maris</i>	Les espèces maris / phytophila / rhizosphaerae / soli du genre Demequina présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Demequina phytophila</i>	Les espèces maris / phytophila / rhizosphaerae / soli du genre Demequina présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Demequina rhizosphaerae</i>	Les espèces maris / phytophila / rhizosphaerae / soli du genre Demequina présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Demequina soli</i>	Les espèces maris / phytophila / rhizosphaerae / soli du genre Demequina présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Demequina subtropica</i>	Les espèces gelatinilytica / iriomotensis / subtropica du genre Demequina présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Dickeya dadantii</i>	Les espèces dadantii / fangzhongdai du genre Dickeya présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Dietzia cercidiphylli</i>	Les espèces cercidiphylli / natronolimnaea / psychrhalcaliphila du genre Dietzia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Dietzia maris</i>	Pour les espèces maris / papillomatosis du genre Dietzia, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Dietzia natronolimnaea</i>	Les espèces cercidiphylli / natronolimnaea / psychrhalcaliphila du genre Dietzia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Dietzia papillomatosis</i>	Pour les espèces maris / papillomatosis du genre Dietzia, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Dietzia psychrocaliphila</i>	Les espèces cercidiphylli / natronolimnaea / psychrocaliphila du genre Dietzia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Ectobacillus funiculus</i>	Synonyme de Bacillus funiculus. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Elizabethkingia anophelis</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Elizabethkingia meningoseptica</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Elizabethkingia miricola</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Empedobacter falsenii</i>	Les espèces falsenii / tilapiae du genre Empedobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Empedobacter tilapiae</i>	Les espèces falsenii / tilapiae du genre Empedobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Enterobacter asburiae</i>	appartient au complexe Enterobacter cloacae
<i>Enterobacter bugandensis</i>	appartient au complexe Enterobacter cloacae
<i>Enterobacter cancerogenus</i>	appartient au complexe Enterobacter cloacae
<i>Enterobacter cloacae</i>	appartient au complexe Enterobacter cloacae
<i>Enterobacter hormaechei</i>	appartient au complexe Enterobacter cloacae
<i>Enterobacter kobei</i>	appartient au complexe Enterobacter cloacae
<i>Enterobacter ludwigii</i>	appartient au complexe Enterobacter cloacae

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Enterobacter roggenkampii</i>	appartient au complexe <i>Enterobacter cloacae</i>
<i>Enterocloster aldenensis</i>	Synonyme de <i>Clostridium aldenense</i>
<i>Enterocloster bolteae</i>	Synonyme de <i>Clostridium bolteae</i> . Les espèces <i>bolteae</i> / <i>clostridioformis</i> du genre <i>Enterocloster</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Enterocloster citroniae</i>	Synonyme de <i>Clostridium citroniae</i>
<i>Enterocloster clostridioformis</i>	Synonyme de <i>Clostridium clostridioforme</i> . Les espèces <i>bolteae</i> / <i>clostridioformis</i> du genre <i>Enterocloster</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Erwinia amylovora</i>	Pour les espèces <i>amylovora</i> / <i>pyrifoliae</i> du genre <i>Erwinia</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Erwinia aphidicola</i>	Pour les espèces <i>aphidicola</i> / <i>persicina</i> du genre <i>Erwinia</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Erwinia persicina</i>	Pour les espèces <i>aphidicola</i> / <i>persicina</i> du genre <i>Erwinia</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Erwinia pyrifoliae</i>	Pour les espèces <i>amylovora</i> / <i>pyrifoliae</i> du genre <i>Erwinia</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Escherichia coli</i>	proche de <i>Shigella</i> / <i>Escherichia fergusonii</i> mais ne peut en être distingué avec certitude pour le moment
<i>Escherichia fergusonii</i>	proche de <i>Shigella</i> / <i>Escherichia coli</i> mais ne peut en être distingué avec certitude pour le moment
<i>Eubacterium callanderi</i>	Les espèces <i>callanderi</i> / <i>limosum</i> du genre <i>Eubacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Eubacterium limosum</i>	Les espèces <i>callanderi</i> / <i>limosum</i> du genre <i>Eubacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Evansella cellulosilytica</i>	Synonyme de <i>Bacillus cellulosilyticus</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Evansella clarkii</i>	Synonyme de <i>Bacillus clarkii</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Evansella vedderi</i>	Synonyme de <i>Bacillus vedderi</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Exiguobacterium aestuarii</i>	Les espèces <i>aestuarii</i> / <i>marinum</i> / <i>profundum</i> du genre <i>Exiguobacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Exiguobacterium antarcticum</i>	Pour les espèces <i>antarcticum</i> / <i>solii</i> du genre <i>Exiguobacterium</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Exiguobacterium artemiae</i>	Pour les espèces <i>artemiae</i> / <i>sibiricum</i> du genre <i>Exiguobacterium</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Exiguobacterium indicum</i>	Pour les espèces <i>acetylicum</i> / <i>enclense</i> / <i>indicum</i> du genre <i>Exiguobacterium</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Exiguobacterium marinum</i>	Les espèces <i>aestuarii</i> / <i>marinum</i> / <i>profundum</i> du genre <i>Exiguobacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Exiguobacterium mexicanum</i>	Les espèces <i>aquaticum</i> / <i>mexicanum</i> / <i>oxidotolerans</i> du genre <i>Exiguobacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Exiguobacterium oxidotolerans</i>	Les espèces <i>aquaticum</i> / <i>mexicanum</i> / <i>oxidotolerans</i> du genre <i>Exiguobacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Exiguobacterium sibiricum</i>	Pour les espèces <i>artemiae</i> / <i>sibiricum</i> du genre <i>Exiguobacterium</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Exiguobacterium soli</i>	Pour les espèces <i>antarcticum</i> / <i>solii</i> du genre <i>Exiguobacterium</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Ezakiella coagulans</i>	Synonyme de <i>Bacteroides coagulans</i>
<i>Fictibacillus arsenicus</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Fictibacillus barbaricus</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Fictibacillus halophilus</i>	Pour les espèces <i>halophilus</i> / <i>nanhaiensis</i> / <i>phosphorivorans</i> du genre <i>Fictibacillus</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Fictibacillus macauensis</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Flavobacterium aquidurens</i>	Les espèces <i>aquidurens</i> / <i>araucanum</i> / <i>hibernum</i> / <i>pectinovorum</i> / <i>piscis</i> / <i>psychroterrae</i> / <i>saccharophilum</i> du genre <i>Flavobacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Flavobacterium araucanum</i>	Les espèces <i>aquidurens</i> / <i>araucanum</i> / <i>hibernum</i> / <i>pectinovorum</i> / <i>piscis</i> / <i>psychroterrae</i> / <i>saccharophilum</i> du genre <i>Flavobacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Flavobacterium hibernum</i>	Les espèces <i>aquidurens</i> / <i>araucanum</i> / <i>hibernum</i> / <i>pectinovorum</i> / <i>piscis</i> / <i>psychroterrae</i> / <i>saccharophilum</i> du genre <i>Flavobacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Flavobacterium oncorhynchi</i>	Les espèces <i>oncorhynchi</i> / <i>plurextorum</i> du genre <i>Flavobacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Flavobacterium pectinovorum</i>	Les espèces <i>aquidurens</i> / <i>araucanum</i> / <i>hibernum</i> / <i>pectinovorum</i> / <i>piscis</i> / <i>psychroterrae</i> / <i>saccharophilum</i> du genre <i>Flavobacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Flavobacterium piscis</i>	Les espèces <i>aquidurens</i> / <i>araucanum</i> / <i>hibernum</i> / <i>pectinovorum</i> / <i>piscis</i> / <i>psychroterrae</i> / <i>saccharophilum</i> du genre <i>Flavobacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Flavobacterium plurextorum</i>	Les espèces <i>oncorhynchi</i> / <i>plurextorum</i> du genre <i>Flavobacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Flavobacterium saccharophilum</i>	Les espèces <i>aquidurens</i> / <i>araucanum</i> / <i>hibernum</i> / <i>pectinovorum</i> / <i>piscis</i> / <i>psychroterrae</i> / <i>saccharophilum</i> du genre <i>Flavobacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Francisella philomiragia</i>	Les espèces <i>noatunensis</i> / <i>orientalis</i> / <i>philomiragia</i> du genre <i>Francisella</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Fredinandcohnia humi</i>	Synonyme de <i>Bacillus humi</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Fructilactobacillus lindneri</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus lindneri</i>
<i>Fructilactobacillus sanfranciscensis</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus sanfranciscensis</i>
<i>Fructilactobacillus vespulae</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus vespulae</i>
<i>Fructobacillus pseudoficulneus</i>	Pour les espèces <i>pseudoficulneus</i> / <i>tropaeoli</i> du genre <i>Fructobacillus</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Furfurilactobacillus rossiae</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus rossiae</i>
<i>Furfurilactobacillus siliginis</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus siliginis</i>
<i>Gardnerella vaginalis</i>	Les espèces <i>piotii</i> / <i>vaginalis</i> du genre <i>Gardnerella</i> présentent des profils très similaires: il est donc difficile de distinguer ces espèces. <i>Gardnerella piotii</i> n'est pas inclus dans la base de données du MALDI Biotyper. Pour une différenciation une méthode adéquate doit être sélectionnée par un professionnel expérimenté.
<i>Geobacillus icigianus</i>	Pour les espèces <i>icigianus</i> / <i>subterraneus</i> du genre <i>Geobacillus</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Geobacillus jurassicus</i>	Pour les espèces <i>jurassicus</i> / <i>uzenensis</i> du genre <i>Geobacillus</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Geobacillus uzenensis</i>	Pour les espèces <i>jurassicus</i> / <i>uzenensis</i> du genre <i>Geobacillus</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Geodermatophilus amargosae</i>	Les espèces <i>amargosae</i> / <i>aquaeductus</i> / <i>normandii</i> / <i>saharensis</i> / <i>tzadiensis</i> du genre <i>Geodermatophilus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Geodermatophilus aquaeductus</i>	Les espèces amargosae / aquaeductus / normandii / saharensis / tzadiensis du genre Geodermatophilus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Geodermatophilus arenarius</i>	Les espèces arenarius / nigrescens du genre Geodermatophilus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Geodermatophilus nigrescens</i>	Les espèces arenarius / nigrescens du genre Geodermatophilus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Geodermatophilus normandii</i>	Les espèces amargosae / aquaeductus / normandii / saharensis / tzadiensis du genre Geodermatophilus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Geodermatophilus obscurus</i>	Les espèces africanus / chilensis / obscurus / poikilotrophus / pulveris / siccatus du genre Geodermatophilus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Geodermatophilus poikilotrophus</i>	Les espèces africanus / chilensis / obscurus / poikilotrophus / pulveris / siccatus du genre Geodermatophilus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Geodermatophilus saharensis</i>	Les espèces amargosae / aquaeductus / normandii / saharensis / tzadiensis du genre Geodermatophilus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Geodermatophilus siccatus</i>	Les espèces africanus / chilensis / obscurus / poikilotrophus / pulveris / siccatus du genre Geodermatophilus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Geodermatophilus tzadiensis</i>	Les espèces amargosae / aquaeductus / normandii / saharensis / tzadiensis du genre Geodermatophilus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Georgenia ruanii</i>	Pour les espèces ruanii / thermotolerans du genre Georgenia, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Georgenia thermotolerans</i>	Pour les espèces ruanii / thermotolerans du genre Georgenia, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Gleimia coleocanis</i>	Synonyme de Actinomyces coleocanis

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Gleimia europaea</i>	Synonyme de <i>Actinomyces europaeus</i>
<i>Gleimia hominis</i>	Synonyme de <i>Actinomyces hominis</i>
<i>Globicatella sanguinis</i>	Pour les espèces sanguinis / sulfidifiens du genre <i>Globicatella</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Globicatella sulfidifiens</i>	Pour les espèces sanguinis / sulfidifiens du genre <i>Globicatella</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Gluconacetobacter azotocaptans</i>	Les espèces <i>azotocaptans</i> / <i>johannae</i> du genre <i>Gluconacetobacter</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Gluconacetobacter sacchari</i>	Pour les espèces <i>aggeris</i> / <i>asukensis</i> / <i>sacchari</i> / <i>takamatsuzukensis</i> du genre <i>Gluconacetobacter</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Gluconobacter cerinus</i>	Les espèces <i>cerinus</i> / <i>frateurii</i> / <i>japonicus</i> / <i>thailandicus</i> / <i>wancherniae</i> du genre <i>Gluconobacter</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Gluconobacter frateurii</i>	Les espèces <i>cerinus</i> / <i>frateurii</i> / <i>japonicus</i> / <i>thailandicus</i> / <i>wancherniae</i> du genre <i>Gluconobacter</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Gluconobacter oxydans</i>	Les espèces <i>aidae</i> / <i>oxydans</i> / <i>potus</i> / <i>roseus</i> / <i>vitians</i> du genre <i>Gluconobacter</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Gluconobacter thailandicus</i>	Les espèces <i>cerinus</i> / <i>frateurii</i> / <i>japonicus</i> / <i>thailandicus</i> / <i>wancherniae</i> du genre <i>Gluconobacter</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Glycomyces lechevalierae</i>	Les espèces <i>algeriensis</i> / <i>harbinensis</i> / <i>lechevalierae</i> / <i>rutgersensis</i> du genre <i>Glycomyces</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Glycomyces sambucus</i>	Les espèces <i>sambucus</i> / <i>scopariae</i> du genre <i>Glycomyces</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Gordonia aichiensis</i>	Les espèces aichiensis / otitidis / sputi du genre Gordonia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Gordonia alkaliphila</i>	Les espèces alkaliphila / caeni / phosphorivorans du genre Gordonia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Gordonia alkanivorans</i>	Les espèces alkanivorans / amicalis / namibiensis / rubripertincta / westfalica du genre Gordonia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Gordonia hankookensis</i>	Pour les espèces hankookensis / soli du genre Gordonia, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Gordonia hongkongensis</i>	Pour les espèces hongkongensis / lacunae / terrae du genre Gordonia, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Gordonia namibiensis</i>	Les espèces alkanivorans / amicalis / namibiensis / rubripertincta / westfalica du genre Gordonia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Gordonia neofelifaecis</i>	Les espèces cholesterolivorans / neofelifaecis / sihwensis du genre Gordonia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Gordonia otitidis</i>	Les espèces aichiensis / otitidis / sputi du genre Gordonia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Gordonia phosphorivorans</i>	Les espèces alkaliphila / caeni / phosphorivorans du genre Gordonia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Gordonia phthalatica</i>	Les espèces hydrophobica / phthalatica du genre Gordonia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Gordonia rubripertincta</i>	Les espèces alkanivorans / amicalis / namibiensis / rubripertincta / westfalica du genre Gordonia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Gordonia sihwensis</i>	Les espèces cholesterolivorans / neofelifaecis / sihwensis du genre Gordonia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Gordonia soli</i>	Pour les espèces hankookensis / soli du genre Gordonia, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Gordonia sputi</i>	Les espèces aichiensis / otitidis / sputi du genre Gordonia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Gordonia terrae</i>	Les espèces hongkongensis / lacunae / terrae du genre Gordonia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Gordonia westfalica</i>	Les espèces alkanivorans / amicalis / namibiensis / rubripertincta / westfalica du genre Gordonia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Gottfriedia acidiceris</i>	Synonyme de Bacillus acidiceris. Les espèces acidiceris / luciferensis / solisilvae du genre Gottfriedia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Gottfriedia luciferensis</i>	Synonyme de Bacillus luciferensis. Les espèces acidiceris / luciferensis / solisilvae du genre Gottfriedia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Gracilibacillus ureilyticus</i>	Les espèces oryzae / ureilyticus du genre Gracilibacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Haematobacter massiliensis</i>	Pour les espèces massiliensis / missouriensis du genre Haematobacter, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Haematobacter missouriensis</i>	Pour les espèces massiliensis / missouriensis du genre Haematobacter, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Haemophilus parahaemolyticus</i>	Les espèces parahaemolyticus / paraphrohaemolyticus du genre Haemophilus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Haemophilus paraphrohaemolyticus</i>	Les espèces parahaemolyticus / paraphrohaemolyticus du genre Haemophilus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Halalkalibacter akibai</i>	Synonyme de <i>Bacillus akibai</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Halalkalibacter hemicellulosilyticus</i>	Synonyme de <i>Bacillus hemicellulosilyticus</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Halalkalibacter krulwichiae</i>	Synonyme de <i>Bacillus krulwichiae</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Halalkalibacter okhensis</i>	Synonyme de <i>Bacillus okhensis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Halalkalibacter wakoensis</i>	Synonyme de <i>Bacillus wakoensis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Halalkalibacterium halodurans</i>	Synonyme de <i>Bacillus halodurans</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Halobacillus karajensis</i>	Pour les espèces <i>dabanensis</i> / <i>karajensis</i> / <i>litoralis</i> / <i>profundi</i> du genre <i>Halobacillus</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Halomonas halmophila</i>	Pour les espèces <i>halmophila</i> / <i>sabkhae</i> du genre <i>Halomonas</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Herbaspirillum aquaticum</i>	Les espèces <i>aquaticum</i> / <i>huttiense</i> du genre <i>Herbaspirillum</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Herbaspirillum huttiense</i>	Les espèces <i>aquaticum</i> / <i>huttiense</i> du genre <i>Herbaspirillum</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Heyndrickxia oleronia</i>	Synonyme de <i>Bacillus oleronius</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Heyndrickxia sporothermodurans</i>	Synonyme de <i>Bacillus sporothermodurans</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Hungatella effluvii</i>	Pour les espèces effluvii / hathewayi du genre Hungatella, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Hungatella hathewayi</i>	Synonyme de Clostridium hathewayi. Pour les espèces effluvii / hathewayi du genre Hungatella, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Hungatella xylanolytica</i>	Synonyme de Bacteroides xylanolyticus
<i>Ignatzschineria larvae</i>	Les espèces larvae / ureiclastica du genre Ignatzschineria présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Ignatzschineria ureiclastica</i>	Les espèces larvae / ureiclastica du genre Ignatzschineria présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Isoptericola variabilis</i>	Pour les espèces cucumis / muralis / variabilis du genre Isoptericola, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Kerstesia gyiorum</i>	Les espèces gyiorum / similis du genre Kerstesia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Kitasatospora phosalacinea</i>	Pour les espèces cheerisanensis / cineracea / niigatensis / phosalacinea du genre Kitasatospora, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Klebsiella aerogenes</i>	Synonyme de Enterobacter aerogenes
<i>Klebsiella oxytoca</i>	Les espèces Klebsiella oxytoca et ornithinolytica / planticola / terrigena du genre Raoultella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Klebsiella pneumoniae</i>	proche de Klebsiella variicola
<i>Klebsiella variicola</i>	proche de Klebsiella pneumoniae
<i>Kluyvera ascorbata</i>	Les espèces ascorbata / georgiana du genre Kluyvera présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Kluyvera georgiana</i>	Les espèces ascorbata / georgiana du genre Kluyvera présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Kocuria himachalensis</i>	Les espèces himachalensis / polaris / rosea / salina du genre Kocuria présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Kocuria indica</i>	Pour les espèces indica / marina du genre Kocuria, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Kocuria marina</i>	Pour les espèces indica / marina du genre Kocuria, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Kocuria oceani</i>	Les espèces oceani / sediminis / turfanensis du genre Kocuria présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Kocuria polaris</i>	Les espèces himachalensis / polaris / rosea / salina du genre Kocuria présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Kocuria rhizophila</i>	Les espèces arsenatis / rhizophila / tytonis du genre Kocuria présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Kocuria rosea</i>	Les espèces himachalensis / polaris / rosea / salina du genre Kocuria présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Kocuria salina</i>	Les espèces himachalensis / polaris / rosea / salina du genre Kocuria présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Kocuria turfanensis</i>	Les espèces oceani / sediminis / turfanensis du genre Kocuria présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Kocuria tytonis</i>	Les espèces arsenatis / rhizophila / tytonis du genre Kocuria présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Kocuria uropygialis</i>	Pour les espèces uropygialis / uropygioeca du genre Kocuria, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Kocuria uropygioeca</i>	Pour les espèces uropygialis / uropygioeca du genre Kocuria, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Lacrimispora aerotolerans</i>	Synonyme de Clostridium aerotolerans
<i>Lacrimispora algidixylanolytica</i>	Synonyme de Clostridium algidixylanolyticum
<i>Lacrimispora celerecrescens</i>	Synonyme de Clostridium celerecrescens. Les espèces celerecrescens / sphenoides du genre Lacrimispora présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Lacrimispora indolis</i>	Synonyme de Clostridium indolis
<i>Lacrimispora saccharolytica</i>	Synonyme de Clostridium saccharolyticum
<i>Lacrimispora sphenoides</i>	Synonyme de Clostridium sphenoides. Les espèces celerecrescens / sphenoides du genre Lacrimispora présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Lactacaseibacillus brantae</i>	Synonyme de Lactobacillus brantae
<i>Lactacaseibacillus casei</i>	Synonyme de Lactobacillus casei. Les espèces casei / zeae du genre Lactacaseibacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Lactacaseibacillus manihotivorans</i>	Synonyme de Lactobacillus manihotivorans
<i>Lactacaseibacillus pantheris</i>	Synonyme de Lactobacillus pantheris
<i>Lactacaseibacillus paracasei ssp paracasei</i>	Synonyme de Lactobacillus paracasei ssp paracasei
<i>Lactacaseibacillus paracasei ssp tolerans</i>	Synonyme de Lactobacillus paracasei ssp tolerans
<i>Lactacaseibacillus rhamnosus</i>	Synonyme de Lactobacillus rhamnosus
<i>Lactacaseibacillus sharpeae</i>	Synonyme de Lactobacillus sharpeae
<i>Lactacaseibacillus zeae</i>	Synonyme de Lactobacillus zeae. Les espèces casei / zeae du genre Lactacaseibacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Lactiplantibacillus fabifermentans</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus fabifermentans</i>
<i>Lactiplantibacillus garii</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus garii</i> . Les espèces <i>garii</i> / <i>xiangfangensis</i> du genre <i>Lactiplantibacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Lactiplantibacillus herbarum</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus herbarum</i>
<i>Lactobacillus amylovorus</i>	Les espèces <i>amylovorus</i> / <i>kitasatonis</i> du genre <i>Lactobacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Lactobacillus gallinarum</i>	Pour les espèces <i>gallinarum</i> / <i>helveticus</i> du genre <i>Lactobacillus</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Lactobacillus gasseri</i>	Les espèces <i>gasseri</i> / <i>johnsonii</i> / <i>paragasseri</i> / <i>taiwanensis</i> du genre <i>Lactobacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Lactobacillus helveticus</i>	Pour les espèces <i>gallinarum</i> / <i>helveticus</i> du genre <i>Lactobacillus</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Lactobacillus johnsonii</i>	Les espèces <i>gasseri</i> / <i>johnsonii</i> / <i>paragasseri</i> / <i>taiwanensis</i> du genre <i>Lactobacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Lactobacillus kitasatonis</i>	Les espèces <i>amylovorus</i> / <i>kitasatonis</i> du genre <i>Lactobacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Lactobacillus kullabergensis</i>	Les espèces <i>kimbladii</i> / <i>kullabergensis</i> du genre <i>Lactobacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Lactobacillus taiwanensis</i>	Les espèces <i>gasseri</i> / <i>johnsonii</i> / <i>paragasseri</i> / <i>taiwanensis</i> du genre <i>Lactobacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Lactococcus garvieae</i>	Pour les espèces <i>formosensis</i> / <i>garvieae</i> / <i>petauri</i> du genre <i>Lactococcus</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Lactococcus laudensis</i>	Les espèces laudensis / raffinolactis du genre Lactococcus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Lactococcus raffinolactis</i>	Les espèces laudensis / raffinolactis du genre Lactococcus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Lapidilactobacillus concavus</i>	Synonyme de Lactobacillus concavus
<i>Lapidilactobacillus dextrinicus</i>	Synonyme de Lactobacillus dextrinicus
<i>Latilactobacillus fuchuensis</i>	Synonyme de Lactobacillus fuchuensis
<i>Lederbergia galactosidilytica</i>	Synonyme de Bacillus galactosidilyticus. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Lederbergia graminis</i>	Synonyme de Bacillus graminis. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Lederbergia lenta</i>	Synonyme de Bacillus lentus. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Lederbergia ruris</i>	Synonyme de Bacillus ruris. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Legionella erythra</i>	Les espèces erythra / rubrilucens du genre Legionella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Legionella longbeachae</i>	Les espèces longbeachae / sainthelensi du genre Legionella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Legionella moravica</i>	Les espèces moravica / quateirensis du genre Legionella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Legionella quateirensis</i>	Les espèces moravica / quateirensis du genre Legionella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Legionella rubrilucens</i>	Les espèces erythra / rubrilucens du genre Legionella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Legionella sainthelensi</i>	Les espèces longbeachae / sainthelensi du genre Legionella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Leifsonia shinshuensis</i>	Pour les espèces poae / shinshuensis / soli du genre Leifsonia, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Leifsonia soli</i>	Pour les espèces poae / shinshuensis / soli du genre Leifsonia, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Lelliottia amnigena</i>	Les espèces amnigena / jeotgali / nimipressuralis du genre Lelliottia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Lelliottia nimipressuralis</i>	Les espèces amnigena / jeotgali / nimipressuralis du genre Lelliottia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Lentilactobacillus buchneri</i>	Synonyme de Lactobacillus buchneri
<i>Lentilactobacillus diolivorans</i>	Synonyme de Lactobacillus diolivorans
<i>Lentilactobacillus farraginis</i>	Synonyme de Lactobacillus farraginis
<i>Lentilactobacillus hilgardii</i>	Synonyme de Lactobacillus hilgardii
<i>Lentilactobacillus kefir</i>	Synonyme de Lactobacillus kefir
<i>Lentilactobacillus kisonensis</i>	Synonyme de Lactobacillus kisonensis
<i>Lentilactobacillus otakiensis</i>	Synonyme de Lactobacillus otakiensis
<i>Lentilactobacillus parabuchneri</i>	Synonyme de Lactobacillus parabuchneri
<i>Lentilactobacillus parafarraginis</i>	Synonyme de Lactobacillus parafarraginis

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Lentilactobacillus parakefiri</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus parakefiri</i>
<i>Lentilactobacillus rapi</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus rapi</i>
<i>Lentilactobacillus sunkii</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus sunkii</i>
<i>Leucobacter aerolatus</i>	Pour les espèces <i>aerolatus</i> / <i>salsicius</i> du genre <i>Leucobacter</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Leucobacter albus</i>	Les espèces <i>albus</i> / <i>aridicollis</i> / <i>komagatae</i> du genre <i>Leucobacter</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Leucobacter alluvii</i>	Les espèces <i>alluvii</i> / <i>chromiiresistens</i> / <i>japonicus</i> / <i>musarum</i> du genre <i>Leucobacter</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Leucobacter aridicollis</i>	Les espèces <i>albus</i> / <i>aridicollis</i> / <i>komagatae</i> du genre <i>Leucobacter</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Leucobacter chromiiresistens</i>	Les espèces <i>alluvii</i> / <i>chromiiresistens</i> / <i>japonicus</i> / <i>musarum</i> du genre <i>Leucobacter</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Leucobacter iarius</i>	Pour les espèces <i>humi</i> / <i>iarius</i> du genre <i>Leucobacter</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Leucobacter japonicus</i>	Les espèces <i>alluvii</i> / <i>chromiiresistens</i> / <i>japonicus</i> / <i>musarum</i> du genre <i>Leucobacter</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Leucobacter komagatae</i>	Les espèces <i>albus</i> / <i>aridicollis</i> / <i>komagatae</i> du genre <i>Leucobacter</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Leucobacter salsicius</i>	Pour les espèces <i>aerolatus</i> / <i>salsicius</i> du genre <i>Leucobacter</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Levilactobacillus acidifarinae</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus acidifarinae</i> . Les espèces <i>acidifarinae</i> / <i>zymae</i> du genre <i>Levilactobacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Levilactobacillus brevis</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus brevis</i>
<i>Levilactobacillus cerevisiae</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus cerevisiae</i> . Pour les espèces <i>cerevisiae</i> / <i>koreensis</i> du genre <i>Levilactobacillus</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Levilactobacillus hammesii</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus hammesii</i> . Pour les espèces <i>fuyuanensis</i> / <i>hammesii</i> / <i>parabrevis</i> du genre <i>Levilactobacillus</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Levilactobacillus parabrevis</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus parabrevis</i> . Pour les espèces <i>fuyuanensis</i> / <i>hammesii</i> / <i>parabrevis</i> du genre <i>Levilactobacillus</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Levilactobacillus paucivorans</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus paucivorans</i>
<i>Levilactobacillus spicheri</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus spicheri</i>
<i>Levilactobacillus zymae</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus zymae</i> . Les espèces <i>acidifarinae</i> / <i>zymae</i> du genre <i>Levilactobacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Ligilactobacillus acidipiscis</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus acidipiscis</i>
<i>Ligilactobacillus agilis</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus agilis</i>
<i>Ligilactobacillus animalis</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus animalis</i> . Pour les espèces <i>animalis</i> / <i>murinus</i> du genre <i>Ligilactobacillus</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Ligilactobacillus apodemi</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus apodemi</i>
<i>Ligilactobacillus araffinosus</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus aviarius</i> ssp <i>araffinosus</i>
<i>Ligilactobacillus aviarius</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus aviarius</i>
<i>Ligilactobacillus equi</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus equi</i>

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Ligilactobacillus faecis</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus faecis</i>
<i>Ligilactobacillus murinus</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus murinus</i> . Pour les espèces animalis / murinus du genre <i>Ligilactobacillus</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Ligilactobacillus pobuzihii</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus pobuzihii</i>
<i>Ligilactobacillus ruminis</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus ruminis</i>
<i>Ligilactobacillus saerimneri</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus saerimneri</i>
<i>Ligilactobacillus salitolerans</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus salitolerans</i>
<i>Ligilactobacillus salivarius</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus salivarius</i>
<i>Limosilactobacillus antri</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus antri</i> . Les espèces antri / oris du genre <i>Limosilactobacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Limosilactobacillus caviae</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus caviae</i> . Les espèces albertensis / caviae / reuteri / rudii du genre <i>Limosilactobacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Limosilactobacillus coleohominis</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus coleohominis</i>
<i>Limosilactobacillus fermentum</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus fermentum</i>
<i>Limosilactobacillus frumenti</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus frumenti</i>
<i>Limosilactobacillus gastricus</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus gastricus</i>
<i>Limosilactobacillus gorillae</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus gorillae</i>
<i>Limosilactobacillus ingluviei</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus ingluviei</i>
<i>Limosilactobacillus mucosae</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus mucosae</i>

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Limosilactobacillus oris</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus oris</i> . Les espèces antri / oris du genre <i>Limosilactobacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Limosilactobacillus panis</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus panis</i>
<i>Limosilactobacillus pontis</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus pontis</i>
<i>Limosilactobacillus reuteri</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus reuteri</i> . Les espèces albertensis / caviae / reuteri / rudii du genre <i>Limosilactobacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Limosilactobacillus vaginalis</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus vaginalis</i>
<i>Liquorilactobacillus aquaticus</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus aquaticus</i> . Les espèces aquaticus / sucicola / uvarum du genre <i>Liquorilactobacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Liquorilactobacillus cacaonum</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus cacaonum</i>
<i>Liquorilactobacillus capillatus</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus capillatus</i>
<i>Liquorilactobacillus ghanensis</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus ghanensis</i>
<i>Liquorilactobacillus hordei</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus hordei</i>
<i>Liquorilactobacillus mali</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus mali</i>
<i>Liquorilactobacillus nagelii</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus nagelii</i>
<i>Liquorilactobacillus oeni</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus oeni</i>
<i>Liquorilactobacillus satsumensis</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus satsumensis</i>
<i>Liquorilactobacillus vini</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus vini</i>
<i>Listeria innocua</i>	Une Extraction doit être effectuée pour permettre l'identification fiable d'espèce.
<i>Listeria ivanovii</i>	Une Extraction doit être effectuée pour permettre l'identification fiable d'espèce.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Listeria monocytogenes</i>	Une Extraction doit être effectuée pour permettre l'identification fiable d'espèce.
<i>Listeria seeligeri</i>	Une Extraction doit être effectuée pour permettre l'identification fiable d'espèce.
<i>Listeria welshimeri</i>	Une Extraction doit être effectuée pour permettre l'identification fiable d'espèce.
<i>Loigolactobacillus backii</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus backii</i>
<i>Loigolactobacillus bifermentans</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus bifermentans</i>
<i>Loigolactobacillus coryniformis</i> ssp <i>coryniformis</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus coryniformis</i> ssp <i>coryniformis</i> . Les espèces <i>coryniformis</i> / <i>jiayinensis</i> du genre <i>Loigolactobacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Loigolactobacillus coryniformis</i> ssp <i>torquens</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus coryniformis</i> ssp <i>torquens</i> . Les espèces <i>coryniformis</i> / <i>jiayinensis</i> du genre <i>Loigolactobacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Loigolactobacillus rennini</i>	Synonyme de <i>Lactobacillus rennini</i>
<i>Lysinibacillus alkaliphilus</i>	Pour les espèces <i>alkaliphilus</i> / <i>composti</i> du genre <i>Lysinibacillus</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Lysinibacillus boronitolerans</i>	Les espèces <i>boronitolerans</i> / <i>fusiformis</i> / <i>sphaericus</i> / <i>xylanilyticus</i> du genre <i>Lysinibacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Lysinibacillus composti</i>	Pour les espèces <i>alkaliphilus</i> / <i>composti</i> du genre <i>Lysinibacillus</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Lysinibacillus contaminans</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Lysinibacillus endophyticus</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Lysinibacillus fusiformis</i>	Les espèces boronitolerans / fusiformis / sphaericus / xylanilyticus du genre Lysinibacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Lysinibacillus halotolerans</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Lysinibacillus louembei</i>	Pour les espèces louembei / meyeri du genre Lysinibacillus, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Lysinibacillus macroides</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Lysinibacillus meyeri</i>	Pour les espèces louembei / meyeri du genre Lysinibacillus, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Lysinibacillus odysseyi</i>	Synonyme de Bacillus odysseyi. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Lysinibacillus pakistanensis</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Lysinibacillus parviboronicapiens</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Lysinibacillus sp[2]</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Lysinibacillus sphaericus</i>	Les espèces boronitolerans / fusiformis / sphaericus / xylanilyticus du genre Lysinibacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Lysinibacillus xylanilyticus</i>	Les espèces boronitolerans / fusiformis / sphaericus / xylanilyticus du genre Lysinibacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Lysinibacillus yapensis</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Lysobacter antibioticus</i>	Pour les espèces antibioticus / capsici / ginsengisoli / gummosus du genre Lysobacter, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Lysobacter capsici</i>	Pour les espèces antibioticus / capsici / ginsengisoli / gummosus du genre Lysobacter, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Lysobacter enzymogenes</i>	Pour les espèces enzymogenes / firmicutumachus du genre Lysobacter, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Lysobacter firmicutumachus</i>	Pour les espèces enzymogenes / firmicutumachus du genre Lysobacter, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Lysobacter ginsengisoli</i>	Pour les espèces antibioticus / capsici / ginsengisoli / gummosus du genre Lysobacter, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Lysobacter gummosus</i>	Pour les espèces antibioticus / capsici / ginsengisoli / gummosus du genre Lysobacter, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Lysobacter xinjiangensis</i>	Pour les espèces helvus / xinjiangensis du genre Lysobacter, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Macrococcus canis</i>	Les espèces armenti / bohemicus / canis / caseolyticus / epidermidis / goetzii du genre Macrooccus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Macrococcus caseolyticus</i>	Les espèces armenti / bohemicus / canis / caseolyticus / epidermidis / goetzii du genre Macrooccus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Mammaliococcus fleurettii</i>	Synonyme de Staphylococcus fleurettii
<i>Mammaliococcus lentus</i>	Synonyme de Staphylococcus lentus
<i>Mammaliococcus sciuri</i>	Synonyme de Staphylococcus sciuri
<i>Mammaliococcus stepanovicii</i>	Synonyme de Staphylococcus stepanovicii

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Mammaliicoccus vitulinus</i>	Synonyme de <i>Staphylococcus vitulinus</i>
<i>Mannheimia glucosida</i>	Pour les espèces <i>glucosida</i> / <i>ruminalis</i> du genre <i>Mannheimia</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Mannheimia granulomatis</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Mannheimia ruminalis</i>	Pour les espèces <i>glucosida</i> / <i>ruminalis</i> du genre <i>Mannheimia</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Mannheimia varigena</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Margalitia shackletonii</i>	Synonyme de <i>Bacillus shackletonii</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Marinococcus halophilus</i>	Pour les espèces <i>halophilus</i> / <i>luteus</i> / <i>tarijensis</i> du genre <i>Marinococcus</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Massilia albidiflava</i>	Les espèces <i>albidiflava</i> / <i>armeniaca</i> / <i>lutea</i> / <i>tieshanensis</i> / <i>umbonata</i> du genre <i>Massilia</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Massilia alkalitolerans</i>	Les espèces <i>alkalitolerans</i> / <i>oculi</i> / <i>timonae</i> / <i>varians</i> du genre <i>Massilia</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Massilia armeniaca</i>	Les espèces <i>albidiflava</i> / <i>armeniaca</i> / <i>lutea</i> / <i>tieshanensis</i> / <i>umbonata</i> du genre <i>Massilia</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Massilia brevitalea</i>	Les espèces <i>brevitalea</i> / <i>niabensis</i> / <i>suwonensis</i> du genre <i>Massilia</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Massilia lutea</i>	Les espèces <i>albidiflava</i> / <i>armeniaca</i> / <i>lutea</i> / <i>tieshanensis</i> / <i>umbonata</i> du genre <i>Massilia</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Massilia niabensis</i>	Les espèces <i>brevitalea</i> / <i>niabensis</i> / <i>suwonensis</i> du genre <i>Massilia</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Massilia oculi</i>	Les espèces <i>alkalitolerans</i> / <i>oculi</i> / <i>timonae</i> / <i>varians</i> du genre <i>Massilia</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Massilia suwonensis</i>	Les espèces <i>brevitalea</i> / <i>niabensis</i> / <i>suwonensis</i> du genre <i>Massilia</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Massilia tieshanensis</i>	Les espèces <i>albidiflava</i> / <i>armeniaca</i> / <i>lutea</i> / <i>tieshanensis</i> / <i>umbonata</i> du genre <i>Massilia</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Massilia timonae</i>	Les espèces <i>alkalitolerans</i> / <i>oculi</i> / <i>timonae</i> / <i>varians</i> du genre <i>Massilia</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Massilia umbonata</i>	Les espèces <i>albidiflava</i> / <i>armeniaca</i> / <i>lutea</i> / <i>tieshanensis</i> / <i>umbonata</i> du genre <i>Massilia</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Massilia varians</i>	Les espèces <i>alkalitolerans</i> / <i>oculi</i> / <i>timonae</i> / <i>varians</i> du genre <i>Massilia</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Mediterraneibacter glycyrrhizinilyticus</i>	Synonyme de <i>Clostridium glycyrrhizinilyticum</i>
<i>Mesobacillus campisalis</i>	Synonyme de <i>Bacillus campisalis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Mesobacillus foraminis</i>	Synonyme de <i>Bacillus foraminis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Mesobacillus jeotgali</i>	Synonyme de <i>Bacillus jeotgali</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Mesobacillus subterraneus</i>	Synonyme de <i>Bacillus subterraneus</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Mesobacillus thioparans</i>	Synonyme de <i>Bacillus thioparans</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Mesobacillus zeae</i>	Synonyme de <i>Bacillus zeae</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Mesomycoplasma hyorhinis</i>	Synonyme de <i>Mycoplasma hyorhinis</i>
<i>Mesomycoplasma ovipneumoniae</i>	Synonyme de <i>Mycoplasma ovipneumoniae</i>
<i>Metabacillus fastidiosus</i>	Synonyme de <i>Bacillus fastidiosus</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Metabacillus galliciensis</i>	Synonyme de <i>Bacillus galliciensis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Metabacillus halosaccharovorans</i>	Synonyme de <i>Bacillus halosaccharovorans</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Metabacillus idriensis</i>	Synonyme de <i>Bacillus idriensis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Metabacillus indicus</i>	Synonyme de <i>Bacillus indicus</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Metabacillus litoralis</i>	Synonyme de <i>Bacillus litoralis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Metabacillus niabensis</i>	Synonyme de <i>Bacillus niabensis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Metamycoplasma gateae</i>	Synonyme de <i>Mycoplasma gateae</i>
<i>Metamycoplasma hominis</i>	Synonyme de <i>Mycoplasma hominis</i>

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Metamycoplasma salivarium</i>	Synonyme de Mycoplasma salivarium
<i>Methylobacterium hispanicum</i>	Pour les espèces gregans / hispanicum du genre Methylobacterium, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Methylobacterium tardum</i>	Pour les espèces longum / phyllostachyos / radiotolerans / tardum du genre Methylobacterium, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Methylobacterium extorquens</i>	Pour les espèces aminovorans / extorquens / pseudosasae / thiocyanatum / zatmanii du genre Methylobacterium, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Methylobacterium rhodesianum</i>	Pour les espèces podarium / populi / rhodesianum / thiocyanatum du genre Methylobacterium, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Methylobacterium zatmanii</i>	Pour les espèces aminovorans / extorquens / pseudosasae / thiocyanatum / zatmanii du genre Methylobacterium, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Microbacterium agarici</i>	Pour les espèces agarici / lindanitolerans du genre Microbacterium, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Microbacterium aoyamense</i>	Pour les espèces aoyamense / lacus / pumilum / saccharophilum / terregens du genre Microbacterium, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Microbacterium arabinogalactanolyticum</i>	Pour les espèces arabinogalactanolyticum / esteraromaticum du genre Microbacterium, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Microbacterium barkeri</i>	Pour les espèces barkeri / oryzae du genre Microbacterium, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Microbacterium binotii</i>	Pour les espèces binotii / neimengense du genre Microbacterium, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Microbacterium enclense</i>	Les espèces enclense / proteolyticum / testaceum du genre Microbacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Microbacterium endophyticum</i>	Pour les espèces endophyticum / halimionae du genre Microbacterium, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Microbacterium esteraromaticum</i>	Pour les espèces arabinogalactanolyticum / esteraromaticum du genre Microbacterium, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Microbacterium halimionae</i>	Pour les espèces endophyticum / halimionae du genre Microbacterium, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Microbacterium kitamiense</i>	Pour les espèces aurantiacum / chocolatum / kitamiense du genre Microbacterium, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Microbacterium lindanitolerans</i>	Pour les espèces agarici / lindanitolerans du genre Microbacterium, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Microbacterium luteolum</i>	Pour les espèces luteolum / paraoxydans du genre Microbacterium, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Microbacterium murale</i>	Les espèces murale / profundum du genre Microbacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Microbacterium nanhaiense</i>	Pour les espèces nanhaiense / sorbitolivorans du genre Microbacterium, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Microbacterium neimengense</i>	Pour les espèces binotii / neimengense du genre Microbacterium, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Microbacterium oryzae</i>	Pour les espèces barkeri / oryzae du genre Microbacterium, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Microbacterium paraoxydans</i>	Pour les espèces luteolum / paraoxydans du genre Microbacterium, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Microbacterium profundum</i>	Les espèces murale / profundum du genre Microbacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Microbacterium pumilum</i>	Pour les espèces aoyamense / lacus / pumilum / saccharophilum / terregens du genre Microbacterium, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Microbacterium saccharophilum</i>	Pour les espèces aoyamense / lacus / pumilum / saccharophilum / terregens du genre Microbacterium, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Microbacterium sorbitolivorans</i>	Pour les espèces nanhaiense / sorbitolivorans du genre Microbacterium, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Microbacterium testaceum</i>	Les espèces enclense / proteolyticum / testaceum du genre Microbacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Microvirgula aerodenitrificans</i>	Pour les espèces aerodenitrificans / curvata du genre Microvirgula, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Mixta calida</i>	Les espèces calida / gaviniae / intestinalis du genre Mixta présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Mixta gaviniae</i>	Les espèces calida / gaviniae / intestinalis du genre Mixta présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Mixta intestinalis</i>	Les espèces calida / gaviniae / intestinalis du genre Mixta présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Moorella thermoacetica</i>	Pour les espèces thermoacetica / thermoautotrophica du genre Moorella, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Moritella dasanensis</i>	Les espèces dasanensis / japonica / profunda / viscosa du genre Moritella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Moritella japonica</i>	Les espèces dasanensis / japonica / profunda / viscosa du genre Moritella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Mycoplasma alkalescens</i>	Les espèces alkalescens / arginini du genre Mycoplasma présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Mycoplasma arginini</i>	Les espèces <i>alkalescens</i> / <i>arginini</i> du genre <i>Mycoplasma</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Mycoplasma gallisepticum</i>	Synonyme de <i>Mycoplasma gallisepticum</i>
<i>Mycoplasma bovis</i>	Synonyme de <i>Mycoplasma bovis</i>
<i>Mycoplasma canis</i>	Synonyme de <i>Mycoplasma canis</i>
<i>Mycoplasma felis</i>	Synonyme de <i>Mycoplasma felis</i>
<i>Mycoplasma gallinacea</i>	Synonyme de <i>Mycoplasma gallinacea</i>
<i>Mycoplasma pullorum</i>	Synonyme de <i>Mycoplasma pullorum</i>
<i>Negativibacter succinivorans</i>	Pour les espèces <i>massiliensis</i> / <i>succinivorans</i> du genre <i>Negativibacter</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Neisseria meningitidis</i>	Les espèces non pathogènes de <i>Neisseria</i> pourraient être confondues avec les espèces <i>Neisseria meningitidis</i> . Pour une différenciation une méthode adéquate doit être sélectionnée par un professionnel expérimenté.
<i>Neisseria flavescens subflava</i> group	Les espèces <i>flavescens</i> / <i>perflava</i> / <i>polysacchara</i> / <i>subflava</i> du genre <i>Neisseria</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Neisseria sicca</i> group	Les espèces <i>macacae</i> / <i>mucosa</i> / <i>sicca</i> du genre <i>Neisseria</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Neobacillus bataviensis</i>	Synonyme de <i>Bacillus bataviensis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Neobacillus drentensis</i>	Synonyme de <i>Bacillus drentensis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Neobacillus niacini</i>	Synonyme de <i>Bacillus niacini</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Neobacillus novalis</i>	Synonyme de <i>Bacillus novalis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Neobacillus pocheonensis</i>	Synonyme de <i>Bacillus pocheonensis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Neobacillus soli</i>	Synonyme de <i>Bacillus soli</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Neobacillus sp[2]</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Neobacillus vireti</i>	Synonyme de <i>Bacillus vireti</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Nesterenkonia halobia</i>	Pour les espèces <i>halobia</i> / <i>halophila</i> du genre <i>Nesterenkonia</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Niallia circulans</i>	Synonyme de <i>Bacillus circulans</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Niallia nealsonii</i>	Synonyme de <i>Bacillus nealsonii</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Niallia taxi</i>	Synonyme de <i>Bacillus taxi</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Nocardia abscessus</i>	Pour les espèces <i>abscessus</i> / <i>arthritidis</i> / <i>asiatica</i> / <i>exalbida</i> du genre <i>Nocardia</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Nocardia arthritidis</i>	Pour les espèces <i>abscessus</i> / <i>arthritidis</i> / <i>asiatica</i> / <i>exalbida</i> du genre <i>Nocardia</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Nocardia asiatica</i>	Pour les espèces <i>abscessus</i> / <i>arthritidis</i> / <i>asiatica</i> / <i>exalbida</i> du genre <i>Nocardia</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Nocardia brasiliensis</i>	Pour les espèces brasiliensis / iowensis / vulneris du genre Nocardia, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Nocardia exalbida</i>	Pour les espèces abscessus / arthritidis / asiatica / exalbida du genre Nocardia, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Nocardia farcinica</i>	Pour les espèces farcinica / kroppenstedtii du genre Nocardia, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Nocardia goodfellowii</i>	Les espèces goodfellowii / halotolerans / sungurluensis du genre Nocardia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Nocardia iowensis</i>	Pour les espèces brasiliensis / iowensis / vulneris du genre Nocardia, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Nocardia kroppenstedtii</i>	Pour les espèces farcinica / kroppenstedtii du genre Nocardia, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Nocardia lijiangensis</i>	Pour les espèces lijiangensis / polyresistens du genre Nocardia, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Nocardia miyunensis</i>	Les espèces miyunensis / vaccinii du genre Nocardia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Nocardia polyresistens</i>	Pour les espèces lijiangensis / polyresistens du genre Nocardia, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Nocardia rhamnosiphila</i>	Pour les espèces rhamnosiphila / zapadnayensis du genre Nocardia, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Nocardia sungurluensis</i>	Les espèces goodfellowii / halotolerans / sungurluensis du genre Nocardia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Nocardia vaccinii</i>	Les espèces miyunensis / vaccinii du genre Nocardia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Nocardia vulneris</i>	Pour les espèces brasiliensis / iowensis / vulneris du genre Nocardia, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Nocardia zapadnayensis</i>	Pour les espèces rhamnosiphila / zapadnayensis du genre Nocardia, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Nocardioides hankookensis</i>	Pour les espèces conyzicola / hankookensis du genre Nocardioides, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Nocardioides oleivorans</i>	Pour les espèces oleivorans / zhoui du genre Nocardioides, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Novosphingobium fuchskuhlense</i>	Les espèces fuchskuhlense / sediminis du genre Novosphingobium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Oceanobacillus oncorhynchi</i>	Pour les espèces aidingensis / oncorhynchi du genre Oceanobacillus, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Paenarthrobacter aurescens</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Paenarthrobacter est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Paenarthrobacter histidinovorans</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Paenarthrobacter est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Paenarthrobacter ilicis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Paenarthrobacter est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Paenarthrobacter nicotinovorans</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Paenarthrobacter est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Paenarthrobacter nitroguajacolicus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Paenarthrobacter est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Paenarthrobacter ureafaciens</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Paenarthrobacter est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Paenibacillus amylolyticus</i>	Pour les espèces amylolyticus / cucumis / taichungensis / tundrae / tylopili du genre Paenibacillus, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Paenibacillus antibioticophila</i>	Pour les espèces antibioticophila / apis du genre Paenibacillus, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Paenibacillus barengoltzii</i>	Les espèces barengoltzii / phoenicis du genre Paenibacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Paenibacillus edaphicus</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Paenibacillus glucanolyticus</i>	Les espèces glucanolyticus / lautus du genre Paenibacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Paenibacillus lautus</i>	Les espèces glucanolyticus / lautus du genre Paenibacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Paenibacillus phoenicis</i>	Les espèces barengoltzii / phoenicis du genre Paenibacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Paenibacillus provencensis</i>	Pour les espèces provencensis / shunpengii / urinalis du genre Paenibacillus, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Paenibacillus tylopili</i>	Pour les espèces amylolyticus / cucumis / taichungensis / tundrae / tylopili du genre Paenibacillus, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Paenibacillus urinalis</i>	Pour les espèces provencensis / shunpengii / urinalis du genre Paenibacillus, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Pandoraea anapnoica</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Pandoraea est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Pandoraea anhela</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Pandoraea</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pandoraea apista</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Pandoraea</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pandoraea aquatica</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Pandoraea</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pandoraea bronchicola</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Pandoraea</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pandoraea capi</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Pandoraea</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut

Genre/espèce	Indication de référence
	comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pandoraea captiosa</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Pandoraea</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pandoraea commovens</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Pandoraea</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pandoraea communis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Pandoraea</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pandoraea eparura</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Pandoraea</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une

Genre/espèce	Indication de référence
	identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pandoraea horticolens</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Pandoraea</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pandoraea iniqua</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Pandoraea</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pandoraea morbifera</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Pandoraea</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pandoraea norimbergensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Pandoraea</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un

Genre/espèce	Indication de référence
	professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pandoraea nosoerga</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Pandoraea</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pandoraea pneumonica</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Pandoraea</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pandoraea pnomenusa</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Pandoraea</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pandoraea pulmonicola</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Pandoraea</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Pandoraea soli</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Pandoraea</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pandoraea sputorum</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Pandoraea</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pandoraea terrigena</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Pandoraea</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pantoea agglomerans</i>	Synonyme de <i>Erwinia herbicola</i>
<i>Pantoea anthophila</i>	Pour les espèces <i>anthophila</i> / <i>deleyi</i> / <i>eucalypti</i> du genre <i>Pantoea</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Paraclostridium bifermentans</i>	Les espèces <i>benzoelyticum</i> / <i>bifermentans</i> du genre <i>Paraclostridium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Paracoccus versutus</i>	Les espèces <i>pantotrophus</i> / <i>versutus</i> du genre <i>Paracoccus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Parageobacillus galactosidasius</i>	Pour les espèces galactosidasius / toebii du genre Parageobacillus, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Parageobacillus toebii</i>	Pour les espèces galactosidasius / toebii du genre Parageobacillus, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Paraglaciecola mesophila</i>	Les espèces mesophila / polaris du genre Paraglaciecola présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Paraglaciecola polaris</i>	Les espèces mesophila / polaris du genre Paraglaciecola présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Pasteurella canis</i>	Les espèces canis / oralis du genre Pasteurella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Pasteurella oralis</i>	Les espèces canis / oralis du genre Pasteurella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Paucilactobacillus oligofermentans</i>	Synonyme de Lactobacillus oligofermentans
<i>Paucilactobacillus suebicus</i>	Synonyme de Lactobacillus suebicus
<i>Paucilactobacillus vaccinostrercus</i>	Synonyme de Lactobacillus vaccinostrercus
<i>Pectinatus frisingensis</i>	Pour les espèces frisingensis / portalensis du genre Pectinatus, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Pectobacterium betavascuorum</i>	Les espèces aroidearum / betavascuorum / brasiliense / carotovorum / odoriferum / wasabiae du genre Pectobacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Pectobacterium carotovorum</i>	Les espèces aroidearum / betavascuorum / brasiliense / carotovorum / odoriferum / wasabiae du genre Pectobacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Pectobacterium odoriferum</i>	Les espèces aroidearum / betavascuorum / brasiliense / carotovorum / odoriferum / wasabiae du genre Pectobacterium présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Pectobacterium wasabiae</i>	Les espèces aroidearum / betavascolorum / brasiliense / carotovorum / odoriferum / wasabiae du genre <i>Pectobacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Peptacetobacter hiranonis</i>	Synonyme de <i>Clostridium hiranonis</i>
<i>Peribacillus alkalitolerans</i>	Synonyme de <i>Bacillus alkalitolerans</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Peribacillus asahii</i>	Synonyme de <i>Bacillus asahii</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Peribacillus gossypii</i>	Synonyme de <i>Bacillus gossypii</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Peribacillus muralis</i>	Synonyme de <i>Bacillus muralis</i> . Les espèces butanolivorans / frigoritolerans / muralis / simplex du genre <i>Peribacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Peribacillus psychrosaccharolyticus</i>	Synonyme de <i>Bacillus psychrosaccharolyticus</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Peribacillus simplex</i>	Synonyme de <i>Bacillus simplex</i> . Les espèces butanolivorans / frigoritolerans / muralis / simplex du genre <i>Peribacillus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Periweissella fabaria</i>	Les espèces fabalis / fabaria / ghanensis du genre <i>Periweissella</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Periweissella ghanensis</i>	Les espèces fabalis / fabaria / ghanensis du genre <i>Periweissella</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Phocaeicola coprocola</i>	Synonyme de <i>Bacteroides coprocola</i>
<i>Phocaeicola coprophilus</i>	Synonyme de <i>Bacteroides coprophilus</i>

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Phocaeicola massiliensis</i>	Synonyme de <i>Bacteroides massiliensis</i>
<i>Phocaeicola plebeius</i>	Synonyme de <i>Bacteroides plebeius</i>
<i>Phocaeicola vulgatus</i>	Synonyme de <i>Bacteroides vulgatus</i> . Les espèces <i>vulgatus</i> / <i>dorei</i> du genre <i>Phocaeicola</i> présentent des profils très similaires: il est donc difficile de distinguer ces espèces. <i>Phocaeicola dorei</i> n'est pas inclus dans la base de données du MALDI Biotyper. Pour une différenciation une méthode adéquate doit être sélectionnée par un professionnel expérimenté.
<i>Photorhabdus akhurstii</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Photorhabdus</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Photorhabdus asymbiotica</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Photorhabdus</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Photorhabdus australis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Photorhabdus</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Photorhabdus bodei</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Photorhabdus</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Photorhabdus caribbeanensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Photorhabdus</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Photorhabdus cinerea</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Photorhabdus</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Photorhabdus heterorhabditis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Photorhabdus</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Photorhabdus kayaii</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Photorhabdus</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut

Genre/espèce	Indication de référence
	comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Photorhabdus kleinii</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Photorhabdus</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Photorhabdus laumondii</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Photorhabdus</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Photorhabdus luminescens</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Photorhabdus</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Photorhabdus namnaonensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Photorhabdus</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une

Genre/espèce	Indication de référence
	identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Photorhabdus temperata</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Photorhabdus</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Photorhabdus thracensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Photorhabdus</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Phyllobacterium catacumbae</i>	Les espèces <i>catacumbae</i> / <i>ifriqiense</i> du genre <i>Phyllobacterium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Pigmentiphaga daeguensis</i>	Pour les espèces <i>daeguensis</i> / <i>kullae</i> du genre <i>Pigmentiphaga</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Planococcus citreus</i>	Les espèces <i>citreus</i> / <i>maritimus</i> / <i>rifietoensis</i> du genre <i>Planococcus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Planococcus donghaensis</i>	Les espèces <i>donghaensis</i> / <i>halocryophilus</i> / <i>versutus</i> du genre <i>Planococcus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Planococcus halocryophilus</i>	Les espèces <i>donghaensis</i> / <i>halocryophilus</i> / <i>versutus</i> du genre <i>Planococcus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Planococcus kocurii</i>	Les espèces faecalis / kocurii du genre Planococcus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Planococcus maritimus</i>	Les espèces citreus / maritimus / rifietoensis du genre Planococcus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Planococcus rifietoensis</i>	Les espèces citreus / maritimus / rifietoensis du genre Planococcus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Planococcus versutus</i>	Les espèces donghaensis / halocryophilus / versutus du genre Planococcus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Priestia endophytica</i>	Synonyme de Bacillus endophyticus. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Priestia flexa</i>	Synonyme de Bacillus flexus. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Priestia koreensis</i>	Synonyme de Bacillus koreensis. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Priestia megaterium</i>	Synonyme de Bacillus megaterium. Les espèces aryabhattai / megaterium du genre Priestia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Proteus hauseri</i>	Les espèces hauseri / penneri / vulgaris du genre Proteus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Proteus penneri</i>	Les espèces hauseri / penneri / vulgaris du genre Proteus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Proteus vulgaris</i>	Les espèces hauseri / penneri / vulgaris du genre Proteus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Providencia alcalifaciens</i>	Les espèces alcalifaciens / huaxiensis / rettgeri / rustigianii du genre Providencia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Providencia rettgeri</i>	Les espèces alcalifaciens / huaxiensis / rettgeri / rustigianii du genre Providencia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Providencia rustigianii</i>	Les espèces alcalifaciens / huaxiensis / rettgeri / rustigianii du genre Providencia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Pseudalkalibacillus decolorationis</i>	Synonyme de Bacillus decolorationis. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Pseudalkalibacillus hwajinpoensis</i>	Synonyme de Bacillus hwajinpoensis. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Pseudarthrobacter chlorophenolicus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Pseudarthrobacter est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pseudarthrobacter defluvii</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Pseudarthrobacter est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pseudarthrobacter niigatensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Pseudarthrobacter est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une



Genre/espèce	Indication de référence
	identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pseudarthrobacter oxydans</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Pseudarthrobacter est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pseudarthrobacter phenanthrenivorans</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Pseudarthrobacter est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pseudarthrobacter polychromogenes</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Pseudarthrobacter est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pseudarthrobacter scleromae</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Pseudarthrobacter est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un

Genre/espèce	Indication de référence
	professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pseudarthrobacter siccitolerans</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Pseudarthrobacter est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pseudarthrobacter sulfonivorans</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Pseudarthrobacter est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Pseudescherichia vulneris</i>	Synonyme de Escherichia vulneris
<i>Pseudochrobactrum asaccharolyticum</i>	Les espèces asaccharolyticum / kiredjianaie / lubricantis / saccharolyticum du genre Pseudochrobactrum présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Pseudoglutamicibacter albus</i>	Les espèces albus / cumminsii du genre Pseudoglutamicibacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Pseudoglutamicibacter cumminsii</i>	Les espèces albus / cumminsii du genre Pseudoglutamicibacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Pseudomonas azotoformans</i>	appartient au groupe Pseudomonas fluorescens
<i>Pseudomonas balearica</i>	appartient au groupe Pseudomonas stutzeri
<i>Pseudomonas brenneri</i>	appartient au groupe Pseudomonas fluorescens

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Pseudomonas cedrina</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas fluorescens</i>
<i>Pseudomonas congelans</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas fluorescens</i>
<i>Pseudomonas corrugata</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas fluorescens</i>
<i>Pseudomonas extremorientalis</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas fluorescens</i>
<i>Pseudomonas fluorescens</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas fluorescens</i>
<i>Pseudomonas fulva</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas putida</i>
<i>Pseudomonas gessardii</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas fluorescens</i>
<i>Pseudomonas libanensis</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas fluorescens</i>
<i>Pseudomonas luteola</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas stutzeri</i>
<i>Pseudomonas mandelii</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas fluorescens</i>
<i>Pseudomonas marginalis</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas fluorescens</i>
<i>Pseudomonas migulae</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas fluorescens</i>
<i>Pseudomonas monteillii</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas putida</i>
<i>Pseudomonas mosselii</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas putida</i>
<i>Pseudomonas mucidolens</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas fluorescens</i>
<i>Pseudomonas orientalis</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas fluorescens</i>
<i>Pseudomonas oryzihabitans</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas putida</i>
<i>Pseudomonas plecoglossicida</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas putida</i>

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Pseudomonas poae</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas fluorescens</i>
<i>Pseudomonas protegens</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas fluorescens</i>
<i>Pseudomonas putida</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas putida</i>
<i>Pseudomonas rhodesiae</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas fluorescens</i>
<i>Pseudomonas stutzeri</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas stutzeri</i>
<i>Pseudomonas synxantha</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas fluorescens</i>
<i>Pseudomonas tolaasii</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas fluorescens</i>
<i>Pseudomonas trivialis</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas fluorescens</i>
<i>Pseudomonas veronii</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas fluorescens</i>
<i>Pseudomonas xanthomarina</i>	appartient au groupe <i>Pseudomonas stutzeri</i>
<i>Pseudonocardia alaniniphila</i>	Pour les espèces <i>alaniniphila</i> / <i>yunnanensis</i> du genre <i>Pseudonocardia</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Pseudonocardia alni</i>	Pour les espèces <i>alni</i> / <i>antarctica</i> / <i>carboxydivorans</i> du genre <i>Pseudonocardia</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Pseudonocardia ammonioxydans</i>	Pour les espèces <i>ammonioxydans</i> / <i>tritici</i> du genre <i>Pseudonocardia</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Pseudonocardia antarctica</i>	Pour les espèces <i>alni</i> / <i>antarctica</i> / <i>carboxydivorans</i> du genre <i>Pseudonocardia</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Pseudonocardia autotrophica</i>	Pour les espèces <i>autotrophica</i> / <i>compacta</i> du genre <i>Pseudonocardia</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Pseudonocardia bannensis</i>	Pour les espèces artemisiae / bannensis du genre Pseudonocardia, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Pseudonocardia benzenivorans</i>	Pour les espèces benzenivorans / dioxanivorans du genre Pseudonocardia, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Pseudonocardia carboxydivorans</i>	Pour les espèces alni / antarctica / carboxydivorans du genre Pseudonocardia, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Pseudonocardia kunmingensis</i>	Pour les espèces kunmingensis / sichuanensis du genre Pseudonocardia, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Pseudonocardia parietis</i>	Pour les espèces antimicrobica / parietis du genre Pseudonocardia, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Pseudonocardia petroleophila</i>	Pour les espèces petroleophila / seranimata du genre Pseudonocardia, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Pseudonocardia yuanmonensis</i>	Pour les espèces mangrovi / yuanmonensis du genre Pseudonocardia, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Psychrobacillus insolitus</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Psychrobacillus psychrodurans</i>	Les espèces glaciei / psychrodurans / psychrotolerans du genre Psychrobacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Psychrobacillus psychrotolerans</i>	Les espèces glaciei / psychrodurans / psychrotolerans du genre Psychrobacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Psychrobacter aquaticus</i>	Les espèces aquaticus / piscatorii / vallis du genre Psychrobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Psychrobacter faecalis</i>	Pour les espèces faecalis / pulmonis du genre Psychrobacter, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Psychrobacter luti</i>	Pour les espèces luti / maritimus du genre Psychrobacter, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Psychrobacter maritimus</i>	Pour les espèces luti / maritimus du genre Psychrobacter, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Psychrobacter pacificensis</i>	Pour les espèces oceani / pacificensis du genre Psychrobacter, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Psychrobacter pulmonis</i>	Pour les espèces faecalis / pulmonis du genre Psychrobacter, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Psychrobacter vallis</i>	Les espèces aquaticus / piscatorii / vallis du genre Psychrobacter présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Rahnella aquatilis</i>	Les espèces aceris / aquatilis / bruchi / variigena / victoriana / woolbedingensis du genre Rahnella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Rahnella bruchi</i>	Les espèces aceris / aquatilis / bruchi / variigena / victoriana / woolbedingensis du genre Rahnella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Rahnella woolbedingensis</i>	Les espèces aceris / aquatilis / bruchi / variigena / victoriana / woolbedingensis du genre Rahnella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Raoultella ornithinolytica</i>	Les espèces Klebsiella oxytoca et ornithinolytica / planticola / terrigena du genre Raoultella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Raoultella planticola</i>	Les espèces Klebsiella oxytoca et ornithinolytica / planticola / terrigena du genre Raoultella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Raoultella terrigena</i>	Les espèces Klebsiella oxytoca et ornithinolytica / planticola / terrigena du genre Raoultella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Rheinheimera soli</i>	Les espèces mesophila / sediminis / soli / tangshanensis du genre Rheinheimera présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Rhodococcus aetherivorans</i>	Les espèces aetherivorans / electrodiphilus / ruber du genre Rhodococcus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Rhodococcus erythropolis</i>	Les espèces erythropolis / globulus du genre Rhodococcus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Rhodococcus globulus</i>	Les espèces erythropolis / globulus du genre Rhodococcus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Rhodococcus gordoniae</i>	Les espèces gordoniae / pyridinivorans / rhodochrous du genre Rhodococcus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Rhodococcus hoagii</i>	Synonyme de Rhodococcus equi
<i>Rhodococcus pyridinivorans</i>	Les espèces gordoniae / pyridinivorans / rhodochrous du genre Rhodococcus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Rhodococcus rhodochrous</i>	Les espèces gordoniae / pyridinivorans / rhodochrous du genre Rhodococcus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Rhodococcus ruber</i>	Les espèces aetherivorans / electrodiphilus / ruber du genre Rhodococcus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Rhodotorula glutinis</i>	Pour les espèces araucariae / glutinis / kratochvilovae du genre Rhodotorula, les séquences d'ITS sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Robertmurraya beringensis</i>	Synonyme de Bacillus beringensis. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Robertmurraya kyonggiensis</i>	Synonyme de Bacillus kyonggiensis. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Robertmurraya massiliosenegalensis</i>	Synonyme de <i>Bacillus massiliosenegalensis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Robertmurraya siralis</i>	Synonyme de <i>Bacillus siralis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Rodentibacter heylii</i>	Les espèces <i>heylii</i> / <i>pneumotropicus</i> / <i>ratti</i> du genre <i>Rodentibacter</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Rodentibacter pneumotropicus</i>	Les espèces <i>heylii</i> / <i>pneumotropicus</i> / <i>ratti</i> du genre <i>Rodentibacter</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Rodentibacter ratti</i>	Les espèces <i>heylii</i> / <i>pneumotropicus</i> / <i>ratti</i> du genre <i>Rodentibacter</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Roseomonas aestuarii</i>	Pour les espèces <i>aestuarii</i> / <i>rubra</i> / <i>suffusca</i> du genre <i>Roseomonas</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Rossellomorea aquimaris</i>	Synonyme de <i>Bacillus aquimaris</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Rossellomorea marisflavi</i>	Synonyme de <i>Bacillus marisflavi</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Rossellomorea vietnamensis</i>	Synonyme de <i>Bacillus vietnamensis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Rouxiella badensis</i>	Pour les espèces <i>badensis</i> / <i>chamberiensis</i> / <i>silvae</i> du genre <i>Rouxiella</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Rouxiella chamberiensis</i>	Pour les espèces <i>badensis</i> / <i>chamberiensis</i> / <i>silvae</i> du genre <i>Rouxiella</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Ruminiclostridium cellobioparum</i>	Synonyme de <i>Clostridium cellobioparum</i>

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Ruminiclostridium papyrosolvans</i>	Synonyme de <i>Clostridium papyrosolvans</i>
<i>Rummeliibacillus pycnus</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Saccharopolyspora erythraea</i>	Pour les espèces <i>erythraea</i> / <i>spinosporotrichia</i> du genre <i>Saccharopolyspora</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Saccharothrix mutabilis</i>	Pour les espèces <i>espanaensis</i> / <i>mutabilis</i> du genre <i>Saccharothrix</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Salibacterium salarium</i>	Synonyme de <i>Bacillus salarius</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Salimicrobium halophilum</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Salipaludibacillus agaradhaerens</i>	Synonyme de <i>Bacillus agaradhaerens</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Salmonella</i> sp	Les Salmonelles peuvent seulement être identifiées au niveau du genre.
<i>Schaalia canis</i>	Synonyme de <i>Actinomyces canis</i>
<i>Schaalia cardiffensis</i>	Synonyme de <i>Actinomyces cardiffensis</i>
<i>Schaalia funkei</i>	Synonyme de <i>Actinomyces funkei</i>
<i>Schaalia georgiae</i>	Synonyme de <i>Actinomyces georgiae</i>
<i>Schaalia hyovaginalis</i>	Synonyme de <i>Actinomyces hyovaginalis</i>
<i>Schaalia meyeri</i>	Synonyme de <i>Actinomyces meyeri</i>
<i>Schaalia odontolytica</i>	Synonyme de <i>Actinomyces odontolyticus</i>
<i>Schaalia radingae</i>	Synonyme de <i>Actinomyces radingae</i>

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Schaalia suimastitidis</i>	Synonyme de Actinomyces suimastitidis
<i>Schaalia turicensis</i>	Synonyme de Actinomyces turicensis
<i>Schaalia vaccimaxillae</i>	Synonyme de Actinomyces vaccimaxillae
<i>Schinkia azotoformans</i>	Synonyme de Bacillus azotoformans. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Schleiferilactobacillus harbinensis</i>	Synonyme de Lactobacillus harbinensis. Les espèces harbinensis / perolens du genre Schleiferilactobacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Schleiferilactobacillus perolens</i>	Synonyme de Lactobacillus perolens. Les espèces harbinensis / perolens du genre Schleiferilactobacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Schleiferilactobacillus shenzhenensis</i>	Synonyme de Lactobacillus shenzhenensis
<i>Secundilactobacillus collinoides</i>	Synonyme de Lactobacillus collinoides
<i>Secundilactobacillus malefermentans</i>	Synonyme de Lactobacillus malefermentans
<i>Secundilactobacillus paracollinoides</i>	Synonyme de Lactobacillus paracollinoides
<i>Secundilactobacillus pentosiphilus</i>	Synonyme de Lactobacillus pentosiphilus. Les espèces mixtipabuli / pentosiphilus / silagei / silagincola du genre Secundilactobacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Secundilactobacillus silagei</i>	Synonyme de Lactobacillus silagei. Les espèces mixtipabuli / pentosiphilus / silagei / silagincola du genre Secundilactobacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Secundilactobacillus silagincola</i>	Synonyme de Lactobacillus silagincola. Les espèces mixtipabuli / pentosiphilus / silagei / silagincola du genre Secundilactobacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Secundilactobacillus similis</i>	Synonyme de Lactobacillus similis. Pour les espèces odoratitofui / similis du genre Secundilactobacillus, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Serratia grimesii</i>	Les espèces grimesii / liquefaciens / myotis / plymuthica / proteamaculans / quinivorans du genre Serratia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Serratia liquefaciens</i>	Les espèces grimesii / liquefaciens / myotis / plymuthica / proteamaculans / quinivorans du genre Serratia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Serratia marcescens</i>	Les espèces marcescens / nematodiphila / ureilytica du genre Serratia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Serratia nematodiphila</i>	Les espèces marcescens / nematodiphila / ureilytica du genre Serratia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Serratia plymuthica</i>	Les espèces grimesii / liquefaciens / myotis / plymuthica / proteamaculans / quinivorans du genre Serratia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Serratia proteamaculans</i>	Les espèces grimesii / liquefaciens / myotis / plymuthica / proteamaculans / quinivorans du genre Serratia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Serratia quinivorans</i>	Les espèces grimesii / liquefaciens / myotis / plymuthica / proteamaculans / quinivorans du genre Serratia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Serratia ureilytica</i>	Les espèces marcescens / nematodiphila / ureilytica du genre Serratia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Shewanella algae</i>	Les espèces algae / carassii / chilikensis / indica / upenei du genre Shewanella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Shewanella algicola</i>	Pour les espèces algicola / saliphila du genre Shewanella, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Shewanella aquimarina</i>	Les espèces aquimarina / loihica / marisflavi du genre Shewanella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Shewanella baltica</i>	Les espèces baltica / decolorationis / glacialipiscicola / hafniensis / oneidensis / profunda / putrefaciens / seohaensis / xiamenensis du genre Shewanella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Shewanella colwelliana</i>	Pour les espèces algidipiscicola / colwelliana du genre Shewanella, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Shewanella corallii</i>	Pour les espèces corallii / submarina du genre Shewanella, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Shewanella decolorationis</i>	Les espèces baltica / decolorationis / glacialipiscicola / hafniensis / oneidensis / profunda / putrefaciens / seohaensis / xiamenensis du genre Shewanella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Shewanella fidelis</i>	Les espèces fidelis / halifaxensis / marinintestina / pealeana / pneumatophori / sairae / schlegeliana du genre Shewanella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Shewanella glacialipiscicola</i>	Les espèces baltica / decolorationis / glacialipiscicola / hafniensis / oneidensis / profunda / putrefaciens / seohaensis / xiamenensis du genre Shewanella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Shewanella hafniensis</i>	Les espèces baltica / decolorationis / glacialipiscicola / hafniensis / oneidensis / profunda / putrefaciens / seohaensis / xiamenensis du genre Shewanella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Shewanella halifaxensis</i>	Les espèces fidelis / halifaxensis / marinintestina / pealeana / pneumatophori / sairae / schlegeliana du genre Shewanella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Shewanella indica</i>	Les espèces algae / carassii / chilikensis / indica / upenei du genre Shewanella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Shewanella japonica</i>	Pour les espèces japonica / pacifica du genre Shewanella, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Shewanella kaireitica</i>	Pour les espèces kaireitica / piezotolerans du genre Shewanella, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Shewanella marinintestina</i>	Les espèces fidelis / halifaxensis / marinintestina / pealeana / pneumatophori / sairae / schlegeliana du genre Shewanella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Shewanella marisflavi</i>	Les espèces aquimarina / loihica / marisflavi du genre Shewanella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Shewanella oneidensis</i>	Les espèces baltica / decolorationis / glacialipiscicola / hafniensis / oneidensis / profunda / putrefaciens / seohaensis / xiamenensis du genre Shewanella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Shewanella pealeana</i>	Les espèces fidelis / halifaxensis / marinintestina / pealeana / pneumatophori / sairae / schlegeliana du genre Shewanella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Shewanella profunda</i>	Les espèces baltica / decolorationis / glacialipiscicola / hafniensis / oneidensis / profunda / putrefaciens / seohaensis / xiamenensis du genre Shewanella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Shewanella putrefaciens</i>	Les espèces baltica / decolorationis / glacialipiscicola / hafniensis / oneidensis / profunda / putrefaciens / seohaensis / xiamenensis du genre Shewanella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Shewanella sairae</i>	Les espèces fidelis / halifaxensis / marinintestina / pealeana / pneumatophori / sairae / schlegeliana du genre Shewanella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Shewanella schlegeliana</i>	Les espèces fidelis / halifaxensis / marinintestina / pealeana / pneumatophori / sairae / schlegeliana du genre Shewanella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Shewanella xiamenensis</i>	Les espèces baltica / decolorationis / glacialipiscicola / hafniensis / oneidensis / profunda / putrefaciens / seohaensis / xiamenensis du genre Shewanella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Shouchella clausii</i>	Synonyme de <i>Bacillus clausii</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Shouchella gibsonii</i>	Synonyme de <i>Bacillus gibsonii</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Shouchella oshimensis</i>	Synonyme de <i>Bacillus oshimensis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Shouchella patagoniensis</i>	Synonyme de <i>Bacillus patagoniensis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Siminovitchia farraginis</i>	Synonyme de <i>Bacillus farraginis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Siminovitchia fordii</i>	Synonyme de <i>Bacillus fordii</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Siminovitchia fortis</i>	Synonyme de <i>Bacillus fortis</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Solibacillus silvestris</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Sphingobium baderi</i>	Pour les espèces <i>baderi</i> / <i>wenxiniae</i> du genre <i>Sphingobium</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Sphingobium chungbukense</i>	Les espèces <i>chungbukense</i> / <i>fuliginis</i> / <i>indicum</i> du genre <i>Sphingobium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Sphingobium fuliginis</i>	Les espèces <i>chungbukense</i> / <i>fuliginis</i> / <i>indicum</i> du genre <i>Sphingobium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Sphingobium indicum</i>	Les espèces <i>chungbukense</i> / <i>fuliginis</i> / <i>indicum</i> du genre <i>Sphingobium</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Sphingobium wenxiniae</i>	Pour les espèces baderi / wenxiniae du genre Sphingobium, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Sphingomonas aquatilis</i>	Pour les espèces aquatilis / melonis du genre Sphingomonas, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Sphingomonas melonis</i>	Pour les espèces aquatilis / melonis du genre Sphingomonas, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Sphingomonas parapaucimobilis</i>	Pour les espèces parapaucimobilis / yabuuchiae du genre Sphingomonas, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Sphingomonas pseudosanguinis</i>	Les espèces pseudosanguinis / sanguinis du genre Sphingomonas présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Sphingomonas sanguinis</i>	Les espèces pseudosanguinis / sanguinis du genre Sphingomonas présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Sphingomonas yabuuchiae</i>	Pour les espèces parapaucimobilis / yabuuchiae du genre Sphingomonas, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Sporolactobacillus terrae</i>	Les espèces inulinus / terrae du genre Sporolactobacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Staphylococcus carnosus</i>	Pour les espèces carnosus / condimenti / debuckii / piscifermentans du genre Staphylococcus, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Staphylococcus coagulans</i>	Les espèces coagulans / cornubiensis / schleiferi du genre Staphylococcus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Staphylococcus cohnii</i>	Les espèces cohnii / ureilyticus du genre Staphylococcus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Staphylococcus condimenti</i>	Pour les espèces carnosus / condimenti / debuckii / piscifermentans du genre Staphylococcus, les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Staphylococcus croceilyticus</i>	Les espèces <i>croceilyticus</i> / <i>petrasii</i> / <i>pragensis</i> du genre <i>Staphylococcus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Staphylococcus hyicus</i>	Les espèces <i>agnetis</i> / <i>hyicus</i> du genre <i>Staphylococcus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Staphylococcus kloosii</i>	Les espèces <i>durrellii</i> / <i>kloosii</i> / <i>lloydii</i> du genre <i>Staphylococcus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Staphylococcus petrasii</i>	Les espèces <i>croceilyticus</i> / <i>petrasii</i> / <i>pragensis</i> du genre <i>Staphylococcus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Staphylococcus pettenkoferi</i>	Les espèces <i>argensis</i> / <i>pettenkoferi</i> du genre <i>Staphylococcus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Staphylococcus piscifermentans</i>	Pour les espèces <i>carneus</i> / <i>condimenti</i> / <i>debuckii</i> / <i>piscifermentans</i> du genre <i>Staphylococcus</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Staphylococcus pragensis</i>	Les espèces <i>croceilyticus</i> / <i>petrasii</i> / <i>pragensis</i> du genre <i>Staphylococcus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Staphylococcus schleiferi</i>	Les espèces <i>coagulans</i> / <i>cornubiensis</i> / <i>schleiferi</i> du genre <i>Staphylococcus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Staphylococcus ureilyticus</i>	Les espèces <i>cohnii</i> / <i>ureilyticus</i> du genre <i>Staphylococcus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Stenotrophomonas maltophilia</i>	appartient au ou est proche de groupe <i>Stenotrophomonas maltophilia</i>
<i>Streptococcus canis</i>	Les espèces <i>canis</i> / <i>dysgalactiae</i> du genre <i>Streptococcus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Streptococcus dysgalactiae</i>	Les espèces <i>canis</i> / <i>dysgalactiae</i> du genre <i>Streptococcus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Streptococcus equinus</i>	Les espèces <i>equinus</i> / <i>gallolyticus</i> / <i>infantarius</i> / <i>lutetiensis</i> du genre <i>Streptococcus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Streptococcus gallolyticus</i>	Les espèces <i>equinus</i> / <i>gallolyticus</i> / <i>infantarius</i> / <i>lutetiensis</i> du genre <i>Streptococcus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Streptococcus infantarius</i>	Les espèces <i>equinus</i> / <i>gallolyticus</i> / <i>infantarius</i> / <i>lutetiensis</i> du genre <i>Streptococcus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Streptococcus lutetiensis</i>	Les espèces <i>equinus</i> / <i>gallolyticus</i> / <i>infantarius</i> / <i>lutetiensis</i> du genre <i>Streptococcus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Streptococcus mitis_oralis</i>	<i>Streptococcus mitis</i> / <i>oralis</i> / <i>pneumoniae</i> / <i>pseudopneumoniae</i> sont proches! Le résultat doit être confirmé par un test complémentaire tel que celui de la sensibilité à l'optochine ou celui de la bile, considérées comme un standard en microbiologie clinique.
<i>Streptococcus pneumoniae</i>	<i>Streptococcus mitis</i> / <i>oralis</i> / <i>pneumoniae</i> / <i>pseudopneumoniae</i> sont proches! Le résultat doit être confirmé par un test complémentaire tel que celui de la sensibilité à l'optochine ou celui de la bile, considérées comme un standard en microbiologie clinique.
<i>Streptococcus pseudopneumoniae</i>	<i>Streptococcus mitis</i> / <i>oralis</i> / <i>pneumoniae</i> / <i>pseudopneumoniae</i> sont proches! Le résultat doit être confirmé par un test complémentaire tel que celui de la sensibilité à l'optochine ou celui de la bile, considérées comme un standard en microbiologie clinique.
<i>Streptococcus rattii</i>	Pour les espèces <i>ratti</i> / <i>ursoris</i> du genre <i>Streptococcus</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Streptococcus salivarius</i>	Les espèces <i>salivarius</i> / <i>vestibularis</i> du genre <i>Streptococcus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Streptococcus vestibularis</i>	Les espèces <i>salivarius</i> / <i>vestibularis</i> du genre <i>Streptococcus</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Streptomyces achromogenes</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut

Genre/espèce	Indication de référence
	comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces afghaniensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces albidoflavus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces albogriseolus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces alboniger</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une

Genre/espèce	Indication de référence
	identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces albus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces althoticus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces amakusaensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces ambofaciens</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un

Genre/espèce	Indication de référence
	professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces andamanensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces antibioticus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces anulatus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces atroolivaceus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Streptomyces avidinii</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces badius</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces bellus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces blastmyceticus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces bobili</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut

Genre/espèce	Indication de référence
	comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces bottropensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces caelestis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces calvus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces candidus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une

Genre/espèce	Indication de référence
	identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces canus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces castelarensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces catenulae</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces cavourensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un

Genre/espèce	Indication de référence
	professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces cellostaticus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces chartreusis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces chattanoogensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces cinereoruber</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Streptomyces cinnamoneus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces coeruleofuscus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces coerulescens</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces collinus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces corchorusii</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut

Genre/espèce	Indication de référence
	comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces curacoi</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces cyaneofuscatus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces cyaneus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces echinatus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une

Genre/espèce	Indication de référence
	identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces erythrogriseus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces eurythermus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces exfoliatus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces filamentosus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un

Genre/espèce	Indication de référence
	professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces finlayi</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces flaveolus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces flavidovirens</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces flavotricini</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Streptomyces flavovirens</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces flavoviridis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces fragilis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces galbus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces gardneri</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut

Genre/espèce	Indication de référence
	comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces gelaticus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces glaucescens</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces globisporus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces goshikiensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une

Genre/espèce	Indication de référence
	identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces griseofuscus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces griseoincarnatus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces griseorubens</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces griseoruber</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un

Genre/espèce	Indication de référence
	professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces griseorubiginosus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces griseostramineus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces griseoviridis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces griseus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Streptomyces halstedii</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces hiroshimensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces hirsutus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces humidus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces hygroscopicus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut

Genre/espèce	Indication de référence
	comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces lateritius</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces lavendofoliae</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces lavendulae</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces lavendulocolor</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une

Genre/espèce	Indication de référence
	identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces lilacinus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces lincolnensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces litmocidini</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces longisporoflavus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un

Genre/espèce	Indication de référence
	professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces luteogriseus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces massaporeus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces matensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces michiganensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Streptomyces minutiscleroticus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces misionensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces murinus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces mutabilis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces naganishii</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut

Genre/espèce	Indication de référence
	comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces narbonensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces nashvillensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces netropsis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces nigrescens</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une

Genre/espèce	Indication de référence
	identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces nitrosporeus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces nogalater</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces olivaceus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces olivovorticillatus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un

Genre/espèce	Indication de référence
	professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces parvulus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces phaeochromogenes</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces platensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces pluricoloescens</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Streptomyces polychromogenes</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces prasinopilosus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces prasinus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces pseudogriseolus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces pseudovenezuelae</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut

Genre/espèce	Indication de référence
	comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces puniceus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces purpurascens</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces racemochromogenes</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces ramulosus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une

Genre/espèce	Indication de référence
	identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces recifensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces resistomycificus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces rimosus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces rochei</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un

Genre/espèce	Indication de référence
	professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces roseiscleroticus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces roseofulvus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces roseolus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces roseoviolaceus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Streptomyces ruber</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces rubiginosus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces rutgersensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces scabiei</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces sclerotialus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut

Genre/espèce	Indication de référence
	comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces sindenensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces sioyaensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces</i> sp	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces</i> sp[3]	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une

Genre/espèce	Indication de référence
	identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces spiroverticillatus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces tanashiensis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces tendae</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces thioluteus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un

Genre/espèce	Indication de référence
	professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces toxytricini</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces tubercidicus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces variabilis</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces venezuelae</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Streptomyces violaceochromogenes</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces violaceorectus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces violaceoruber</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces violaceus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces violarus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut

Genre/espèce	Indication de référence
	comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces virginiae</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces viridochromogenes</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces viridodiataticus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces xanthochromogenes</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre Streptomyces est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une

Genre/espèce	Indication de référence
	identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces xantholiticus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces xanthophaeus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Streptomyces zaomyceticus</i>	La diversité taxonomique des espèces au sein du genre <i>Streptomyces</i> est très élevée. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Un tel groupe d'espèces peut comprendre jusqu'à 15 espèces différentes et peut même se superposer avec d'autres groupes. L'identification donnée par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire. Pour une identification exacte des espèces, d'autres méthodes de différenciation doivent être sélectionnées par un professionnel expérimenté. Veuillez envisager et prévoir une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA.
<i>Sutcliffiella cohnii</i>	Synonyme de <i>Bacillus cohnii</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Sutcliffiella halmapala</i>	Synonyme de <i>Bacillus halmapalus</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Sutcliffeiella horikoshii</i>	Synonyme de <i>Bacillus horikoshii</i> . La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Tatumella ptyseos</i>	Les espèces <i>ptyseos</i> / <i>terrae</i> du genre <i>Tatumella</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Tatumella terrea</i>	Les espèces <i>ptyseos</i> / <i>terrae</i> du genre <i>Tatumella</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Tenacibaculum discolor</i>	Pour les espèces <i>ascidiaceicola</i> / <i>discolor</i> / <i>litoreum</i> du genre <i>Tenacibaculum</i> , les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Thauera aminoaromatica</i>	Pour les espèces <i>aminoaromatica</i> / <i>phenylacetica</i> du genre <i>Thauera</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Thauera phenylacetica</i>	Pour les espèces <i>aminoaromatica</i> / <i>phenylacetica</i> du genre <i>Thauera</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Thermoactinomyces vulgaris</i>	Les espèces <i>intermedius</i> / <i>vulgaris</i> du genre <i>Thermoactinomyces</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Tsukamurella hongkongensis</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Tsukamurella incheonensis</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Tsukamurella paurometabola</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Tsukamurella pseudospumae</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Tsukamurella pulmonis</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Tsukamurella serpentis</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Tsukamurella sinensis</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Tsukamurella soli</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Tsukamurella spumae</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Tsukamurella strandjordii</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Tsukamurella tyrosinosolvens</i>	Les profils des espèces appartenant à ce genre sont très ressemblants: la différenciation des espèces est donc difficile.
<i>Ureibacillus acetophenoni</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Ureibacillus composti</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Ureibacillus manganicus</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Ureibacillus massiliensis</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Ureibacillus sinduriensis</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Ureibacillus suwonensis</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Ureibacillus terrenus</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Ureibacillus thermophilus</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Ureibacillus thermosphaericus</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Veillonella atypica</i>	Les espèces <i>atypica</i> / <i>caviae</i> / <i>denticariosi</i> / <i>dispar</i> / <i>infantium</i> / <i>nakazawae</i> / <i>parvula</i> / <i>rogosae</i> du genre <i>Veillonella</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Veillonella caviae</i>	Les espèces <i>atypica</i> / <i>caviae</i> / <i>denticariosi</i> / <i>dispar</i> / <i>infantium</i> / <i>nakazawae</i> / <i>parvula</i> / <i>rogosae</i> du genre <i>Veillonella</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Veillonella denticariosi</i>	Les espèces <i>atypica</i> / <i>caviae</i> / <i>denticariosi</i> / <i>dispar</i> / <i>infantium</i> / <i>nakazawae</i> / <i>parvula</i> / <i>rogosae</i> du genre <i>Veillonella</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Veillonella dispar</i>	Les espèces <i>atypica</i> / <i>caviae</i> / <i>denticariosi</i> / <i>dispar</i> / <i>infantium</i> / <i>nakazawae</i> / <i>parvula</i> / <i>rogosae</i> du genre <i>Veillonella</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Veillonella parvula</i>	Les espèces <i>atypica</i> / <i>caviae</i> / <i>denticariosi</i> / <i>dispar</i> / <i>infantium</i> / <i>nakazawae</i> / <i>parvula</i> / <i>rogosae</i> du genre <i>Veillonella</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Veillonella rogosa</i>	Les espèces <i>atypica</i> / <i>caviae</i> / <i>denticariosi</i> / <i>dispar</i> / <i>infantium</i> / <i>nakazawae</i> / <i>parvula</i> / <i>rogosae</i> du genre <i>Veillonella</i> présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Vibrio albens</i>	<i>Vibrio albens</i> (<i>V. cholerae</i> biovar <i>albens</i>) est très proche et montre des spectres très similaires à l'organisme hautement pathogène, <i>Vibrio Cholerae</i> , qui n'est peut-être pas inclus dans la base de données du MALDI Biotyper. Pour une différenciation une méthode adéquate doit être sélectionnée par un professionnel expérimenté.
<i>Vibrio alginolyticus</i>	appartient au groupe <i>Vibrio harveyi</i>
<i>Vibrio campbellii</i>	appartient au groupe <i>Vibrio harveyi</i>
<i>Vibrio fluvialis</i>	Pour les espèces <i>fluvialis</i> / <i>furnissii</i> du genre <i>Vibrio</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Vibrio furnissii</i>	Pour les espèces <i>fluvialis</i> / <i>furnissii</i> du genre <i>Vibrio</i> , les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Vibrio harveyi</i>	appartient au groupe <i>Vibrio harveyi</i>

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Vibrio mimicus</i>	Les espèces cholerae / metoecus / mimicus du genre Vibrio présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Vibrio mytili</i>	appartient au groupe Vibrio harveyi
<i>Vibrio natriegens</i>	appartient au groupe Vibrio harveyi
<i>Vibrio navarrensis</i>	Les espèces navarrensis / vulnificus du genre Vibrio présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Vibrio parahaemolyticus</i>	appartient au groupe Vibrio harveyi
<i>Vibrio rotiferianus</i>	appartient au groupe Vibrio harveyi
<i>Vibrio vulnificus</i>	Les espèces navarrensis / vulnificus du genre Vibrio présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Virgibacillus litoralis</i>	Les espèces litoralis / salinus / subterraneus du genre Virgibacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Virgibacillus marismortui</i>	Pour les espèces marismortui / olivae / salarius du genre Virgibacillus, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Virgibacillus olivae</i>	Pour les espèces marismortui / olivae / salarius du genre Virgibacillus, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Virgibacillus salarius</i>	Pour les espèces marismortui / olivae / salarius du genre Virgibacillus, les profils MALDI et les séquences du gène 16S rRNA sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.
<i>Virgibacillus salinus</i>	Les espèces litoralis / salinus / subterraneus du genre Virgibacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Virgibacillus subterraneus</i>	Les espèces litoralis / salinus / subterraneus du genre Virgibacillus présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Viridibacillus arenosi</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Viridibacillus arvi</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Viridibacillus neidei</i>	La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Weissella bombi</i>	Les espèces bombi / hellenica / sagaensis du genre Weissella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Weissella hellenica</i>	Les espèces bombi / hellenica / sagaensis du genre Weissella présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Weizmannia coagulans</i>	Synonyme de Bacillus coagulans. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Weizmannia ginsengihumi</i>	Synonyme de Bacillus ginsengihumi. La qualité des spectres (qui influe sur le score) dépend du degré de sporulation: Utilisez des colonies fraîches.
<i>Winkia neuui</i>	Synonyme de Actinomyces neuui
<i>Winkia neuui ssp anitrata</i>	Synonyme de Actinomyces neuui ssp anitratus
<i>Winkia neuui ssp neuui</i>	Synonyme de Actinomyces neuui ssp neuui
<i>Yersinia aleksiciae</i>	Les espèces aleksiciae / bercovieri / massiliensis / mollaretii du genre Yersinia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Yersinia bercovieri</i>	Les espèces aleksiciae / bercovieri / massiliensis / mollaretii du genre Yersinia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Yersinia frederiksenii</i>	Les espèces frederiksenii / intermedia / kristensenii du genre Yersinia doivent être considérées comme susceptibles de présenter des caractéristiques pathogènes.
<i>Yersinia intermedia</i>	Les espèces frederiksenii / intermedia / kristensenii du genre Yersinia doivent être considérées comme susceptibles de présenter des caractéristiques pathogènes.

Genre/espèce	Indication de référence
<i>Yersinia kristensenii</i>	Les espèces frederiksenii / intermedia / kristensenii du genre Yersinia doivent être considérées comme susceptibles de présenter des caractéristiques pathogènes.
<i>Yersinia massiliensis</i>	Les espèces aleksiciae / bercovieri / massiliensis / mollaretii du genre Yersinia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Yersinia mollaretii</i>	Les espèces aleksiciae / bercovieri / massiliensis / mollaretii du genre Yersinia présentent des profils très similaires : il est donc difficile de distinguer ces espèces.
<i>Yersinia pseudotuberculosis</i>	Yersinia pseudotuberculosis est très proche et montre des spectres très similaires à l'organisme hautement pathogène, Yersinia pestis, qui n'est pas inclus dans la base de données du MALDI Biotyper. Ces espèces ne peuvent pas être distinguées par la méthode MALDI Biotyper. Pour une différenciation une méthode adéquate doit être sélectionnée par un professionnel expérimenté.
<i>Zygoascus meyeræ</i>	Pour les espèces hellenicus / meyeræ du genre Zygoascus, les séquences d'ITS sont très similaires. Il est donc difficile de distinguer les espèces mentionnées.

7.2 Renseignements requis uniquement pour les personnes utilisant des codes d'échantillons spécifiques au laboratoire

Veillez consulter les tableaux présentés ci-dessus concernant le changement de nom du genre/de l'espèce de MSP individuels ou le changement de nom général du genre/de l'espèce.

Remarque : les utilisateurs de codes d'échantillons spécifiques au laboratoire peuvent utiliser ces informations pour mettre à jour leurs listes de codes. Ces listes peuvent ensuite servir de base à la mise à jour de listes de codes dédiés utilisées, par exemple, dans l'intégration LIMS. Pour plus de détails, veuillez contacter votre fournisseur LIMS ou contacter le service d'assistance logicielle MALDI Biotyper à l'adresse électronique suivante : biotyper.sw.support@bruker.com.

Logiciel MBT Compass IVD

La mise à jour des listes de codes peut être effectuée dans le logiciel RUO en sélectionnant l'icône des paramètres dans le coin supérieur droit. Cliquez sur le bouton **Advanced** (Avancé) au bas de la fenêtre de configuration, saisissez les éléments d'identification d'un administrateur Windows et sélectionnez **MSP Abbr** (Abbr MSP). Sur la page suivante, cliquez sur **Démarrer la modification** pour lancer l'éditeur d'abréviations. Une fenêtre s'ouvre. Sélectionnez **Grouper par espèces** et adaptez la liste de codes en conséquence.

Pour transférer ces codes depuis le logiciel RUO vers le logiciel IVD, envoyez un courriel à biotyper.sw.support@bruker.com.

Remarque : le processus de validation de ces codes relève de la responsabilité de l'utilisateur. Il est recommandé de renouveler la validation à intervalles réguliers.

Logiciel MBT Compass HT IVD

Le logiciel MBT Compass HT IVD permet d'importer, d'exporter et d'afficher la liste des codes d'espèces spécifiques aux laboratoires :

- La fonctionnalité appropriée est disponible pour le gestionnaire du laboratoire dans ce menu **Configuration > Abréviations Msp**.
- Plusieurs listes de codes sont autorisées — de nouvelles listes de codes (initialement vides) sont créées (et nommées) à l'aide du bouton **Ajouter**.
- Les nouvelles listes de codes sont remplies à partir d'un simple fichier CSV en utilisant le bouton **Importer** (ligne CSV : *Laboratoire, Abréviation, Nom*).
- Les listes de codes actuelles peuvent être exportées dans un fichier CSV en utilisant le bouton **Exporter** (même format CSV).
- Le menu affiche une liste triée de tous les codes spécifiques de laboratoire actuellement présents et présentés (Espèces | Abréviation).

Remarque : le processus de validation de ces codes relève de la responsabilité de l'utilisateur. Il est recommandé de renouveler la validation à intervalles réguliers.

7.3 Informations complémentaires pour *Staphylococcus argenteus* / *schweitzeri*

Les espèces *Staphylococcus argenteus* et *Staphylococcus schweitzeri* font partie d'un « complexe lié à *Staphylococcus aureus* » (4, 5) et présentent un potentiel de virulence similaire à celui de *Staphylococcus aureus* (1, 2, 3). Il convient donc de les évaluer plus avant.

Références

1. Eshaghi A, Bommersbach C, Zittermann S, Burnham CA, Patel R, et al. Phenotypic and genomic profiling of *Staphylococcus argenteus* in Canada and the United States and recommendations for clinical result reporting. J Clin Microbiol. Epub ahead of print 17 March 2021. DOI: 10.1128/JCM.02470-20.
2. Hansen TA, Bartels MD, Høgh SV, Dons LE, Pedersen M, et al. Whole Genome Sequencing of Danish *Staphylococcus argenteus* Reveals a Genetically Diverse Collection with Clear Separation from *Staphylococcus aureus*. Frontiers in Microbiology;8. Epub ahead of print 9 August 2017. DOI: 10.3389/fmicb.2017.01512.
3. Kaden R, Engstrand L, Rautelin H, Johansson C. Which methods are appropriate for the detection of *Staphylococcus argenteus* and is it worthwhile to distinguish *S. argenteus* from *S. aureus*? Infection and Drug Resistance 2018;Volume 11:2335–2344.
4. Schuster D, Rickmeyer J, Gajdiss M, Thye T, Lorenzen S, et al. Differentiation of *Staphylococcus argenteus* (formerly: *Staphylococcus aureus* clonal complex 75) by mass spectrometry from *S. aureus* using the first strain isolated from a wild African great ape. International Journal of Medical Microbiology 2017;307:57–63.
5. Tong SYC, Schaumburg F, Ellington MJ, Corander J, Pichon B, et al. Novel staphylococcal species that form part of a *Staphylococcus aureus*-related complex: the non-pigmented *Staphylococcus argenteus* sp. nov. and the non-human primate-associated *Staphylococcus schweitzeri* sp. nov. International Journal of Systematic and Evolutionary Microbiology 2015;65:15–22.

7.4 Informations complémentaires pour *Streptomyces* sp

Le genre *Streptomyces* est très diversifié et contient plus de 1 000 espèces différentes. De nombreuses espèces sont étroitement liées les unes aux autres et forment des groupes ou des regroupements. Ces groupes d'espèces peuvent même se chevaucher. Une identification par MALDI Biotyper doit être généralement interprétée comme un résultat préliminaire pour toutes les identifications de *Streptomyces*. La liste de classement Biotyper est une indication des espèces qui sont étroitement liées, et d'autres indications de référence ne sont pas créées. Une identification exacte de l'espèce doit être effectuée en utilisant d'autres méthodes de différenciation si nécessaire. Veuillez envisager une résolution limitée similaire des espèces en utilisant le séquençage du gène 16S rRNA. Les méthodes taxonomiques basées sur le génome doivent être utilisées comme référence pour une identification sûre des *Streptomyces* (6).

Référence

6. Nouioui I, Carro L, García-López M, Meier-Kolthoff JP, Woyke T, et al. Genome-Based Taxonomic Classification of the Phylum Actinobacteria. *Front Microbiol* 2018;9:2007.

7.5 Informations complémentaires pour le complexe *Enterobacter cloacae* (ECC)

Jusqu'à la révision G de la bibliothèque, la MBT IVD Library contenait 33 ECC MSPs. Plusieurs « *E. cloacae* » MSPs ont été ajoutés comme MSPs « complexe *E. cloacae* » au moment de leur introduction. Après avoir réexaminé les entrées de Bruker, beaucoup se sont tournées vers une autre espèce au sein de l'ECC et ont été supprimées ou renommées (aucune d'entre elles n'était incorrecte au niveau de l'ECC). Un ensemble de 48 espèces ECC bien caractérisées (à l'aide du séquençage du génome entier) ont été ajoutées à la MBT IVD Library, ce qui a donné lieu à 69 ECC MSPs dans la révision J de la bibliothèque. Les 69 ECC sont maintenant caractérisés au niveau des espèces (et NON plus seulement au niveau des complexes).

7.6 Informations complémentaires pour les nouvelles entrées de bibliothèque pour les levures

Les levures sont plus difficiles à identifier avec certitude, surtout si l'on utilise DT ou eDT comme méthode de préparation des échantillons. Cela est dû à la nature des cellules eucaryotes (par exemple, une paroi cellulaire plus robuste). Dans cette mise à jour de la bibliothèque, plus de 400 entrées de référence optimisées (MSP) ont été ajoutées à la MALDI Biotyper Library pour améliorer les taux d'identification des levures. Presque toutes les espèces de levures existantes ont été mises à jour, et de nouvelles entrées de référence ont été ajoutées. La résolution des espèces a été testée de manière intensive pour les spectres de levure DT et eDT et une résolution similaire des espèces a pu être confirmée. Une amélioration significative du log(score) des spectres DT/eDT a été obtenue sans perte d'information sur les espèces.

7.7 Amélioration des entrées de référence pour l'espèce *Bacillus cereus*

Les entrées de référence du groupe *Bacillus cereus* ont été mises à jour. Dans les entrées mises à jour, les Phylogenic Groups (PG) selon le concept décrit par *Guinebretière et al. 2008* seront affichés dans les noms de MSP. Les PG sont caractérisés par le séquençage du gène *panC* et peuvent refléter la relation taxonomique mieux que les concepts existants où les espèces ne peuvent être différenciées par les approches taxonomiques polyphasiques courantes.

B. cereus (Bc) et *B. thuringiensis* (Bt) n'ont pas pu être différenciés par MALDI. Bc et Bt sont répartis sur plusieurs PG (II, III, IV, V). Avec MALDI, les PG II et PG V peuvent être séparés des PG III et PG IV.

Les autres espèces de *Bacillus* suivantes, récemment publiées, ne font pas partie de la bibliothèque :

Bacillus toyonensis (souche de type BCT-7112T), *Bacillus wiedmannii* (souche de type FSL W8-0169T), *Bacillus paranthracis* sp. nov. (souche de type Mn5T), *Bacillus pacificus* sp. nov. (souche de type EB422T), *Bacillus tropicus* sp. nov. (souche de type N24T), *Bacillus albus* sp. nov. (souche de type N35-10-2T), *Bacillus mobilis* sp. nov. (souche de type 0711P9-1T), *Bacillus luti* sp. nov. (souche de type TD41T), *Bacillus proteolyticus* sp. nov. (souche de type TD42T), *Bacillus nitratireducens* sp. nov. (souche de type 4049T) et *Bacillus paramycoides* sp. nov. (souche de type NH24A2T).



Bruker Daltonics GmbH & Co. KG
Fahrenheitstraße 4
28359 Bremen
Allemagne

E-mail : biotyper.support@bruker.com
Téléphone : +49 421 2205-1401
Fax : +49 421 2205-106

Symbole	Description
	Fabricant
	Référence du catalogue
	Dispositif médical de diagnostic <i>in vitro</i>
	Marquage CE

Les présentes descriptions et spécifications remplacent toutes les informations antérieures.
Copyright © 2023, Bruker Daltonics GmbH & Co. KG